

A aula interativa do Módulo 3 – Bootcamp Analista de Machine Learning em breve!

Importante:

- 1) Não se esqueça de acessar a aula com seu <u>e-mail cadastrado no ambiente de aprendizagem do IGTI e seu nome completo</u>. Entrou com os dados errados? Saia da sala e entre novamente com os dados corretos.
- 2) Para sua frequência ser computada, responda a <u>enquete no ambiente de aprendizagem</u>, no horário indicado pelo professor. A enquete ficará disponível por 10 minutos.
- 3) Utilize o Chat para interagir com os colegas durante a aula, a ferramenta Raise Hands para pedir a palavra, e, em caso de dúvidas sobre o conteúdo, utilize o Q&A (perguntas e respostas) para que o professor tutor possa respondê-las.



Informações importantes

- Acesse a aula com o seu nome completo e com o mesmo e-mail utilizado no cadastro do ambiente de aprendizagem do IGTI. Entrou com os dados errados? É só sair da sala e entrar com os dados corretos!
- As presenças das Aulas Interativas são computadas através de uma enquete, que será realizada no ambiente de aprendizagem do IGTI. Para sua frequência ser computada, quando solicitado pelo professor, você deverá ir até a seção "Enquete de presença da Aula Interativa", localizada na Área Acadêmica da disciplina, e responder a enquete. Essa seção estará logo abaixo da que contiver o link para a Aula Interativa em questão. A enquete ficará no ar por 10 minutos e sua nota estará disponível ao término desse tempo.
- Utilize o chat para interagir com os colegas durante a aula interativa! Em caso de dúvidas sobre o conteúdo, é só postá-las no Q&A que o tutor irá respondê-las! Lembre-se que você ainda pode esclarecer as suas dúvidas nos fóruns disponibilizados no Ambiente de Aprendizagem.



Informações importantes

- Ah! E se você não conseguir assistir a aula interativa, não se preocupe! Sua gravação ficará disponível no Área Acadêmica, juntamente com os slides utilizados pelo professor, em até 24 horas úteis após o término da aula. Você também poderá realizar a atividade de reposição para recuperar os pontos de presença!
- Se você precisar solicitar prorrogação e/ou 2ª oportunidade para entrega de atividades, saiba que isso é realizado somente mediante a apresentação de atestado médico ou de óbito de parentes de 1° grau.
- Para melhor experiência nas aulas interativas, sugerimos que você baixe o aplicativo do Zoom no seu computador.





Regressão

Métricas de Qualidade para Regressões



- Erro médio absoluto.
- Erro médio quadrático.
- Erro mediano absoluto.
- Coeficiente de Determinação.



Classificação

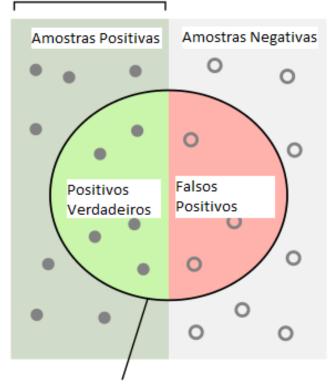
As métricas fundamentais



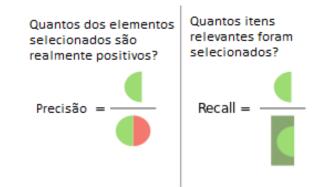
- Acurácia: quantos elementos foram corretamente classificadas.
- Precisão: quantos elementos classificados positivos realmente são positivos.
- Recall: quantos elementos positivos foram percebidos?
- F-Score: Recall e Precisão igualmente importantes!

$$F_1 = 2 \times \frac{precisão * recall}{precisão + recall}$$

elementos relevantes



Elementos selecionados como positivos pelo classificador





Matriz de Confusão



	Positivos	Negativo	
Positivo	Positivos verdadeiros	Falsos Negativos	
Negativo	Falsos Positivos	Negativos verdadeiros	

Separador de frutas – matriz de confusão



- Os resultados: o classificador encontrou 210 maçãs, 255 pêssegos, 285
 peras e 250 bananas.
- O que isso quer dizer..? Por enquanto, nada!
- Eis a matriz de confusão:

	Maçã	Pêssego	Pera	Banana
Maçã	150	90	10	0
Pêssego	30	130	80	10
Pera	30	30	180	10
Banana	0	5	15	230



Acurácia!

