Tarefa 9

Implementar um algoritmo genético para resolver um problema de minimização.

Autores

Renan Mateus Bernardo Nascimento Vinícius Magalhães D'Assunção

Requisitos necessários

- python3
- numpy
- matplotlib
- python3-tk

Configuração do ambiente

Instale o python3, numpym, matplotlib e o python3-tk:

```
sudo apt-get install python3
pip3 install numpy
pip3 install matplotlib
sudo apt-get install python3-tk
```

Instrução para execução

É possível executar o código de duas maneira:

Jupyter notebook

- É necessário ter o Jupyter notebook
- Carregue o arquivo algoritmo genetico.ipynb

Terminal

Execute o seguinte comando no terminal:

```
python3 main.py tam_populacao, inicio_alelo, fim_alelo, tax_cruzamento, tax_mutacao,
max_geracoes
```

Decisões de implementação

Foi utilizada a função de aptidão para a avaliação, o método da roleta para seleção, o cruzamento aritmético, sendo os valores de alfa gerados aleatoriamente no intervalo (0,1), a mutação CREEP, em que é somado um valor aleatório no intervalo [-2,2]. Todos os pais são substituídos pelos filhos ao final de cada iteração.

Classe Cromossomo

Define o TAD de cromossomo, que possui como atributos uma lista de alelos e um valor de aptidão.

```
In [1]: import matplotlib.pyplot as plt
import numpy as np
import random

In [2]: class Cromossomo:
    def __init__(self, qtd_alelos):
        self.alelos = np.zeros(qtd_alelos)
        self.aptidao = 0.0
```

Classe Ag

Possui a implementação do algoritmo genético, possuindo os métodos para de população, cálculo de aptidão, seleção, cruzamento e mutação.

```
In [29]: class Ag:
             def __init__(self, tam_populacao, inicio, fim, tax_cruzamento, tax_m
         utacao, max geracoes):
                 self.tam populacao = tam populacao
                 # valor inicial para alelos do cromossomo
                 self.inicio = inicio
                 # Valor final para alelos do cromossomo
                 self.fim = fim
                 self.tax cruzamento = tax cruzamento
                 self.tax mutacao = tax mutacao
                 self.max_geracoes = max_geracoes
                 # offset da função de aptidão
                 self.OFFSET = 1500
                 self.MAX = 959.6407 + self.OFFSET
                 self.QTD\_ALELOS = 2
                 self.ELITE = 5
                 self.populacao = []
             ' Inicializa a lista de população
             def popular(self):
                 self.populacao = []
                 for c in range(0, self.tam_populacao):
                     cromo = Cromossomo(self.QTD_ALELOS)
                     for a in range(0, len(cromo.alelos)):
                          cromo.alelos[a] = random.randrange(self.inicio, self.fim
         + 1)
                     cromo.aptidao = self.calcAptidao(cromo.alelos[0], cromo.alel
         os[1])
                     self.populacao.append(cromo)
             ' Calcula a função de aptidão de toda a população
             def calcAptidao(self, x1, x2):
                 return self.0FFSET + (x2 + 47) * np.sin(np.sqrt(abs(x2 + x1/2 +4
         7))) + x1 * np.sin(np.sqrt(abs(x1 - (x2 + 47))))
              ' Faz a seleção da população utilizando o método da roleta
             ' @return selecao
             def selecionar(self):
                 selecao = []
                 roleta = {}
                 total = 0
                 # Adiciona índice do cromossomo à roleta
                 for i, c in enumerate(self.populacao):
                     # A roleta possui a tupla inicio_intervalo e fim_intervalo c
         omo índice do dicionário
                     # O valor corresponde ao índice do vetor de população
                      roleta[(total, total + c.aptidao)] = i
                     total += c.aptidao
                 # Sorteia tam populacao/2 números para selecionar na roleta
                 for i in range(0, self.tam_populacao):
                     # Sorteia o número entre O(fechado) e a aptidão total(aberto
         )
                     num = random.uniform(0, total)
                      for intervalo, c in roleta.items():
                          if num >= intervalo[0] and num < intervalo[1]:</pre>
                              selecao.append(c)
                 return selecao
             . . .
```

Valor mínimo da função eggholder

Com a inversão de sinal da função e a soma de um OFFSET = 1500, o mínimo da função agora corresponde ao máximo **2459.6407**.

