# lista 3 - descritiva

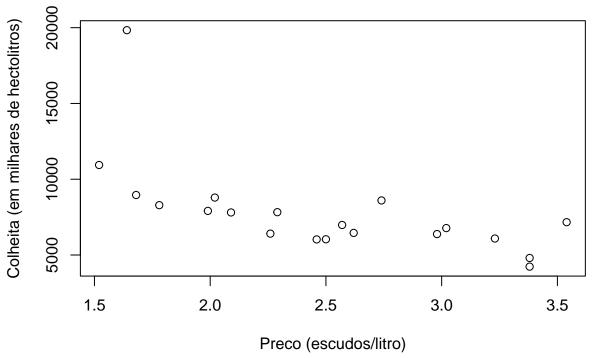
### Lista 3 - Estatística Descritiva

### Professora: Márcia D'Elia Branco

```
Nomes:
Bruna Umino
Beatriz Vianna
#Exercício 1
```

#### 1a

## Grafico de dispersao



#Correlacao linear cor(preco, colheita)

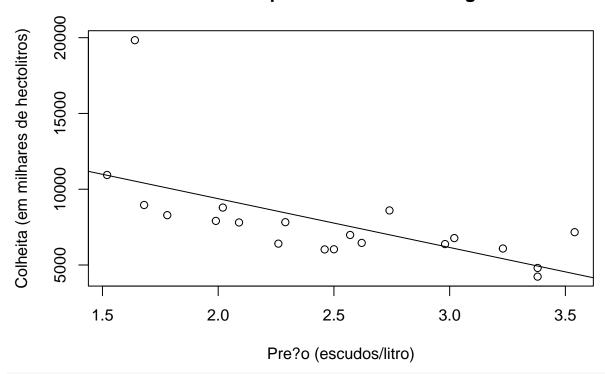
## [1] -0.6239457

Como podemos observar o gráfico apresenta uma correlação linear significativa e negativa (ou seja, quanto menor a colheita, mais alto fica o preço), que está sendo influenciada pelo dado do ano de 1943, devido a este valor, a correlação está mais elevada.

### **1**b

plot( colheita ~ preco, xlab = "Pre?o (escudos/litro)", ylab = "Colheita (em milhares de hectolitros)",
abline(lm (colheita ~ preco))

### Gr?fico de dispers?o com reta de regress?o



#### lm (colheita ~ preco)

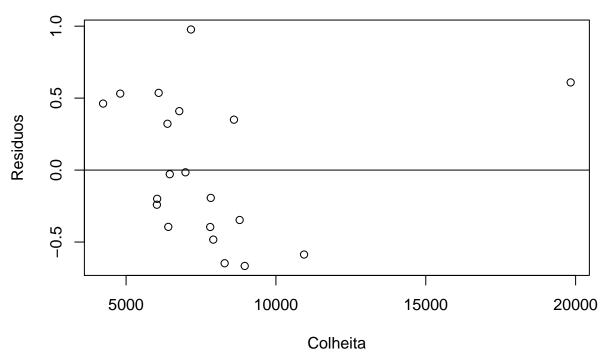
```
##
## Call:
## lm(formula = colheita ~ preco)
##
## Coefficients:
## (Intercept) preco
## 15813 -3219
```

Dado que o resultado do coeficiente angular foi igual a -3219, podemos observar que consiste em um valor negativo, ou seja, o preço e a colheita são inversamente proporcionais. #1c

#### lm(preco~colheita)

```
##
## Call:
## lm(formula = preco ~ colheita)
##
## Coefficients:
## (Intercept) colheita
## 3.4297758 -0.0001209
residuos <- resid(lm(preco~colheita))
plot(colheita, residuos, ylab="Residuos", xlab="Colheita", main="Gráfico de resíduos")
abline(0,0)</pre>
```

### Gráfico de resíduos

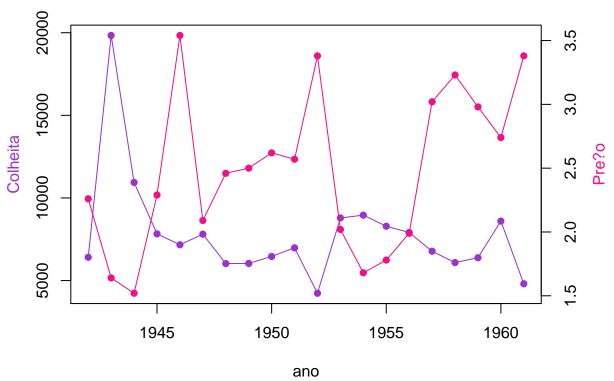


#### COMENTAR!!!!!!!!!!!

#1d

```
#diminuir o grafico
par(mar=c(4,4,4,4))
#grafico de disperssao ano x colheita
plot (colheita~ano, type="o", col="darkorchid3", ylab = "", pch=16, main = "Gráfico colheita x ano x pr
#legendas
mtext("Colheita", side = 2, line = 2.5, col="darkorchid3")
par(new=TRUE)
#grafico de disperssao ano x pre?o
plot(preco~ano, axes=FALSE, type='o', col='deeppink2', ann=FALSE, pch=16)
#legendas
mtext("Pre?o", side = 4, line = 2.5, col="deeppink2")
axis(4)
```