Maçãs: 840 corretas, 160 erradas 84%

Pêssegos: 755 corretas, 245 erradas 75%

Peras: 825 corretas, 175 erradas 82,5%

Bananas: 960 corretas, 40 erradas 96%



Precisão:

Maçãs: 150 corretas, 210 encontradas: 71.4%

Pêssegos: 130 corretas, 255 encontrados: 51%

Peras: 180 corretas, 285 encontradas: 63%

- Bananas: 230 corretas, 250 encontradas: 92%



Recall:

Maçãs: 150 corretas, 250 no total 60%

Pêssegos: 130 corretas, 250 no total 52%

Peras: 180 corretas, 250 no total 72%

Bananas: 230 corretas, 250 no total 92%



F-Score:

– Maçãs: 65%

Pêssegos: 51,5%

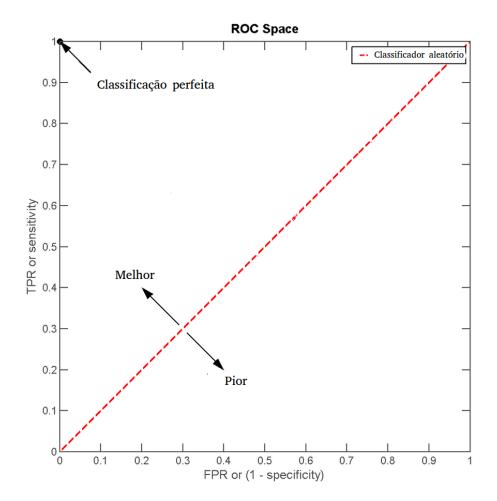
- Peras: **67,2**%

- Bananas: **92%**

Área sob a curva ROC

iGTi

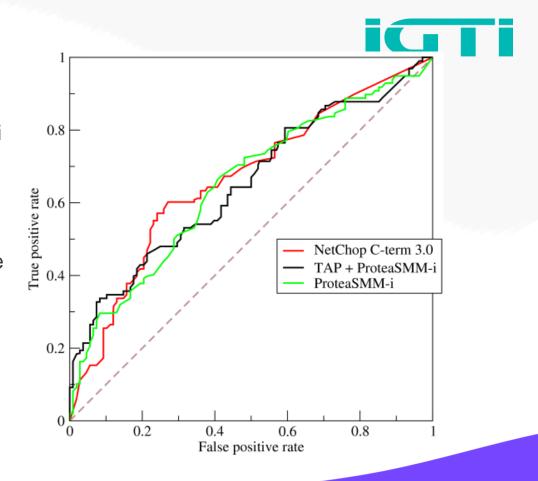
- Taxa de falsos positivos (FPR): Falsos positivos sobre soma de falsos positivos e negativos verdadeiros.
- "Quantos % dos negativos enganaram o classificador?"
- Quanto maior o recall, melhor!
- Quanto menor a FPR, melhor!





Um segundo olhar

- A curva ROC: falando de forma mais precisa do que falei na aula. Indo além da "área sob o quadrado". Ela pode ser uma métrica mais robusta!
- Deixe o seu classificador o menos rígido possível. Colete suas métricas.
- Vá deixando ele cada vez mais rígido, e vá jogando as métricas no gráfico.
- Ao final, a curva ROC!
- O melhor modelo é o com a maior área sob a curva.





Classificação Multilabel

Métricas



- Perda de Hamming Quantas labels erradas?
- Perda 0-1 Ou todas as labels dos elementos certas ou nada feito!



Agrupamento

Homogeneidade e Completude

iGTi

- Homogeneidade: meus agrupamentos são homogêneos?
- Completude: minha classe está em um só agrupamento?

- Acho ela uma das métricas mais difíceis.
- Ela é bem matemática.
- Fácil de fazer confusão.

Homogeneidade e Completude



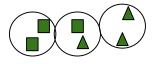
Entropia: Dado que x = (Ocorrências no agrupamento/Total de pontos no agrupamento), calcule:

Homogeneidade:
$$1 - \frac{\text{Entropia das classes nos agrupamentos}}{\text{Entropia das classes}} \qquad 1 - \frac{H(C|K)}{H(C)}$$

Completude:
$$1 - \frac{\text{Entropia dos agrupamentos nas classes}}{\text{Entropia dos agrupamentos}} \qquad 1 - \frac{H(K|C)}{H(K)}$$

Homogeneidade e Completude





Homogeneidade:

$$H(C|K) = ((2/6)*log(2/2) + (1/6)*log(1/2) + 0) + ((0 + (1/6)*log(2/2)) + (2/6)*log(2/2))$$

$$H(C) = ((3/6)*log(3/6))*2$$

$$1 - H(C|K)/H(C) = +-0.66$$

Completude:







$$H(K|C) = ((2/6)*log(2/3) + 0) + ((1/6)*log(1/3) + (1/6)*log(1/3)) + ((2/6)*log(2/3) + 0)$$

$$H(K) = ((3/6)*log(3/6))*3$$

$$1 - H(C|K)/H(C) = +-0.41$$

K-Médias



- K centros.
- Cada ponto é designado para o seu centro mais próximo.
- Centro se move para o centroide dos seus pontos.
- Repita até convergir.

K-Médias – Animação





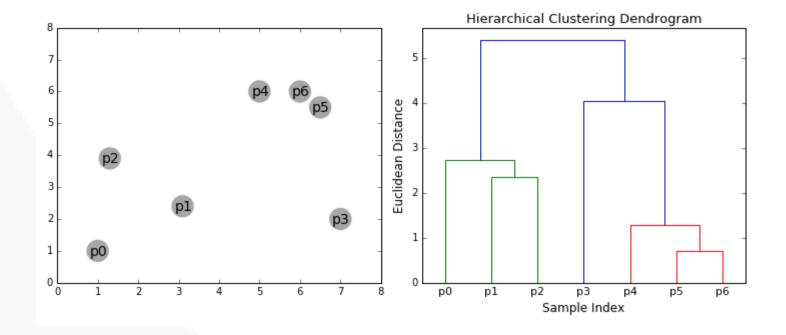
K-Médias



- Escolha um número de clusters que você quer obter.
 (Experimente!)
- Busque o cluster mais próximo do cluster atual.
 Funda ambos em um único cluster.
- Repita até atingir o número de clusters desejado.
- Conectividade: pontos só podem formar clusters com seus vizinhos mais próximos.

