EEE933 - Planejamento e Análise de Experimentos

Estudo de caso 03

This version was compiled on September 30, 2019

Experimento: Comparação de desempenho de duas configurações de um algoritmo de otimização

Apresentação. Algoritmos baseados em populações são uma alternativa comum para a solução de problemas de otimização em engenharia. Tais algoritmos normalmente consistem de um ciclo iterativo, no qual um conjunto de soluções-candidatas ao problema são repetidamente sujeitas a operadores de variação e seleção, de forma a promover uma exploração do espaço de variáveis do problema em busca de um ponto de ótimo (máximo ou mínimo) de uma dada função-objetivo.

Dentre estes algoritmos, um método que tem sido bastante utilizado nos últimos anos é conhecido como *evolução diferencial* (DE, do inglês *differential evolution*)(Storn and Price, 1997). De forma simplificada, este método é composto pelos seguintes passos:

5. Saída: (X_t, \vec{f}_t)

Suponha que um pesquisador está interessado em investigar o efeito de duas configurações distintas deste algoritmo em seu desempenho para uma dada classe de problemas de otimização.

Atividades. Como forma de análise deste problema, cada equipe terá como tarefa a comparação experimental de duas configurações em uma classe de problemas, representada por um conjunto de instâncias de teste. O objetivo deste estudo é responder às seguintes perguntas:

Há alguma diferença no desempenho médio do algoritmo quando equipado com estas diferentes configurações, **para** a classe de problemas de interesse? Caso haja, qual a melhor configuração em termos de desempenho médio (atenção: quanto menor o valor retornado, melhor o algoritmo), e qual a magnitude das diferenças encontradas? Há alguma configuração que deva ser recomendada em relação à outra?

Os seguintes parâmetros experimentais são dados para este estudo:

- Mínima diferença de importância prática (padronizada): $(d^* = \delta^*/\sigma) = 0.5$
- Significância desejada: $\alpha = 0.05$
- Potência mínima desejada (para o caso $d=d^*$): $\pi=1-\beta=0.8$

Informações operacionais. Para a execução dos experimentos, instale os pacotes ExpDE (Campelo and Botelho, 2016) e smoof (Bossek, 2017):

```
install.packages("ExpDE")
install.packages("smoof")
```

A classe de funções de interesse para este teste é composta por funções Rosenbrock (Rosenbrock, 1960) (Pohlheim, 2005) de dimensão entre 2 e 150. Para gerar uma função de Rosenbrock de uma dada dimensão *dim*, faça:

```
# [1] 209.3246 219.2712
```

Os limites das variáveis para uma dada função Rosenbrock de dimensão dim são dados por: $-5 \le x_i \le 10$, i = 1, ..., dim. Para o problema de dimensão dim, os seguintes parâmetros são dados:

```
# FOR INSTANCE: set dim = 10
dim <- 10

selpars <- list(name = "selection_standard")
stopcrit <- list(names = "stop_maxeval", maxevals = 5000 * dim, maxiter = 100 * dim)
probpars <- list(name = "fn", xmin = rep(-5, dim), xmax = rep(10, dim))
popsize = 5 * dim</pre>
```

As configurações que deverão ser comparadas por cada equipe passaram por uma etapa anterior de ajuste de parâmetros. Suas definições são dadas por:

```
# Equipe A

## Config 1
recpars1 <- list(name = "recombination_arith")
mutpars1 <- list(name = "mutation_rand", f = 4)

## Config 2
recpars2 <- list(name = "recombination_bin", cr = 0.7)
mutpars2 <- list(name = "mutation_best", f = 3)</pre>
```

```
# Equipe B

## Config 1
recpars1 <- list(name = "recombination_exp", cr = 0.6)
mutpars1 <- list(name = "mutation_best", f = 2)

## Config 2
recpars2 <- list(name = "recombination_geo", alpha = 0.6)
mutpars2 <- list(name = "mutation_rand", f = 1.2)</pre>
```

```
# Equipe C

## Config 1
recpars1 <- list(name = "recombination_blxAlphaBeta", alpha = 0, beta = 0)
mutpars1 <- list(name = "mutation_rand", f = 4)

## Config 2
recpars2 <- list(name = "recombination_linear")
mutpars2 <- list(name = "mutation_rand", f = 1.5)</pre>
```

```
# Equipe D

## Config 1
recpars1 <- list(name = "recombination_blxAlphaBeta", alpha = 0.4, beta = 0.4)
mutpars1 <- list(name = "mutation_rand", f = 4)

## Config 2
recpars2 <- list(name = "recombination_eigen", othername = "recombination_bin", cr = 0.9)
mutpars2 <- list(name = "mutation_best", f = 2.8)</pre>
```

```
# Equipe E

## Config 1
recpars1 <- list(name = "recombination_lbga")
mutpars1 <- list(name = "mutation_rand", f = 4.5)

## Config 2
recpars2 <- list(name = "recombination_blxAlphaBeta", alpha = 0.1, beta = 0.4)
mutpars2 <- list(name = "mutation_rand", f = 3)</pre>
```

```
# Equipe F

## Config 1
recpars1 <- list(name = "recombination_mmax", lambda = 0.25)
mutpars1 <- list(name = "mutation_best", f = 4)

## Config 2
recpars1 <- list(name = "recombination_npoint", N = dim / 2)
mutpars1 <- list(name = "mutation_rand", f = 2.2)</pre>
```

```
# Equipe G

## Config 1
recpars1 <- list(name = "recombination_blxAlphaBeta", alpha = 0, beta = 0)
mutpars1 <- list(name = "mutation_rand", f = 4)

## Config 2
recpars2 <- list(name = "recombination_exp", cr = 0.6)
mutpars2 <- list(name = "mutation_best", f = 2)</pre>
```

