## Exercício 2

December 18, 2020

Aluno: Victor São Paulo Ruela

```
[1]: %load_ext autoreload
%autoreload 2

import pandas as pd
import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
import seaborn as sns
import scipy
```

## 0.1 Problema Não-Linearmente Separável

Inicialmente, define-se a função geradora dos dados, conforme indicado no enunciado.

```
[2]: def func_circle(radius=0.6):
    x = np.arange(-1, 1 + 0.1, step=0.1)
    y = np.arange(-1, 1 + 0.1, step=0.1)

    xy = np.array([(xi, yi) for xi in x for yi in y])

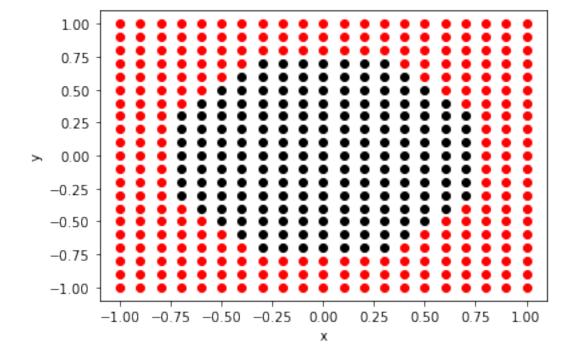
    z = np.sum(xy ** 2, axis=1)
    z_class = 1 * (z > radius)

    df = pd.DataFrame()
    df['x'] = xy[:, 0]
    df['y'] = xy[:, 1]
    df['class'] = z_class.flatten()

    return df

def plot_func(data):
    t_class0 = data['class'] == 0
    t_class1 = data['class'] == 1

    fig, ax = plt.subplots()
```



Conforme pode ser visto na figura acima, os dados não são linearmente separáveis. Logo, um mapeamento não-linear dever ser aplicado para que seja possível realizar sua solução em um novo espaço linearizado.

Utilizando o Perceptron simples e uma transformação dos dados de entrada por uma função de kernel Gaussiano (RBF), é possível resolver este problema sem modificar o algoritmo. Sua implementação é feita considerando um problema de classificação binário, logo o algoritmo do gradiente descendente não será necessário.

```
[3]: # Implementação do perceptron simples para um problema de classificação binário class LinearPerceptron:

def __init__(self, eta=0.01, max_epochs=300):
    self.eta = eta
```

```
self.max_epochs = max_epochs
def predict(self, x, w):
    N, _= x.shape
    x_{aug} = np.hstack((-np.ones((N, 1)), x))
    u = x_aug @ w
    return u, 1.0 * (u >= 0)
def train(self, x_train, y_train):
    # initialize the weight matrix
    N, n = x_train.shape
    x_aug = np.hstack((-np.ones((N, 1)), x_train))
    wt = np.random.rand(n+1) - 0.5
    wk = []
    n_{epochs} = 0
    e_vec = []
    while(n_epochs < self.max_epochs):</pre>
        # generate random indexes order
        xseq = np.arange(N)
        np.random.shuffle(xseq)
        error_array = []
        for i_rand in xseq:
            yhati = 1.0 * ((x_aug[i_rand, :] @ wt) >= 0)
            ei = y_train[i_rand] - yhati
            # calculate step size
            dw = self.eta * ei * x_aug[i_rand, :]
            # update weight vector
            wt = wt + dw
            wk.append(wt)
            error_array.append(ei ** 2)
        # increment number of epochs
        n_{epochs} = n_{epochs} + 1
        e_vec.append(np.sum(error_array) / N)
    return wt, e_vec, wk
```

Em seguida, é criada uma rotina que recebe um conjunto de dados de entrada e desenha a superfície de decisão aprendida para o modelo.

```
[4]: def plot_decision_boundary(data, kernel=None):
    fig, ax = plt.subplots()
```

