

Universidade Federal do Rio Grande do Norte Instituto Metrópole Digital

Análise de algoritmos clássicos de ordenação e busca

Bianca Medeiros, Gabriel Carvalho, Marina Medeiros, Vinicius de Lima

Estrutura de Dados Básica II

Trabalho da Primeira Unidade

Sumário

1	Aná	lise Teó	rica	1				
	1.1	Bubble	Sort	1				
		1.1.1	Bubble Sort Iterativo	2				
		1.1.2	Bubble Sort Recursivo	2				
		1.1.3	Análise de complexidade	3				
	1.2		Sort	6				
		1.2.1	Merge Sort Recursivo	7				
		1.2.2	Merge Sort Iterativo	7				
		1.2.3	Função auxiliar Merge	7				
		1.2.4		11				
	1.3	Quick S		14				
		1.3.1	Quick Sort Recursivo	15				
		1.3.2	Quick Sort Iterativo	15				
		1.3.3		16				
		1.3.4		16				
2	Análise de Algoritmo 19							
	2.1			19				
	2.2			19				
	2.3	-		19				
	2.4	·						
		2.4.1	,	19 20				
		2.4.2		20				
		2.4.3		22				
		2.4.4	0	24				
	2.5	Análise		26				

Capítulo 1

Análise Teórica

1.1 Bubble Sort

O Bubble Sort, também conhecido como "Ordenação por bolha"ou "Ordenação por flutuação", é um dos algoritmos de ordenação mais simples.

Neste algoritmo, são realizadas comparações entre os dados armazenados em um vetor de tamanho n. Cada elemento na posição i é comparado com o elemento na posição i+1. Quando a ordenação procurada — seja ela crescente ou decrescente — é encontrada, ocorre uma troca de posições entre os elementos.

O algoritmo executa dois laços principais:

1. O primeiro laço percorre a quantidade de elementos do vetor:

for
$$(j = 1; j \le n; j++)$$

2. O segundo laço, que está dentro do primeiro, percorre da primeira à penúltima posição do vetor:

for
$$(i = 0; i < n - 1; i++)$$

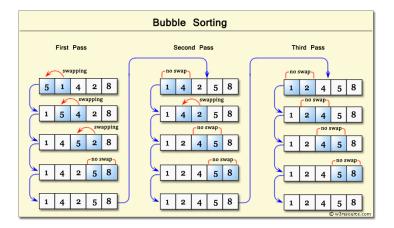


Figure 1.1: Diagrama exemplo de um Bubble Sort

1.1.1 **Bubble Sort Iterativo**

Dessa forma, estabelecemos o pseudocódigo de sua versão iterativa como:

Algorithm 1 Bubble Sort

```
Input: Lista A = A_1, A_2, \ldots, A_n
Output: Lista A ordenada
 1: function BubbleSort(A)
 2:
        for j \leftarrow 1 to n-1 do
            for i \leftarrow 0 to n-2 do
 3:
                 if A[i] > A[i+1] then
 4:
                     aux \leftarrow A[i]
 5:
                     A[i] \leftarrow A[i+1]
 6:
 7:
                     A[i+1] \leftarrow aux
                 end if
 8:
            end for
 9:
10:
        end for
11: end function
```

1.1.2 **Bubble Sort Recursivo**

Quando uma lista tem no máximo 1 elemento, ela com certeza está ordenada, então esse será o caso base. Para a etapa recursiva, pelo teorema da recursão podemos assumir que a função já "borbulhou"todos os n-1 maiores elementos da lista para o final. Então, basta colocar o primeiro elemento em sua posição:

Algorithm 2 Bubble Sort Recursivo

```
Input: Lista A = A_1, A_2, ..., A_n
Output: Lista A ordenada
 1: function BubbleSortRecursivo(A, n)
        if n \le 1 then return
        end if
 3:
        for j \leftarrow 0 to n-1 do
 4:
 5:
            if A[j] > A[j + 1] then
                aux \leftarrow A[j]
 6:
                A[j] \leftarrow A[j+1]
 7:
                A[j+1] \leftarrow aux
 8:
            end if
 9:
        end for
10:
        BubbleSortRecursivo(A, n-1)
12: end function
```

1.1.3 Análise de complexidade

Análise da versão iterativa

No Bubble Sort, o fator relevante que determina o seu tempo de execução é o número de comparações realizadas. Considerando que o algoritmo foi implementado para um vetor com n posições, o número de iterações do primeiro laço é n.

