#### Inteligência Artificial

#### 812839 - Vinícius Miranda de Araújo

Lista 04

### ∨ Questão 1

Utilizando o BayesSearchCV e ajustando os hiperparâmetros do Random Forest e Árvore de decisão para o problema do TITANIC.

```
import pandas as pd
import seaborn as sns
import matplotlib.pyplot as plt
from sklearn.preprocessing import LabelEncoder
from sklearn.ensemble import RandomForestClassifier
from sklearn.tree import DecisionTreeClassifier
from sklearn.metrics import accuracy_score, confusion_matrix, classification_report
from yellowbrick.classifier import ConfusionMatrix
from sklearn import tree
from skopt import BayesSearchCV
# Ler o arquivo de treino
training_data = pd.read_csv( 'titanic/train.csv' )
# Ler o arquivo de teste
test_data = pd.read_csv( 'titanic/test.csv' )
# Ler o arquivo com a resposta correta do o conjunto de teste
truth_table = pd.read_csv( 'titanic/gender_submission.csv' )
# Adicionar coluna 'Survived' ao test_data
test_data = test_data.merge(truth_table, on='PassengerId', how='left')
# -----
# --- Pre-processamentos de Dados
# -----
# Remover colunas irrelevantes ou com muitos valores ausentes
columns_to_drop = ['PassengerId', 'Name', 'Ticket', 'Cabin', 'Embarked']
# Transformação de dados categóricos
encoder = LabelEncoder()
training_data['Sex'] = encoder.fit_transform( training_data['Sex'] )
test_data['Sex'] = encoder.transform( test_data['Sex'] )
# Preenchendo valores ausentes
training_data['Age'] = training_data['Age'].fillna( training_data['Age'].median( ) )
test_data['Age'] = test_data['Age'].fillna( test_data['Age'].median( ) )
training_data['Fare'] = training_data['Fare'].fillna( training_data['Fare'].median( ) )
test_data['Fare'] = test_data['Fare'].fillna( test_data['Fare'].median( ) )
# Separar variáveis independentes e dependentes
X_treino = training_data.drop( columns = columns_to_drop + ['Survived'], axis = 1 ) # X_treino = columas de treino
y_treino = training_data['Survived']
                                                                                 # y_treino = coluna de resposta
X_teste = test_data.drop( columns = columns_to_drop + ['Survived'], axis = 1 ) # X_teste = columns de teste
y_teste = test_data['Survived']
                                                                             # y_teste = coluna de resposta
# -----
# --- Descobrir melhores hiperparâmetros
# Hiperparâmetros Decision Tree
    'criterion': ['gini', 'entropy'],
    'max_depth': [None, 2, 4, 6, 8, 10],
    'max_features': [None, 'sqrt', 'log2', 0.2, 0.4, 0.6, 0.8],
    'min_samples_split': [20, 30, 40, 50]
}
# Hiperparâmetros Random Forest
rf_params = {
    'n_estimators': (50, 200),
    'max_depth': (2, 10),
    'max_features': ['sqrt', 'log2'],
    'min_samples_split': (2, 10)
```

```
# Encontrar melhores hiperparâmetros
dt modelo = BavesSearchCV(
   DecisionTreeClassifier( ),
   search_spaces = dt_params,
    cv = 5,
   n_{jobs} = -1,
    verbose = 1
dt_modelo.fit( X_treino, y_treino )
print( "Melhores hiperparâmetros - Decision Tree:", dt_modelo.best_params_ )
# Otimização Random Forest
rf_modelo = BayesSearchCV(
    RandomForestClassifier( ),
    search_spaces = rf_params,
   cv = 5,
    n_{jobs} = -1,
   verbose = 1
rf_modelo.fit( X_treino, y_treino )
print( "Melhores hiperparâmetros - Random Forest:", rf_modelo.best_params_ )
# --- Treinar o Modelo
# Treinar modelo final com os melhores hiperparâmetros
dt_modelo_final = DecisionTreeClassifier( **dt_modelo.best_params_ )
dt_modelo_final.fit( X_treino, y_treino )
rf_modelo_final = RandomForestClassifier( **rf_modelo.best_params_ )
rf_modelo_final.fit( X_treino, y_treino )
# --- Testar e Avaliar o Modelo
# Fazer previsões
dt_pred = dt_modelo_final.predict( X_teste )
rf_pred = rf_modelo_final.predict( X_teste )
# Avaliar o modelo
                                  - DecisionTree:" , accuracy_score( y_teste, dt_pred ) )
print( "Acurácia do modelo
print( "Matriz de Confusão
                                 - DecisionTree:\n", confusion_matrix( y_teste, dt_pred ) )
print( "Relatório de Classificação - DecisionTree:\n", classification_report( y_teste, dt_pred ) )
                                  - RandomForest:" , accuracy_score( y_teste, rf_pred ) )
print( "Acurácia do modelo
print( "Matriz de Confusão
                                  - RandomForest:\n", confusion_matrix( y_teste, rf_pred ) )
print( "Relatório de Classificação - RandomForest:\n", classification_report( y_teste, rf_pred ) )
# Importância das features
def plot_feature_importance( modelo, X_treino ):
    importancias = modelo.feature_importances_
               = pd.DataFrame( {'Feature': X_treino.columns, 'Importância': importancias} )
                = features.sort_values( by='Importância', ascending=False )
    features
    print( features )
# plot_feature_importance( )
print( "Importância dos Atributos - Decision Tree" )
plot_feature_importance( dt_modelo_final, X_treino )
print( "\nImportância dos Atributos - Random Forest" )
plot_feature_importance( rf_modelo_final, X_treino )
```