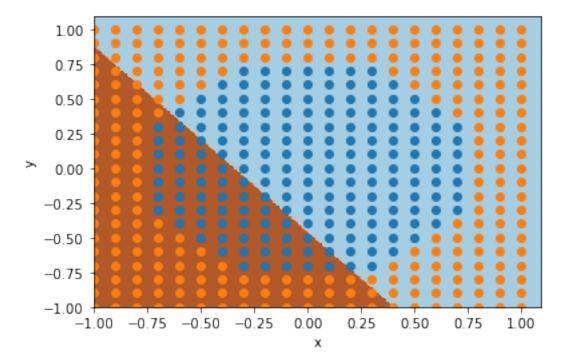
```
x = np.arange(-1, 1 + 0.1, step=0.01)
  y = np.arange(-1, 1 + 0.1, step=0.01)
  xx, yy = np.meshgrid(x, y)
  # flatten each grid to a vector
  r1, r2 = xx.flatten(), yy.flatten()
  r1, r2 = r1.reshape((len(r1), 1)), r2.reshape((len(r2), 1))
  if kernel != None:
      r1, r2 = kernel(r1), kernel(r2)
  # horizontal stack vectors to create x1,x2 input for the model
  grid = np.hstack((r1,r2))
  # train the model
  model = LinearPerceptron()
  y_train = data['class'].to_numpy()
  x_train = data[['x', 'y']].to_numpy()
  if kernel != None:
      x_train = kernel(x_train)
  w, e, wk = model.train(x_train, y_train)
  # make predictions for the grid
  _, yhat = model.predict(grid, w)
  # reshape the predictions back into a grid
  zz = yhat.reshape(xx.shape)
  ax.contourf(xx, yy, zz, cmap='Paired')
  t_class0 = data['class'] == 0
  t_class1 = data['class'] == 1
  ax.scatter(data.loc[t_class0, 'x'],
              data.loc[t_class0, 'y'], cmap='Paired')
  ax.scatter(data.loc[t_class1, 'x'], data.loc[t_class1, 'y'], cmap='Paired')
  ax.set_xlabel('x')
  ax.set_ylabel('y')
  # calculate training error
  fig, ax = plt.subplots()
  ax.plot(e)
  ax.set_xlabel('Epochs')
  ax.set_ylabel('Error')
  # print final training error
  print(f'Model Accuracy: {100 * np.sum(y_train == model.predict(x_train, w))/
→len(y_train)} %')
```

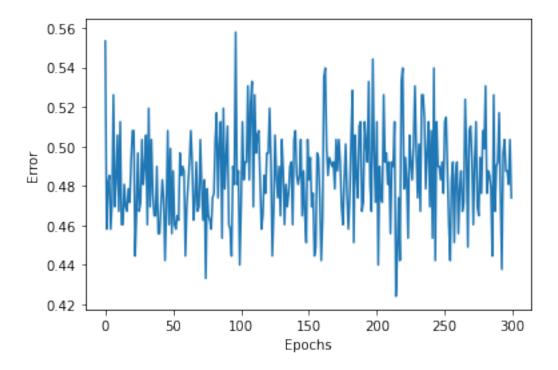
Como exercício, primeiro tentamos aprender um modelo usando diretamente os dados na sua forma

original. Conforme esperado, o Perceptron simples é incapaz de aprender a superfície de separação correta para esses dados, conforme pode ser visto nas figura abaixo. Observando o erro de treinamento ao longo das épocas, nota-se uma grande variação dos valores e que não há convergência para um determinado conjunto de pesos.

[5]: # Linear perceptron plot\_decision\_boundary(data)

Model Accuracy: 52.38095238095238 %

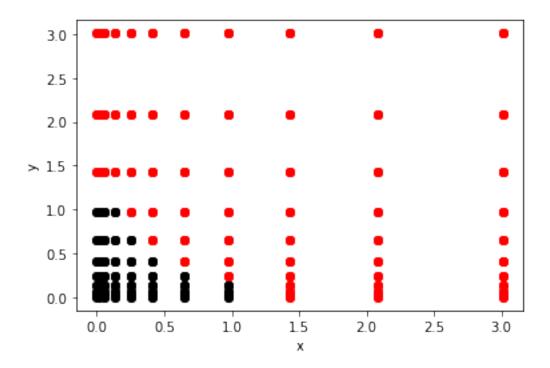




Podemos, portanto, aplicar uma transformação Gaussiana nos dados por meio de um Kernel RBF:

$$h(x, \mu_i, r) = e^{-(x-\mu_i)^2/2r^2}$$

O valor da média  $\mu_i$  é zero e o raio r 0.6, uma vez que conhecemos a função geradora dos dados.