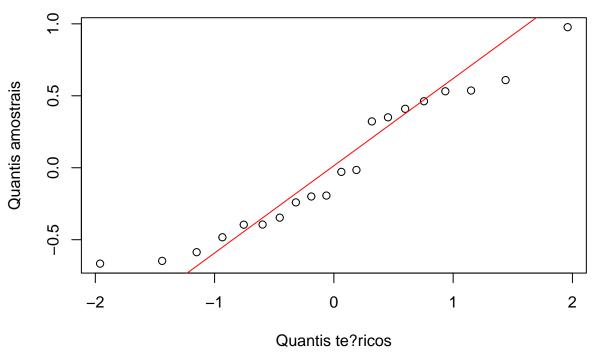
## Gráfico colheita x ano x preço



1e

```
qqnorm(residuos, main = "Gr?fico de probabilidades normais", xlab = "Quantis te?ricos", ylab = "Quantis
qqline(residuos, col="red")
```

## Gr?fico de probabilidades normais



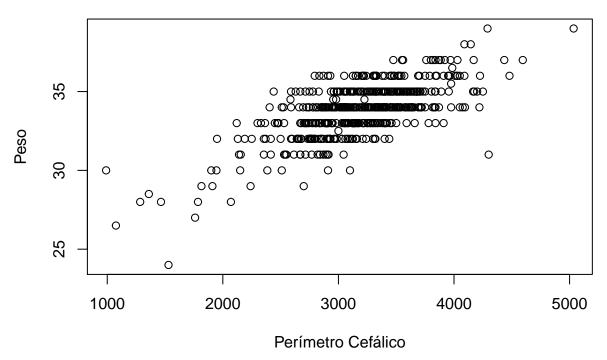
ANALISAR!!!!!!!!!!!!!!!!

## Questao 2

### 2a

```
library (magrittr)
dados <- read.csv2("/home/be/viabianna/Downloads/dadosmalariaCEA15P14.csv")
#Retirar os dados que contém N/A
dados %>% subset(!is.na(pc)) %>% subset(!is.na(peso)) %>% subset(!is.na(est))
#Gráfico de Dispersão Perímetro Cefálico x Peso
plot(dados$pc~dados$peso, xlab="Perímetro Cefálico", ylab="Peso", main= "Gráfico de Dispersão Perímetro
```

# Gráfico de Dispersão Perímetro Cefálico x Peso

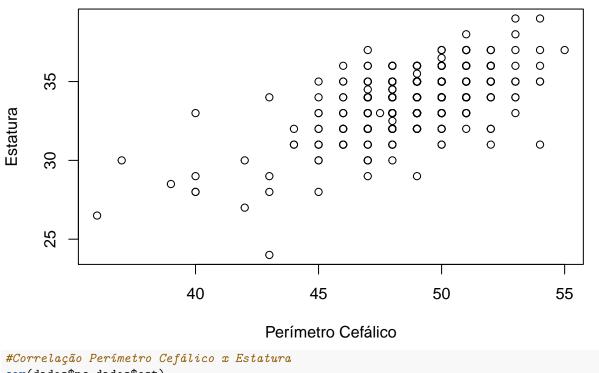


#Correlação Perímetro Cefálico x Peso
cor(dados\$pc,dados\$peso)

## [1] NA

#Gráfico de Dispersão Perímetro Cefálico x Estatura
plot(dados\$pc~dados\$est, xlab="Perímetro Cefálico", ylab="Estatura", main= "Gráfico de Dispersão Períme

# Gráfico de Dispersão Perímetro Cefálico x Estatura



```
cor(dados$pc,dados$est)
## [1] NA
#2b
equação <- (lm(dados$pc~dados$peso))
equação
##
## Call:
## lm(formula = dados$pc ~ dados$peso)
##
## Coefficients:
   (Intercept)
                  dados$peso
      26.06791
                      0.00244
##
A partir destes dados, sabemos que a reta de regressão para Perímetro Cefálico x Peso (que é a variável que
apresenta maior correlação) será
```

```
y = 0.002*3000 + 26.061 y = 32.061 equação <- (lm(dados$pc~dados$est)) equação
```

portanto, o perímetro cefálico, em centímetros, esperado para um bebê de 3000g é:

## ## Call:

y = 0.002x + 26.061

```
## lm(formula = dados$pc ~ dados$est)
##
## Coefficients:
## (Intercept)
                    dados$est
        10.2103
                       0.4824
Já a reta Perímetro Cefálico x Estatura (que apresenta menor correlação) será
y = 0.482x + 10.21
Assim sendo, o perímetro cefálico esperado, em centímetros, para um recém nascido de 50cm será:
y = 0.482 * 50 + 10.21
y = 34.31 \#2c
dados2 <- data.frame(dados$peso, dados$grupo)</pre>
dados2 <- subset(dados2, !is.na(dados$peso))</pre>
dadosgrupo <- vector(length=length(dados2$dados.grupo))</pre>
dadosgrupo[which(dados2$dados.grupo==1)] <- 1</pre>
dadosgrupo[which(dados2$dados.grupo==2)] <- 1</pre>
dadosgrupo[which(dados2$dados.grupo==3)] <- 1</pre>
dados2$dados.grupo <- dadosgrupo</pre>
```