# Avaliação de Desempenho

#### **Decision Tree:**

}

Acurácia:

0.8588 = 85.88%

· Classificação:

```
        precision
        recall
        f1-score

        0
        0.88
        0.90
        0.89
```

	precision	recall	f1-score
1	0.82	0.78	0.80

#### Random Forest:

· Acurácia:

```
0.8851 = 88.51%
```

• Classificação:

	precision	recall	f1-score
0	0.89	0.93	0.91
1	0.87	0.80	0.84

### Conclusão

O Random Forest obteve melhor desempenho, com acurácia de 88.5% contra 85.9% da Decision Tree.

O Random Forest teve melhor recall para a classe 0 (não sobreviveu) e maior equilíbrio entre precisão e recall para a classe 1 (sobreviveu).

### Avaliação de Atributos

Os quatro atributos principais são os mesmos em ambos os modelos, mas com importâncias ligeiramente diferentes:

Feature	Decision Tree	Random Forest
Sex	39.0%	40.0%
Fare	26.9%	21.8%
Age	18.2%	17.5%
Pclass	12.8%	12.1%
SibSp	1.9%	4.8%
Parch	0.9%	3.6%

#### Conclusão

- Sexo é a feature mais relevante nos dois modelos.
- Fare (Tarifa paga pelo passageiro) tem mais peso na Decision Tree do que no Random Forest.
- SibSp e Parch têm pouca importância, mas no Random Forest sua relevância é maior.

### ∨ Questão 2

Utilizando o SMOTE para balanceamento dos dados:

```
import pandas as pd
import seaborn as sns
import matplotlib.pyplot as plt
from sklearn.preprocessing import LabelEncoder
from sklearn.ensemble import RandomForestClassifier
from sklearn.tree import DecisionTreeClassifier
from sklearn.metrics import accuracy_score, confusion_matrix, classification_report
from yellowbrick.classifier import ConfusionMatrix
from imblearn.over_sampling import SMOTE
from skopt import BavesSearchCV
from sklearn import tree
# Ler o arquivo de treino
training_data = pd.read_csv( 'titanic/train.csv' )
# Ler o arquivo de teste
test_data = pd.read_csv( 'titanic/test.csv' )
\# Ler o arquivo com a resposta correta do o conjunto de teste
truth_table = pd.read_csv( 'titanic/gender_submission.csv' )
# Adicionar coluna 'Survived' ao test_data
test_data = test_data.merge(truth_table, on='PassengerId', how='left')
# -----
# --- Pre-processamentos de Dados
# -----
# Remover colunas irrelevantes ou com muitos valores ausentes
columns_to_drop = ['PassengerId', 'Name', 'Ticket', 'Cabin', 'Embarked']
# Transformação de dados categóricos
encoder = LabelEncoder()
```

```
training_data['Sex'] = encoder.fit_transform( training_data['Sex'] )
test_data['Sex'] = encoder.transform( test_data['Sex'] )
# Preenchendo valores ausentes
training_data['Age'] = training_data['Age'].fillna( training_data['Age'].median( ) )
test_data['Age'] = test_data['Age'].fillna( test_data['Age'].median( ) )
training_data['Fare'] = training_data['Fare'].fillna( training_data['Fare'].median( ) )
test_data['Fare'] = test_data['Fare'].fillna( test_data['Fare'].median( ) )
# Separar variáveis independentes e dependentes
X_{\text{treino}} = \text{training\_data.drop(} \text{ columns = columns\_to\_drop + ['Survived'], axis = 1 )} \# X_{\text{treino}} = \text{columns de treino}
y_treino = training_data['Survived']
                                                                                    # y_treino = coluna de resposta
X_teste = test_data.drop( columns = columns_to_drop + ['Survived'], axis = 1 ) # X_teste = columns de teste
y_teste = test_data['Survived']
                                                                               # y teste = coluna de resposta
# Balenceamento dos dados com SMOTE
smote = SMOTE( random_state = 42 )
X_resampled, y_resampled = smote.fit_resample( X_treino, y_treino )
print( "Antes do balanceamento - X:\n", X_treino.value_counts( ) )
print( "Depois do balanceamento - X:\n", X_resampled.value_counts( ) )
print( "Antes do balanceamento - y:\n", y_treino.value_counts( ) )
print( "Depois do balanceamento - y:\n", y_resampled.value_counts( ) )
# -----
# --- Descobrir melhores hiperparâmetros
# Hiperparâmetros Random Forest
rf_params = {
    'n_estimators': (50, 200),
    'max_depth': (2, 10),
    'max_features': ['sqrt', 'log2'],
    'min_samples_split': (2, 10)
# Otimização Random Forest
rf_modelo = BayesSearchCV(
    RandomForestClassifier( ),
    search_spaces = rf_params,
   cv = 5,
   n_{jobs} = -1,
    verbose = 1,
   random\_state = 42
rf_modelo.fit( X_resampled, y_resampled )
print( "Melhores hiperparâmetros - Random Forest:", rf_modelo.best_params_ )
# --- Treinar o Modelo
# Treinar modelo final com os melhores hiperparâmetros
rf_modelo_final = RandomForestClassifier( **rf_modelo.best_params_, random_state = 42 )
rf_modelo_final.fit( X_resampled, y_resampled )
# --- Testar e Avaliar o Modelo
# Fazer previsões
rf_pred = rf_modelo_final.predict( X_teste )
# Avaliar o modelo
                                   - RandomForest:" , accuracy_score( y_teste, rf_pred ) )
print( "Acurácia do modelo
                              - RandomForest:\n", confusion_matrix( y_teste, rf_pred ) )
print( "Matriz de Confusão
print( "Relatório de Classificação - RandomForest:\n", classification_report( y_teste, rf_pred ) )
# Importância das features
def plot_feature_importance( modelo, X_treino ):
    importancias = modelo.feature_importances_
               = pd.DataFrame( {'Feature': X_treino.columns, 'Importância': importancias} )
    features
               = features.sort_values( by='Importância', ascending=False )
   print( features )
# plot_feature_importance( )
print( "\nImportância dos Atributos - Random Forest" )
```

### Avaliação

### ANTES:

· Acurácia:

```
0.8851 = 88.51%
```

· Classificação:

	precision	recall	f1-score
0	0.89	0.93	0.91
1	0.87	0.80	0.84

#### **DEPOIS**:

· Acurácia:

```
0.8660 = 86.6%
```

· Classificação:

	precision	recall	f1-score
0	0.89	0.91	0.90
1	0.83	0.80	0.81

#### Conclusão

A principal mudança após o balanceamento com SMOTE foi:

- Leve queda na acurácia (de 0.89 para 0.87).
- F1-score da classe 1 (sobreviventes) caiu um pouco (0.84 → 0.81).
- · Os pesos das variáveis mudaram levemente, mas Sex, Fare e Age continuam sendo os atributos mais importantes.

### Questão 3

Antes, eu estava imputando os valores ausentes utilizando a **mediana** para preencher os campos vazios. Esse método é simples e eficaz para evitar a perda de dados, mas não leva em consideração as relações entre diferentes variáveis.

Agora, vou utilizar o **KNNImputer**, que utiliza a média dos k vizinhos mais próximos para preencher os valores ausentes de forma mais inteligente.

```
import pandas as pd
import seaborn as sns
import matplotlib.pyplot as plt
from sklearn.preprocessing import LabelEncoder
from sklearn.ensemble import RandomForestClassifier
from sklearn.impute import KNNImputer
from sklearn.metrics import accuracy_score, confusion_matrix, classification_report
from yellowbrick.classifier import ConfusionMatrix
from imblearn.over_sampling import SMOTE
from skopt import BayesSearchCV
from sklearn import tree
# Ler o arquivo de treino
training_data = pd.read_csv( 'titanic/train.csv' )
# Ler o arquivo de teste
test_data = pd.read_csv( 'titanic/test.csv' )
# Ler o arquivo com a resposta correta do o conjunto de teste
truth_table = pd.read_csv( 'titanic/gender_submission.csv' )
# Adicionar coluna 'Survived' ao test data
test_data = test_data.merge(truth_table, on='PassengerId', how='left')
# -----
# --- Pre-processamentos de Dados
# Remover colunas irrelevantes ou com muitos valores ausentes
columns_to_drop = ['PassengerId', 'Name', 'Ticket', 'Cabin', 'Embarked']
# Transformação de dados categóricos
```

```
encoder = LabelEncoder()
training_data['Sex'] = encoder.fit_transform( training_data['Sex'] )
test_data['Sex'] = encoder.transform( test_data['Sex'] )
# Preenchendo valores ausentes com KNNImputer
# training_data['Age'] = training_data['Age'].fillna(training_data['Age'].median())
# test_data['Age'] = test_data['Age'].fillna(test_data['Age'].median())
# training_data['Fare'] = training_data['Fare'].fillna(training_data['Fare'].median())
# test_data['Fare'] = test_data['Fare'].fillna(test_data['Fare'].median())
imputer = KNNImputer( n_neighbors=5 )
columns_to_input = ['Age', 'Fare']
training_data[columns_to_input] = imputer.fit_transform( training_data[columns_to_input] )
test_data[columns_to_input] = imputer.transform( test_data[columns_to_input] )
# Separar variáveis independentes e dependentes
X_treino = training_data.drop( columns = columns_to_drop + ['Survived'], axis = 1 ) # X_treino = colunas de treino
y_treino = training_data['Survived']
                                                                                   # y treino = coluna de resposta
X_teste = test_data.drop( columns = columns_to_drop + ['Survived'], axis = 1 ) # X_teste = columns de teste
y_teste = test_data['Survived']
                                                                              # y_teste = coluna de resposta
# Balenceamento dos dados com SMOTE
smote = SMOTE( random_state = 42 )
X_resampled, y_resampled = smote.fit_resample( X_treino, y_treino )
print( "Antes do balanceamento - X:\n", X_treino.value_counts( ) )
print( "Depois do balanceamento - X:\n", X_resampled.value_counts( ) )
print( "Antes do balanceamento - y:\n", y_treino.value_counts( ) )
print( "Depois do balanceamento - y:\n", y_resampled.value_counts( ) )
# --- Descobrir melhores hiperparâmetros
# Hiperparâmetros Random Forest
rf_params = {
    'n_estimators': (50, 200),
    'max_depth': (2, 10),
    'max_features': ['sqrt', 'log2'],
    'min_samples_split': (2, 10)
# Otimização Random Forest
rf_modelo = BayesSearchCV(
    RandomForestClassifier( ),
    search_spaces = rf_params,
   cv = 5,
   n_{jobs} = -1
    verbose = 1,
    random\_state = 42
rf_modelo.fit( X_resampled, y_resampled )
print( "Melhores hiperparâmetros - Random Forest:", rf_modelo.best_params_ )
# --- Treinar o Modelo
# -----
# Treinar modelo final com os melhores hiperparâmetros
rf_modelo_final = RandomForestClassifier( **rf_modelo.best_params_, random_state = 42 )
rf_modelo_final.fit( X_resampled, y_resampled )
# --- Testar e Avaliar o Modelo
# Fazer previsões
rf_pred = rf_modelo_final.predict( X_teste )
# Avaliar o modelo
                                  - RandomForest:" , accuracy_score( y_teste, rf_pred ) )
print( "Acurácia do modelo
print( "Matriz de Confusão
                                  - RandomForest:\n", confusion_matrix( y_teste, rf_pred ) )
print( "Relatório de Classificação - RandomForest:\n", classification_report( y_teste, rf_pred ) )
# Matriz de Confusão
def plot_confusion_matrix( modelo, X_treino, y_treino, X_teste, y_teste ):
    cm = ConfusionMatrix( modelo )
    cm fit( X treino. v treino )
```

```
..... y_creano, y_creano /
    cm.score( X_teste, y_teste )
    cm.show( )
# plot_confusion_matrix( )
# Árvores de Decisão
def plot_decision_tree( modelo, title ):
    plt.figure( figsize=(15, 10) )
    tree.plot_tree(
       modelo,
       feature_names = X_treino.columns,
        class_names = ['Não Sobreviveu', 'Sobreviveu'],
                     = True,
       filled
                    = True
        rounded
    )
    plt.title( title )
    plt.show( )
# plot_decision_tree( )
# Importância das features
\label{lem:def_plot_feature_importance(modelo, X_treino):} \\
    importancias = modelo.feature_importances_
                = pd.DataFrame( {'Feature': X_treino.columns, 'Importância': importancias} )
    features
                = features.sort_values( by='Importância', ascending=False )
    print( features )
# plot_feature_importance( )
print( "\nImportância dos Atributos - Random Forest" )
plot_feature_importance( rf_modelo_final, X_resampled )
```

### Avaliação

#### **ANTES**

• Melhores hiperparâmetros:

```
OrderedDict({'max_depth': 10, 'max_features': 'sqrt', 'min_samples_split': 2, 'n_estimators': 53})

Acurácia do modelo: 0.8660287081339713
```

• Relatório de Classificação:

	precision	recall	f1-score	support
0	0.00	0.01	0.00	266
0	0.89	0.91	0.90	266
1	0.83	0.80	0.81	152
accuracy			0.87	418
macro avg	0.86	0.85	0.85	418
weighted avg	0.87	0.87	0.87	418

• Importância dos Atributos

```
Feature Importância
             0.382119
1
     Sex
             0.226022
5
    Fare
2
             0.205113
     Age
             0.109001
0 Pclass
   SibSp
              0.044947
              0.032797
   Parch
```

## **DEPOIS**

• Melhores hiperparâmetros:

```
OrderedDict({'max_depth': 10, 'max_features': 'sqrt', 'min_samples_split': 2, 'n_estimators': 200})
```

Acurácia do modelo: 0.8660287081339713

• Relatório de Classificação:

	precision	recall	f1-score	support
0	0.88	0.91	0.90	266
1	0.83	0.79	0.81	152
accuracy			0.87	418
macro avg	0.86	0.85	0.85	418
weighted avg	0.87	0.87	0.87	418

• Importância dos Atributos:

	Feature	Importância
1	Sex	0.377391
5	Fare	0.221382
2	Age	0.213991
0	Pclass	0.108402
3	SibSp	0.044182
4	Parch	0.034652

# Conclusão

A substituição da mediana pelo **KNNImputer não trouxe ganho significativo na acurácia**. No entanto:

- Houve uma pequena mudança na importância das variáveis.
- A idade passou a ter um pouco mais de impacto no modelo.
- A escolha dos hiperparâmetros foi diferente.