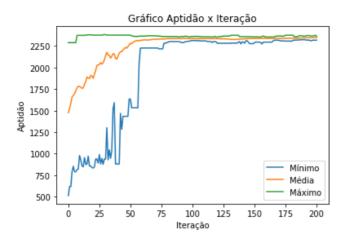
Variando a taxa de cruzamento

É possível observar que uma menor taxa de cruzamento (0,2) faz com que o máximo, o mínimo e a média convirjam para o valor máximo. Um aumento na taxa de cruzamento faz com que o valor convirja para uma aptidão de 1500.

```
In [27]: tam_populacao, inicio, fim, tax_cruzamento, tax_mutacao, max_geracoes =
    (200, -600, 600, 0.2, 0.1, 200)

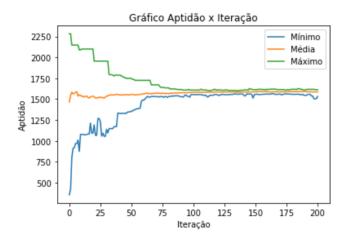
for i in range(1,4):
    tax_cruzamento = 2*i/10
    ag = Ag(tam_populacao, inicio, fim, tax_cruzamento, tax_mutacao, max
    _geracoes)
    print(ag.MAX)
    print("Taxa de cruzamento: " + str(tax_cruzamento))
    ag.executar()
    print('------\n')
```

2459.6407 Taxa de cruzamento: 0.2

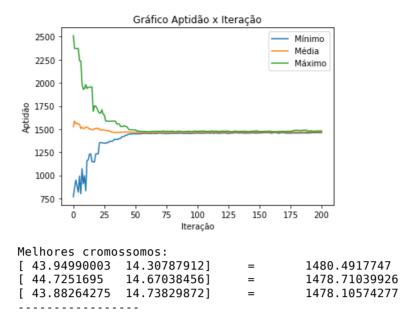


Melhores cromossomos: [-456.89949334 375.95446835] = 2364.5763751 [-453.11297173 377.17484424] = 2363.27276665 [-453.11297173 377.17484424] = 2363.27276665

2459.6407 Taxa de cruzamento: 0.4



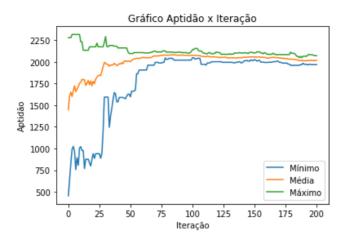
2459.6407 Taxa de cruzamento: 0.6



Variando a taxa de mutação

Uma taxa de mutação de 0.1 fez com que tempo de subida da curva fosse menor. Ao aumentar a taxa de mutação observou-se que o tempo de subida aumentou, ou seja, foram necessárias mais iterações. Para um valor de mutação muito grande, os valores de aptidão começam a convergir para um valor menor do que o desejado.

Taxa de mutação: 0.1

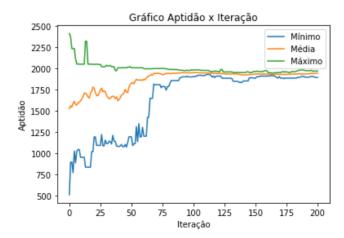


```
Melhores cromossomos:
[ 188.46164484 532.40326383] = 2069.72125688
[ 188.46164484 532.40326383] = 2069.72125688
[ 188.46164484 532.40326383] = 2069.72125688
```

Taxa de mutação: 0.3



Taxa de mutação: 0.5



```
Melhores cromossomos:
```