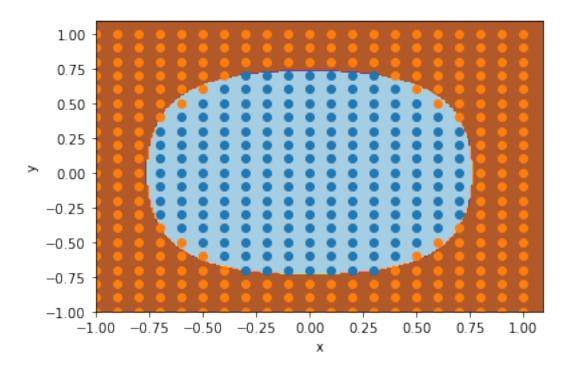


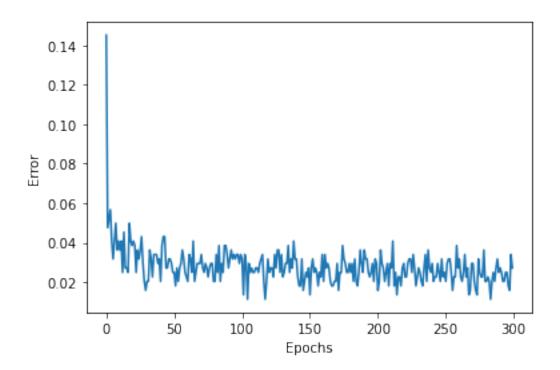
No gráfico acima, nota-se que os dados são facilmente separados pelo Perceptron simples neste espaço linearizado. Se executarmos a mesma rotina anterior, porém considerando os dados transformados, é possível chegar à superfície de decisão esperada no espaço original, conforme exibido na figura abaixo.

Note que o erro converge rapidamente para uma determinada faixa e que é possível encontrar uma superfície de separação bem próxima da real.

```
[7]: # Train RBF (Gaussian) kernel plot_decision_boundary(data, rbf)
```

Model Accuracy: 98.1859410430839 %





## 0.2 Overfitting e Underfitting

- a) Dado que foi informado que os dados da função geradora são ruidosos, é possível concluir que o modelo azul será o mais adequado. O modelo preto representa o overfitting, uma vez que ele também está descrevendo o ruído introduzido, o que não é desejado. Já o modelo vermelho representa o underfitting, pois o modelo escolhido é muito simples em relação a função geradora e não consegue a descrever com fidelidade.
- b) O modelo preto apresenta o menor erro de treinamento. Ele não é adequado pois não generaliza muito bem os dados, configurando um overfitting em relação a eles. Dessa forma, ele não irá conseguir prever com qualidade novos dados não observados se esta aproximação for utilizada.
- c) O modelo preto terá a maior complexidade, ou seja, possuirá o maior grau em relação aos demais. O modelo vermelho é o de menor complexidade e possui o menor grau. O modelo azul, por apresentar um resultado de compromisso entre erro e variância, terá uma complexidade intermediária, com um polinômio de grau entre o modelo preto e vermelho.