Cada observação individual do desempenho do algoritmo equipado com um dado operador pode ser obtida através dos comandos abaixo:

onde mutparsX e recparsX devem ser substituídos pelas variáveis apropriadas (e.g., mutpars1, mutpars2 etc.).

Outras definições. Este estudo de caso consiste das seguintes etapas:

- 1. Formulação das hipóteses de teste;
- 2. Cálculo dos tamanhos amostrais (quantas instâncias testar? Quantas repetições de cada algoritmo por instância?);
- 3. Coleta e tabulação dos dados;
- 4. Teste das hipóteses;
- 5. Estimação da magnitude da diferença entre os métodos (incluindo intervalo de confiança);
- 6. Verificação das premissas dos testes;
- 7. Derivação de conclusões;
- 8. Discussão sobre possíveis limitações do estudo e sugestões de melhoria.

Lembre-se que as conclusões devem ser colocadas no contexto das perguntas técnicas de interesse.

Importante: Após a definição do número de instâncias necessárias, as dimensões a serem utilizadas deverão ser amostradas no intervalo de dimensões que define a classe de problemas de interesse, isso é, $dim \in [2, 150]$.

Dica: Embora não resolva todos os problemas deste estudo de caso, o artigo *Sample size estimation for power and accuracy in the experimental comparison of algorithms* (https://link.springer.com/article/10.1007%2Fs10732-018-9396-7) pode ser interessante em termos de uma melhor compreensão dos aspectos estatísticos deste tipo de comparação.

Relatório. Cada equipe deverá entregar um relatório detalhando o experimento e a análise dos dados. O relatório será avaliado de acordo com os seguintes critérios:

- Obediência ao formato determinado (ver abaixo);
- Reproducibilidade dos resultados;
- Qualidade técnica;
- Estrutura da argumentação;
- Correto uso da linguagem (gramática, ortografia, etc.);

O relatório deve *obrigatoriamente* ser produzido utilizando R Markdown (opcionalmente utilizando estilos distintos, como o do presente documento), e deve conter todo o código necessário para a reprodução da análise obtida, embutido na forma de blocos de código no documento. Os grupos devem enviar:

- O arquivo .Rmd para geração do relatório.
- O arquivo .pdf compilado a partir do .Rmd.
- O arquivo de dados utilizado, em formato .csv.

O arquivo **.Rmd** deve ser capaz de ser compilado em um pdf sem erros, e deve assumir que o arquivo de dados se encontra no mesmo diretório do arquivo do relatório. Modelos de estudos de caso estão disponíveis no repositório da disciplina no github. Caso a equipe deseje utilizar o estilo do presente documento, pode consultar seu código-fonte no repositório (note que o mesmo requer a instalação do pacote *pinp*).

Importante: Salve seu arquivo .Rmd em UTF-8 (para evitar erros na compilação em outros sistemas). Importante: Inclua no relatório os papéis desempenhados por cada membro da equipe (Relator, Verificador etc.) Relatórios serão aceitos em português ou inglês.

Entrega. Os arquivos relativos a este estudo de caso (pdf + rmd + csv) deverão ser comprimidos em um .ZIP e submetidos via Moodle, na atividade **Estudo de Caso 03**, até a data-limite de **Terça-feira, 29 de outubro de 2018, às 23:55h**. Após esta data o sistema estará fechado para recebimento.

Importante: Apenas uma submissão por equipe é necessária.

Importante: Relatórios não serão recebidos por e-mail ou em formato impresso.

References

Bossek J (2017). "smoof: Single- and Multi-Objective Optimization Test Functions." The R Journal. URL https://journal.r-project.org/archive/2017/RJ-2017-004/index.html.

Campelo F, Botelho M (2016). "Experimental Investigation of Recombination Operators for Differential Evolution." In *Proc. Genetic and Evolutionary Computation Conference - GECCO'2016*.

Pohlheim H (2005). "Examples of Objective Functions." online. URL http://www.geatbx.com/download/GEATbx_ObjFunExpl_v37.pdf.

Rosenbrock HH (1960). "An Automatic Method for Finding the Greatest or least Value of a Function." Computer Journal, 3(3), 175-184.

Storn R, Price K (1997). "Differential Evolution: A Simple and Efficient Heuristic for Global Optimization over Continuous Spaces." *J. of Global Optimization*, **11**(4), 341–359.