Agrupamento Hierárquico - Animação







Na prática!

Calculando as métricas



Usarei os exemplos do Scikit-Learn.

Via de regra, para calcular as métricas, você deve ter duas matrizes de igual dimensão: a das classes previstas e a das classes obtidas!

Erros médios quadráticos e Coeficiente de Determinação



```
>>> from sklearn.metrics import mean squared error
\Rightarrow>> y true = [3, -0.5, 2, 7]
>>> y pred = [2.5, 0.0, 2, 8]
>>> mean_squared_error(y_true, y_pred)
0.375
>>> y_true = [[0.5, 1], [-1, 1], [7, -6]]
>>> y_pred = [[0, 2], [-1, 2], [8, -5]]
>>> mean squared error(y true, y pred)
0.7083...
>>> from sklearn.metrics import r2_score
\Rightarrow>> y true = [3, -0.5, 2, 7]
>>> y_pred = [2.5, 0.0, 2, 8]
>>> r2 score(y true, y pred)
0.948...
```

Acurácia e Recall



```
>>> import numpy as np
>>> from sklearn.metrics import accuracy_score
>>> y_pred = [0, 2, 1, 3]
>>> y_true = [0, 1, 2, 3]
>>> accuracy_score(y_true, y_pred)
0.5
>>> from sklearn.metrics import recall score
>>> y true = [0, 1, 2, 0, 1, 2]
>>> y_pred = [0, 2, 1, 0, 0, 1]
>>> recall_score(y_true, y_pred, average='macro')
0.33...
>>> recall_score(y_true, y_pred, average='micro')
0.33...
>>> recall score(y true, y pred, average='weighted')
0.33...
>>> recall_score(y_true, y_pred, average=None)
array([ 1., 0., 0.])
```

average = None

retorna o recall de cada classe. Caso contrário, retorna diferentes tipos de médias do recall.

Precisão



 average = None retorna a precisão de cada classe. Caso contrário, retorna diferentes tipos de médias da precisão.

F1 Score



```
>>> from sklearn.metrics import f1_score
>>> y_true = [0, 1, 2, 0, 1, 2]
>>> y_pred = [0, 2, 1, 0, 0, 1]
>>> f1_score(y_true, y_pred, average='macro')
0.26...
>>> f1_score(y_true, y_pred, average='micro')
0.33...
>>> f1_score(y_true, y_pred, average='weighted')
0.26...
>>> f1_score(y_true, y_pred, average=None)
array([ 0.8,  0. ,  0. ])
```

Matriz de Confusão e Área sob a curva ROC



```
>>> import numpy as np
>>> from sklearn.metrics import roc_auc_score
>>> y_true = np.array([0, 0, 1, 1])
>>> y_scores = np.array([0.1, 0.4, 0.35, 0.8])
>>> roc_auc_score(y_true, y_scores)
0.75
```

Perda de Hamming e Perda 0-1



```
>>> zero_one_loss(np.array([[0, 1], [1, 1]]), np.ones((2, 2)))
0.5
```

• Quantos objetos continham labels erradas?

```
>>> hamming_loss(np.array([[0, 1], [1, 1]]), np.zeros((2, 2)))
0.75
```

• Quantas labels foram classificadas incorretamente?

Homogeneidade, Completude e Métrica-V



```
>>> from sklearn.metrics.cluster import completeness_score
>>> completeness_score([0, 0, 1, 1], [1, 1, 0, 0])
1.0
>>> from sklearn.metrics.cluster import homogeneity score
>>> homogeneity_score([0, 0, 1, 1], [1, 1, 0, 0])
1.0
>>> print("%.6f" % v_measure_score([0, 0, 1, 1], [0, 0, 1, 2]))
. . .
0.8...
>>> print("%.6f" % v_measure_score([0, 0, 1, 1], [0, 1, 2, 3]))
0.66...
```





```
from sklearn.ensemble import RandomForestClassifier
X = cancer.data # (m,n) numpy array
y = cancer.target # (m,) numpy array

# Create an instance of the classifier we want to use clf = RandomForestClassifier()

clf.fit(X,y)
preds = clf.predict(X)

print(preds[:5,]) # Predicted classes
print(y[:5,]) # Actual classes
```

Fontes e referências



- Acessos em 16/05/2018
- https://deparkes.co.uk/2018/02/02/scikit-learn-simpleclassification/
- Documentação do scikit learn
- https://dashee87.github.io/data%20science/general/Cl ustering-with-Scikit-with-GIFs/
- http://shabal.in/visuals.html