## 0.3 Aproximação polinomial

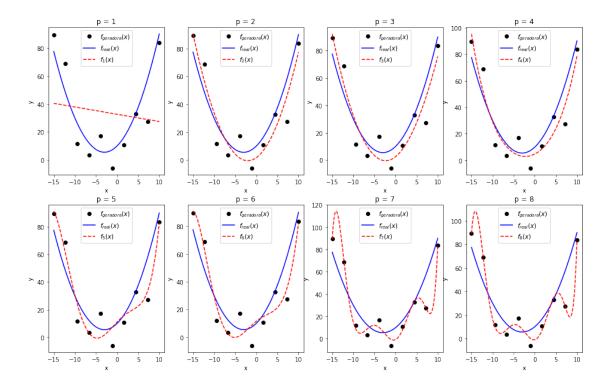
```
[35]: # Implementação do modelo de regressao polinomial
      class PolynomialRegression:
          def __init__(self):
              pass
          def power(self, x, p):
              return [x ** (p-i) for i in range(p + 1)]
          def predict(self, x, w, p):
              H = np.array(self.power(x, p)).T
              yp = H @ w
              return yp
          def fit(self, x train, y train, p):
              # apply power function
              H = np.array(self.power(x_train, p)).T
              w = np.linalg.pinv(H) @ y_train
              return w
      # função geradora dos dados
      def generator func(N, sigma=4):
          xs = np.linspace(-15, 10, N)
          ys = (xs**2)/2 + 3*xs + 10 + np.random.randn(N)*(sigma**2)
          return xs, ys
```

```
# Função que gera os dados e calcula os polinomios até o grau maximou
\rightarrow especificado
def fit_polynomials(N_train, p_range, N_test = 500):
    x, y = generator func(N train)
    x_r, y_r = generator_func(N_test, 0) # no error, real function
    model = PolynomialRegression()
    1 = len(p_range)
    fig, ax = plt.subplots(2, int(1/2), figsize=(16,10))
    for k, p in enumerate(p_range):
        w = model.fit(x,y,p)
        yp_r = model.predict(x_r, w, p)
        j = int(k \% (1/2))
        i = int(np.floor(k/(1/2)))
        ax[i, j].plot(x, y, 'ko')
        ax[i, j].plot(x_r, y_r, 'b-')
        ax[i, j].plot(x r, yp r, 'r--')
        ax[i, j].legend(['$f_{geradora}(x)$', '$f_{real}(x)$', f'$f_{p}(x)$'])
        ax[i, j].set_title(f'p = {p}')
        ax[i, j].set_xlabel('x')
        ax[i, j].set_ylabel('y')
    fig.show()
```

Realizando aproximações polinomiais para 10 amostras, variando o grau máximo do polinômio de p=1 até p=8, os resultados podem ser vistos na figura abaixo.

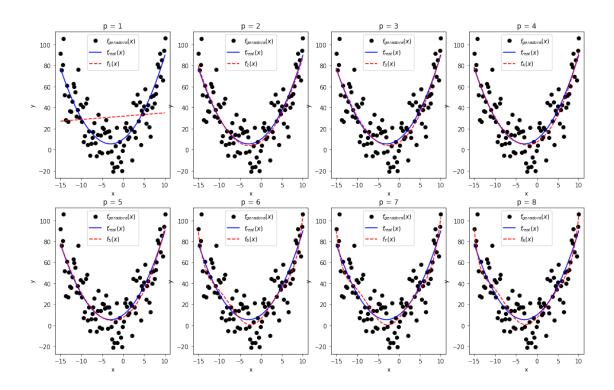
É possível ver que o underfitting ocorre somente para o grau p=1, uma vez que ele é caracterizado por uma reta e a função geradora é quadrática. De p=2 até p=5, os resultados são bem similares e não há uma caracterização visível de overfitting. A parti de p=6, o overfitting começa a ser mais evidente, uma vez o polinômio estimado está passando em cima de todos os dados usados para treinamento, exibindo erro mínimo nesta situação.

```
[36]: N_train = 10
p_range = range(1, 9)
fit_polynomials(N_train, p_range)
```



Repetindo o mesmo experimento, porém considerando agora 100 amostras da função geradora, os resultados podem ser vistos na figura abaixo. É interessante notar que com o aumento do número de dados, o overfitting não ficou muito evidente em relação a quando o número de amostras era baixo. Isso sugere que um grau p=8 não é suficiente para causar overfitting com um volume maior de dados, sendo capaz de capturar melhor o comportamente médio dos dados.

```
[37]: N_train = 100
p_range = range(1, 9)
fit_polynomials(N_train, p_range)
```



[]: