

Para cada espectro empírico:

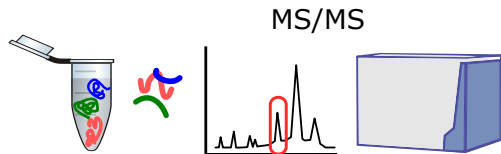
$$\{c \in P : |M_{\text{teórica}} - M_{\text{empírica}}| < \text{Tol}\}$$

c: péptido candidato **P**: péptidos (trípticos) en BD **Tol**: tolerancia

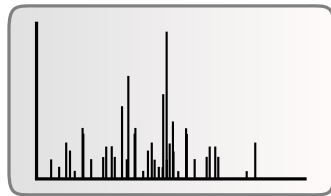
BASE DE DATOS DE SECUENCIAS

```
>orf19.6109 TUP1 CGDID:CAL0005939 Verified ORF
MYPQRTQHQR...K EIPPFLQDLIAK...R WKWTKK*
>
>
>
>orf19.3001 TEM1 CGDID:CAL0001322 Verified ORF
MEEDNQDQNNQVALK...K AILFMFDLTR...K LNLDEIVGEPILIIYK*
>
>
>
>DECOY_orf19.802 Decoy sequence
MSSKSPÉPSYVR ...R LTILDQPFILK...KLGYS*
```

Espectros teóricos



Espectro adquirido



comparar