O segundo laço possui n-1 iterações, mas como ele está interno ao primeiro, ele será executado $n(n-1)=n^2-n$ vezes. Portanto, podemos dizer que o tempo de execução do algoritmo Bubble Sort, em sua forma iterativa, será $O(n^2)$, pois:

$$\lim_{n\to\infty}\frac{n^2-n}{n^2}=\lim_{n\to\infty}\frac{n-1}{n}=\lim_{n\to\infty}1-\frac{1}{n}=1\in\mathbb{R}_+^*.$$

De forma análoga, podemos dizer que o Bubble Sort será $\Omega(n^2)$ e $\Theta(n^2)$. Nesse algoritmo, não há situações melhores ou piores. O comportamento do algoritmo não mudará, independentemente do valor de entrada. Ele realizará todas as comparações, mesmo que desnecessárias.

Análise da versão recursiva

Note que assim como na versão iterativa do *bubble sort*, a função percorre a lista a ser ordenada n vezes e logo é chamada novamente para o tamanho n-1. Como haverá n-1 chamadas até que chegue no caso base, em que $n \le 1$, estabelecemos a relação de recorrência do *bubble sort* como:

$$T(n) = T(n-1) + n$$

Dada a relação de recorrência desse algoritmo, vamos analisar sua complexidade com o 4 métodos de análise estudados: **Substuição, Iteração, Árvore de Recurso e Teorema Mestre**.

1. Subsituição:

Nesse método, mostraremos, por indução, que T(n) = T(n-1) + n é limitada por $f(n) = n^2$, ou seja $T(n) \le n^2$. Portanto:

• Caso base: n = 1.

Sabemos que T(1) = 1 e f(1) = 1. Logo, $T(1) \le f(1)$. Portanto, a base da indução é válida.

Passo Indutivo:

Suponha que $T(k) \le k^2$ para todo $1 < k \le n$ (hipótese de indução). Queremos provar que $T(n+1) \le (n+1)^2$. Logo, observe que:

$$T(n) \le n^2$$
 (pela hipótese de indução)
 $\Rightarrow T(n) + n \le n^2 + 2n$ (pois $n \le 2n$)
 $\Rightarrow T(n) + n \le n^2 + 2n$ (pois $n \le 2n$)
 $\Rightarrow T(n) + n + 1 \le n^2 + 2n + 1$
 $\Rightarrow T(n+1) \le (n+1)^2$

Portanto, para todo k tal que $1 < k \le n$, $T(n) \le f(n) = n^2$. Assim, $T(n) \in O(n^2)$.

2. Iteração:

Aqui, procuramos expandir a recorrência até que um padrão seja identificado:

$$T(n) = T(n-1) + n$$

$$= T(n-2) + (n-1) + n$$

$$= T(n-3) + (n-2) + (n-1) + n$$

$$\vdots$$

$$= T(n-i) + (n-i+1) + (n-i+2) + \dots + (n-1) + n$$

Uma vez identificado o padrão, observa-se que o caso base ocorrerá quando i=n-1. Nesse momento, teremos:

$$T(n) = T(1) + 2 + 3 + \cdots + (n-1) + n$$

A soma $2+3+\cdots+n$ é uma progressão aritmética, e pode ser calculada por:

$$T(n) = T(1) + \frac{(2+n)(n-1)}{2}$$

Assim, substituindo T(1) por uma constante c, obtemos:

$$T(n)=c+\frac{n^2+n-2}{2}$$

Como c é uma constante, podemos ignorá-la na análise assintótica e dizer que:

$$T(n) = O(n^2)$$

3. Método Mestre:

Esse método permite resolver recorrências da forma $T(n) = a T\left(\frac{n}{b}\right) + \Theta(n^k)$, com $a \ge 1$, b > 1, e $k \ge 0$, onde a, b, e k são constantes. Como não é possível escrever T(n) = T(n-1) + n nesse formato, sem que b seja uma função de n, não podemos aplicar o Método Mestre a essa recorrência.

4. Árvore Recursiva:

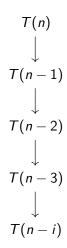
Esse método consiste em desenhar uma árvore cujos nós representam os tamanhos dos problemas correspondentes. Cada nível *i* contém todos os subproblemas de profundidade *i*. Dois aspectos importantes devem ser considerados: a altura da árvore e o número de passos executados em cada nível. A solução da recorrência, que é o tempo de execução do algoritmo, é a soma de todos os passos de todos os níveis:

$$\sum_{i=0}^{ ext{niveis}} ext{(tempo por n\'o)} \cdot ext{(quantidade de n\'os)}$$

Precisamos saber a quantidade de níveis, ou seja, o valor que corresponde à altura da

5

árvore recursiva. Nesse caso, temos a seguinte árvore recursiva:



A partir da árvore de recorrência, podemos formar a seguinte tabela:

Nível da Árvore	Tamanho da Entrada	Custo por Nó	Quantidade de Nós
0	п	n	1
1	n-1	n-1	1
2	n-2	n-2	1
3	n - 3	<i>n</i> − 3	1
:	:	:	:
i	n-i	n-i	1

Com isso, podemos concluir que a soma de todos os passos executados por todos os níveis é dada por:

$$T(n) = 1 + 2 + 3 + \ldots + (n-2) + (n-1) + n = \frac{(n+1)n}{2} = \frac{n^2 + n}{2}$$

Portanto, temos:

$$T(n) = O(n^2)$$

1.2 Merge Sort

Desenvolvido por Jon Von Neumann em 1945, o *Merge Sort* é um algoritmo de dividir para conquistar, que subdivide uma lista em singletons e os mescla em sublistas ordenadas até que exista apenas uma sublista, esta sublista é a lista original ordenada. Imagine o seguinte caso:

Você tem um baralho de cartas e gostaria de organizá-lo, seguindo o conceito do *Merge Sort* você trabalha da seguinte forma:

- **Divisão:** Primeiro você divide o baralho em dois baralhos menores. Cada um desses baralhos é dividido novamente até que cada sub-baralho tenha uma carta.
- "Merge" (Mescla): Nesse momento, com cada sub-baralho com uma carta, todos estão ordenados, então você começa a juntar os sub-baralhos comparando duas cartas de cada baralho e colocando-as em ordem crescente. Assim dois grupos de uma carta se tornam um baralho de duas cartas ordenadas. Em seguida, dois baralhos de duas cartas são mesclados para formar um baralho de quatro cartas, e assim por diante, até que todas as cartas estejam combinadas novamente, mas agora ordenadas.

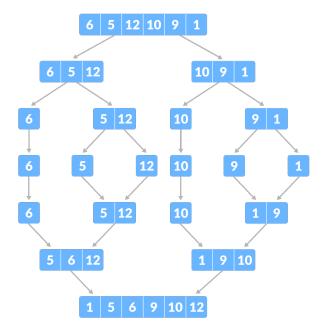


Figure 1.2: Diagrama exemplo de um Merge Sort

1.2.1 Merge Sort Recursivo

Dito isso, agora fica mais fácil estabelecer o pseudocódigo na forma recursiva. O caso base será se a lista tem no máximo um elemento, pois já está ordenada. No caso recursivo, pelo teorema da recursão temos acesso ao "caso anterior", ou seja a primeira metade e segunda metade da lista original ordenadas, portanto, podemos mesclá-las.

```
Input: lista = x_0, x_1, \dots, x_{N-1}

1: function MergeSort(lista)

2: if tamanho da lista \leq 1 then return

3: end if

4: return Merge(MergeSort(1^a metade da lista), MergeSort(2^a metade da lista)

5: end function
```

1.2.2 Merge Sort Iterativo

E em contraste com a abordagem anterior, a forma iterativa do Merge Sort se aproveita de estruturas de repetição aninhadas para que tenha acesso a índices específicos. E tais índices quando usados como argumento na função merge fazem com que a lista "quebrada" seja reconstruída de forma ordenada, conforme o pseudocódigo abaixo.

```
Input: lista = x_0, x_1, ..., x_{N-1}
 1: function MergeSortIt(lista)
        tamanhoListas \leftarrow 1

    b tamanho atual das sub-listas(variando de 1 até n/2)

 2:
        indiceEsq \leftarrow 1
                                                         ▷ index inicial da sub-lista à esquerda
 3:
         ⊳ loop responsável por partir as sub-listas, de maneira em que as divida pela metade
 4:
        for tamanhoListas \leq tamanho lista; tamanhoListas = 2 * tamanhoListas do
            > responsável por saber o índice inicial de cada sub-lista dado seu tamanho atual
           for indiceEsq < tamanho lista -1; indiceEsq * = 2 * tamanhoListas do
 5:
               meio \leftarrow indiceEsquerda + tamanhoListas - 1
 6:
               fimDireita \leftarrow mínimo(índiceEsq + 2 * tamanhoListas, tamanho lista - 1)
 7:
               merge(lista, índiceEsq, meio, fimDireita)
 8.
           end for
 9:
        end for
10:
11: end function
```

1.2.3 Função auxiliar Merge

Nos resta agora apenas definir a função **Merge**, que vai ser responsável por mesclar duas listas que estão ordenadas. Para tal, a função deve comparar um elemento da primeira lista com um da segunda e anexar o menor elemento entre os dois no final da lista resultado. Por exemplo:

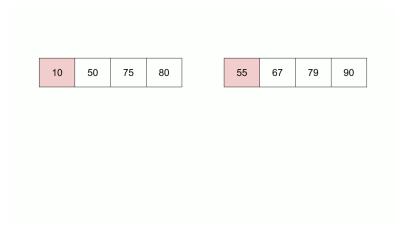


Figure 1.3: Comparando o primeiro elemento da primeira lista com o primeiro da segunda $\,$

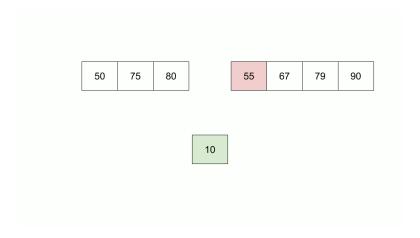


Figure 1.4: 10 é menor que 55, então é anexado no final da lista resultado

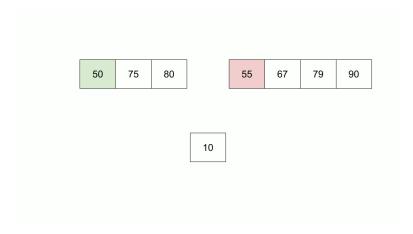


Figure 1.5: Comparando o próximo elemento da primeira lista

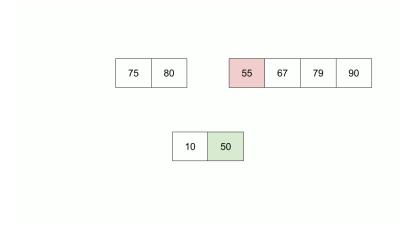


Figure 1.6: 50 é menor que 55, então é anexado no final da lista resultado

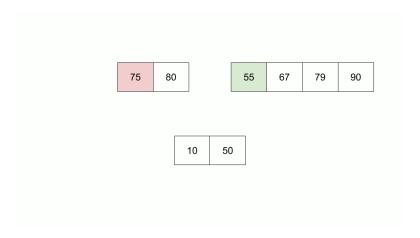


Figure 1.7: Comparando o próximo elemento da primeira lista

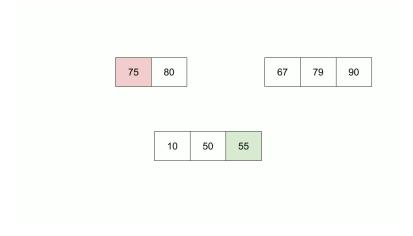


Figure 1.8: 55 é menor, então é anexado no final da lista resultado

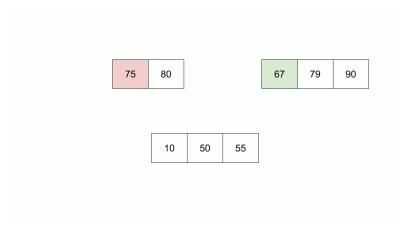


Figure 1.9: Comparando o próximo elemento da segunda lista

E o algoritmo vai continuar até que a lista resultado esteja completa com os elementos da primeira e segunda lista.

Dito isso, construímos o pseudocódigo dessa função da seguinte forma:

```
Input: IistaEsquerda = x_0, x_1, ..., x_{N-1}, IistaDireita = y_0, y_1, ..., y_{M-1}
Output: A listaResultado ordenada com os elementos da listaEsquerda e listaDireita
 1: function Merge(listaEsquerda, listaDireita)
       E, D, R = 0
                                                  ▷ Esses serão os indexadores de cada lista
 2:
       listaResultado = 0, 0, \ldots, 0
 3:
       while E < N e D < M do
 4:
           if listaEsquerda(E) < listaDireita(D) then
 5:
              listaResultado(R).push(listaDireita(D))
 6:
               E = E + 1
                                                       ▶ Partimos para o próximo elemento
 7:
           else
 8:
              listaResultado(R).push(listaEsquerda(D))
 9:
              D = D + 1
10:
           end if
11:
           R = R + 1
12:
       end while
13:
       > Como uma das listas vai esgotar primeiro que a outra, copiamos os elementos
14:
       restantes para a listaResultado
15:
       while listaEsquerda ou listaDireita tiver elementos do
16:
           adicione os elementos na listaResultado
17:
       end while
18:
       return listaResultado
19:
20: end function
```

1.2.4 Análise de complexidade

Para analisar qual é a complexidade de tempo da **Merge sort**, nas suas duas versões, vamos estabelecer primeiro qual é a complexidade da função **Merge**. A partir do pseudocódigo da função, é facil de ver que durante sua execução ela sempre vai percorrer o tamanho máximo entre a **listaEsquerda** e **listaDireita**, portanto, sua complexidade na notação de complexidade assintótica é O(n), $\Theta(n)$ e $\Omega(n)$ para um tamanho de lista n.

Análise da versão iterativa

Observando a estrutura do pseudocódigo dessa versão é possível perceber que ela é estritamente dependente do aninhamento de loops, e nada mais. E simplificando o algoritmo podemos observá-lo da seguinte maneira:

```
for i \leftarrow 1; i <= n-1; i = i*2 do

for j \leftarrow 0; j < n-1; j+=i*2 do

Merge()

end for

end for
```

Sendo assim, note que se trata de um aninhamento **dependente** por conta do segundo For, pois ele faz referência à variável de controle do loop externo. Entretanto, perceba que

o cálculo da complexidade mantém da mesma lógica : Calcular a complexidade individual considerando uma multiplicação na mais externa, ou seja:

$$T(n) = egin{cases} O(1), & ext{se } n \leq 1 \ 2T(rac{n}{2}) + O(n), & ext{caso contrário} \end{cases}$$

Análise da versão recursiva

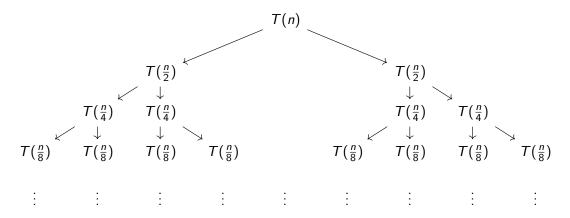
Analisando o corpo da função, teremos dois casos: caso o tamanho da lista (n) seja menor ou igual 1 e caso contrário.

if tamanho da lista ≤ 1 then return end if return Merge(MergeSort(1^a metade da lista), MergeSort(2^a metade da lista)

No primeiro caso, é facil de ver que a complexidade da função para uma lista de qualquer tamanho é constante, ou seja, O(1), O(1) e O(1). Caso contrário, observa-se que a função chama a si mesmo duas vezes, uma para cada metade da lista. Ademais, a função Merge, com complexidade linear para qualquer entrada, é chamada em cada etapa recursiva. Portanto, estabelecemos a relação de recorrência da Merge sort recursiva como:

$$T(n) = egin{cases} O(1), & ext{se } n \leq 1 \ 2T(rac{n}{2}) + O(n), & ext{caso contrário} \end{cases}$$

Uma vez estabelecida a relação de recorrência, vamos usar primeiro o método da **Árvore de recorrência**. Comecemos estabelecendo seu diagrama:



Uma vez estabelecida a árvore de recorrência, podemos tabular o tamanho da entrada, seu custo por nó e quantidade de nós para cada nível da árvore:

Nível da árvore	Tamanho da entrada	Custo por nó	Quantidade de nós
0	n	n	$1 = 2^0$
1	$\frac{n}{2^1}$	$\frac{n}{2^1}$	$2 = 2^1$
2	$\frac{n}{2^2}$	$\frac{n}{2^2}$	$4 = 2^{2}$ $8 = 2^{3}$
3	$\frac{n}{2^3}$	$\frac{n}{2^3}$	$8 = 2^3$
:	:	:	:
i	$\frac{n}{2^i}$	$\frac{n}{2^i}$	2 ⁱ

Em seguida, para estabelecer o somatório que calcula a complexidade da função, precisamos identificar o valor de i para quando $T(\frac{n}{2^i}) = T(1)$, assim, teremos:

$$\frac{n}{2^{i}} = 1 \Longrightarrow n = 2^{i}$$

$$\Longrightarrow \log_{2} n = i$$

Dessa forma, a complexidade da função para Ω , Θ e O será dada pelo resultado do somatório:

$$\sum_{i=0}^{\log_2 n} \frac{n}{2^i} \cdot 2^i = \sum_{i=0}^{\log_2 n} n$$

$$= n \sum_{i=0}^{\log_2 n} 1$$

$$= n \cdot \log_2 n$$

Pelo método do **Teorema mestre**, o mesmo resultado ocorre em ainda menos etapas. Pelo teorema, temos que estabelecendo a relação de recorrência nessa forma:

$$T(n) = aT\left(\frac{n}{b}\right) + \Theta\left(n^k\right)$$

Para algum $a \ge 1$, $b \ge 1$, e $k \ge 0$. Vale que:

- 1. Se $a > b^k$, então $T(n) \in \Theta(n^{\log_b a})$.
- 2. Se $a = b^k$, então T(n) é $\Theta(n^k \cdot \log_b a)$.
- 3. Se $a < b^k$, então T(n) é $\Theta(n^k)$.

A partir da relação de recorrência estabelecida, tome a=2, b=2 e k=1. Como $b^k=2=a$, logo, $T(n)=\Theta(n\cdot\log_2 n)$. Como foi estabelecido que o pior caso, o melhor e caso médio iam ter a mesma complexidade, logo, a *Merge sort* também tem as complexidades $O(n\cdot\log_2 n)$ e $\Omega(n\cdot\log_2 n)$.

1.3 Quick Sort

Assim como o Merge Sort, o Quick Sort é um algoritmo baseado na técnica de divisão e conquista. A operação ocorre da seguinte forma:

- 1. Dividir: O vetor A[p..r] é dividido em dois subvetores não vazios A[p..q] e A[q+1..r]. O índice q é escolhido a partir do elemento localizado na metade do vetor original, denominado pivô. Os elementos do vetor são rearranjados de modo que os elementos à esquerda de q sejam menores ou iguais ao pivô, e os elementos à direita sejam maiores ou iguais ao pivô.
- 2. **Conquistar**: Os dois subvetores A[p..q] e A[q+1..r] são ordenados através de chamadas recursivas ao Quick Sort.
- 3. **Combinar**: Esta etapa não exige nenhum processamento adicional, pois, ao longo do processo recursivo, os elementos vão sendo ordenados no próprio vetor.

Para um melhor entendimento, segue uma esquema do primeiro laço de repetição realizado por este algoritmo:

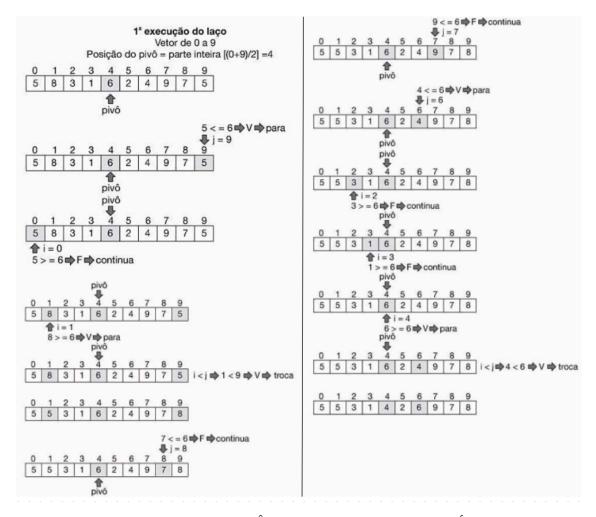


Figure 1.10: Disponível em: ASCÊNCIO, Ana Fernanda Gomes; ARAÚJO, Graziela Santos. Estruturas de Dados: Algoritmos, Análise da Complexidade e Implementações em Java e C/C++. Pearson; 1ª edição (30 setembro 2015)

1.3.1 Quick Sort Recursivo

```
Algorithm 3 Quick Sort Recursivo

1: function QuickSortRecursivo(A, limiteEsquerdo, limiteDireito)

2: declare q como numérico

3: if limiteEsquerdo < r then

4: indicePivot \leftarrow particao(A, limiteEsquerdo, limiteDireito)

5: quickSort(A, limiteEsquerdo, indicePivot)

6: quickSort(A, q + 1, r)

7: end if
```

1.3.2 Quick Sort Iterativo

```
Algorithm 4 Iterative Quick Sort
Input: Lista A
Output: Lista A ordenada
 1: function IterativeQuickSort(A)
       if A estiver vazio then
 3:
          return
 4:
       end if
       Crie uma pilha com o par (0, tamanho de A - 1)
 5:
       while a pilha não estiver vazia do
 6:
 7:
          Remova (limiteEsquerdo, limiteDireito) do topo da pilha
          if limiteEsquerdo < limiteDireito then
 8:
 9:
              indicePivot \leftarrow particao(A, limiteEsquerdo, limiteDireito)
              if indicePivot > 0 then
10:
                  Adicione (limiteEsquerdo, indicePivot -1) na pilha
                                                                         11:
12:
              Adicione (indicePivot + 1, limiteDireito) na pilha
                                                                            13:
          end if
14:
       end while
16: end function
```

1.3.3 Função auxiliar Partição

```
Algorithm 5 Partição
Input: A = a_1, a_2, a_3, \dots, a_n, limiteEsquerdo, limiteDireito
Output: O índice do pivô
 1: function particao(A, limiteEsquerdo, limiteDireito)
         declare pivot, i, j como numérico
 2:
         pivot \leftarrow A[(limiteEsquerdo + limiteDireito)/2]
 3:
         i \leftarrow \text{limiteEsquerdo} - 1
        j \leftarrow \mathsf{limiteDireito} + 1
 5:
         while i < j do
 6:
 7:
             repeat
                 j \leftarrow j - 1
 8.
             until A[j] \leq pivot
 9:
10:
             repeat
                 i \leftarrow i + 1
11:
             until A[i] \ge pivot
12:
13:
             if i < j then
                 troca(A, i, j)
14:
15:
             end if
         end while
16:
17:
         return j
18: end function
```

1.3.4 Análise de Complexidade

Análise da versão recursiva

Primeiro, devemos definir a relação de recorrência do algoritmo.

No procedimento de partição, o tempo de execução é limitado pelo tamanho n do vetor. Isso ocorre porque ele compara todos os elementos do vetor com o pivô enquanto os índices atenderem a condição i < j. Logo, o procedimento de partição realizará O(n) comparações.

Os dois vetores gerados pelo procedimento de partição são resolvidos recursivamente. O tamanho desses vetores depende do valor do pivô escolhido na função de partição. Suponha que k elementos estejam ao lado esquerdo do pivô e (n-k-1) elementos estejam à direita do pivô após a partição.

Logo, a complexidade do passo recursivo será a soma das recorrências da ordenação dos dois vetores: T(k) + T(n-k-1).

Somando a parte recursiva do algoritmo com o procedimento de partição, teremos:

$$T(n) = O(n) + T(k) + T(n-k-1)$$

O tempo de execução do Quick Sort depende se o particionamento é ou não balanceado. Se for balanceado, o algoritmo executa tão rapidamente quanto o Merge Sort; caso contrário, ele executará tão lentamente quanto o Insertion Sort. Assim, temos dois casos:

■ **Pior caso:** Ocorre quando o pivô é o maior ou o menor elemento do vetor. Aqui, um vetor terá n-1 elementos e o outro vetor será vazio (não se esqueça do pivô).

Para calcular a complexidade do Quick Sort no pior caso, substituímos k=n-1 na recorrência encontrada:

$$T(n) = O(n) + T(n-1) + T(n-n+1-1)$$

= $cn + T(n-1)$ (considere c uma constante)

Observe que, neste caso, o algoritmo se comportará da mesma forma que o BubbleSort, que já foi analisado neste trabalho.

■ **Melhor caso:** Ocorre quando o pivô é o elemento médio do vetor a ser ordenado em cada chamada do algoritmo de partição. Nessa situação, o processo de partição será balanceado e o tamanho de cada vetor gerado pela partição será, aproximadamente, n/2.

Para calcular a complexidade do Quick Sort nesse caso, substituímos k=n/2 na recorrência encontrada:

$$T(n) = O(n) + T(n/2) + T(n - n/2 - 1)$$

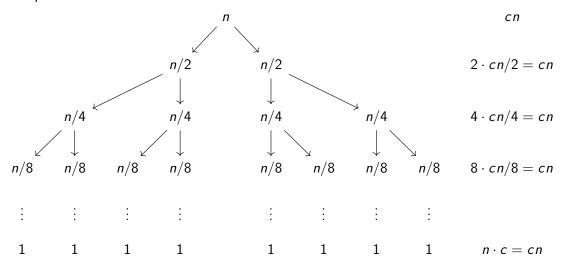
 $\approx cn + 2T(n/2)$

Agora, note que o Quick Sort, em seu melhor caso, se comportal da mesma forma do Merge Sort, o qual já foi analisado neste trabalho.

Análise da versão iterativa

Para determinar a complexidade da versão iterativa, precisamos estimar o tamanho da estrutura de dados "pilha"que simula as chamadas recursivas da outra versão. De forma que seja compreendido quando a estrutura de repetição "while"vai parar. Para tal, teremos dois casos:

 Melhor caso: Vamos supor que a função "partição" sempre particione a lista em duas sublistas iguais, ou seja, o pivô escolhido é sempre a mediana da lista maior, de forma que:



Assim, a recorrência continuará até que $\frac{n}{2^i}=1$, com i representando o nível da árvore representada acima. Com isso, teremos:

$$n=2^i \implies i=\log_2 n$$

Ou seja, a árvore terá $\log_2 n$ níveis, e cada nível da árvore de recursão realiza um trabalho proporcional a n, devido ao processo de particionamento. Portanto, a complexidade nesse caso será dada por $T(n) = n \log_2 n$.

Assim, podemos dizer que o tempo de execução do algoritmo Quick Sort, em sua forma iterativa no melhor caso, será $O(n \log n)$, pois:

$$\lim_{n\to\infty}\frac{n\log n}{n\log n}=\lim_{n\to\infty}1=1\in\mathbb{R}_+^*.$$

De forma análoga, podemos dizer que este algoritmo será $\Omega(nlogn)$ e $\Theta(nlogn)$.

Pior caso: Como dito anteiormente, nesse caso, a função partição sempre divide a lista de forma desequilibrada, com o pivô sendo o maior ou o menor elemento do vetor. Nesse cenário, uma das sublistas contém apenas um elemento enquanto a outra contém quase todos os demais. Dessa forma, o particionamento acontece com divisões cada vez menores, resultando em uma árvore de recursão linear, como segue:

$$n$$
 cn $n-1$ $c(n-1)$ $n-2$ $c(n-2)$ \vdots

Neste caso, a altura da árvore de recursão é n, já que em cada nível apenas um elemento é fixado na posição correta, e as sublistas vão sendo reduzidas em apenas um elemento a cada iteração.

Assim, o trabalho total realizado por nível é proporcional ao tamanho da lista em cada iteração, somando-se ao longo da altura da árvore. Portanto, a complexidade total é a soma dos primeiros n números, ou seja:

$$T(n) = n + (n-1) + (n-2) + \cdots + 1 = \frac{n(n+1)}{2} = \frac{n^2 + n}{2} \approx \frac{n^2}{2}$$

Agora, observe que:

$$\lim_{n\to\infty}\frac{\frac{n^2}{2}}{n^2}=\lim_{n\to\infty}\frac{1}{2}=\frac{1}{2}\in\mathbb{R}_+^*.$$

Assim, podemos afirmar que o tempo de execução do Quick Sort, em sua forma iterativa no pior caso, é $O(n^2)$, $\Omega(n^2)$ e $\Theta(n^2)$

Capítulo 2

Análise de Algoritmo

2.1 Ambiente computacional

Todos os testes de performance nessa seção foram realizados no seguinte sistema:

Software	Sistema Operacional Kernel Gerenciador de Janelas Terminal Compilador de C++ Compilador de Rust	Arch Linux x86_64 Linux 6.11.5-arch1-1 Hyprland (Wayland) Alacritty 0.14.0 clang 18.1.8 rustc 1.82.0	
	Versão do Cargo	cargo 1.82.0	
Hardware	CPU GPU Driver da GPU Memória RAM Armazenamento	AMD Ryzen 5 5500 GeForce RTX 4060 Ti nvidia (proprietário) 565.57.01 31.24 GiB SSD NVMe 2TB	

O sistema estava configurado no modo de alto desempenho, com nenhuma outra aplicação rodando além dos testes descritos, e todas as otimizações disponíveis no compilador foram ativadas para garantir uma análise de performance precisa.

2.2 Função iterativa

2.3 Função recursiva

2.4 Implementação dos algoritmos de ordenação

Os algoritmos de ordenação Merge Sort, Quick Sort e Bubble Sort foram implementados em suas versões iterativas e recursivas na linguagem de programação Rust. Além disso, com a exceção do Bubble sort, todas as funções esperam um slice mutável de tipo T que implementa uma ordem parcial e pode ser copiado, estes são os traits PartialOrd e Copy, respectivamente. Todas as funções alteram esse slice diretamente e não retornam nada.

2.4.1 Bubble Sort

Iterativo

```
pub fn iterative_bubble_sort<T: PartialOrd>(arr: &mut [T]) {
   for i in 0..arr.len() {
     for j in 1..arr.len() - i {
        if arr[j - 1] > arr[j] {
            arr.swap(j - 1, j);
        }
    }
}
```

Recursivo

Na versão recursiva, foi utilizada a função auxiliar bubble_sort_pass

```
pub fn recursive_bubble_sort<T: PartialOrd>(arr: &mut [T]) {
   if arr.is_empty() {
      return;
   }
   let last_element_position = arr.len();
   bubble_sort_pass(arr, 1, last_element_position);
   recursive_bubble_sort(&mut arr[..last_element_position - 1]);
}
```

Função auxiliar

Essa função move o maior elemento de um slice para a posição last_element_position no arr. O iterator é usado para percorrer o slice do inicio ao fim.

2.4.2 Quick Sort

Iterativo

Como o quick sort naturalmente é um algoritmo recursivo, precisamos de algo que simulasse a pilha de execução do computador, esta simulação se deu a partir do uso da variável stack que armazena as posições das sub-listas que precisam ser ordenadas, permitindo a progressão iterativa da divisão da lógica de divisão e conquista.

```
pub fn iterative_quick_sort<T: PartialOrd + Copy>(arr: &mut [T]) {
   if arr.is_empty() {
      return;
   }
   let mut stack = vec![(0, arr.len() - 1)];
   while let Some((low, high)) = stack.pop() {
```

```
if low < high {
    let pivot_index = partition(arr, low, high);
    if pivot_index > 0 {
        stack.push((low, pivot_index - 1)); // Left side
}

stack.push((pivot_index + 1, high)); // Right side
}

14 }

15 }
```

Recursivo

Para manter o único parâmetro arr, a recursive_quick_sort só encapsula a versão de fato recursiva.

```
pub fn recursive_quick_sort<T: PartialOrd + Copy>(arr: &mut [T]) {
   if arr.is_empty() {
      return;
   }
   _recursive_quick_sort(arr, 0, arr.len() - 1);
   }
}
```

```
1 fn _recursive_quick_sort <T: PartialOrd + Copy > (
  arr: &mut [T],
    lower_bound: usize,
   upper_bound: usize,
5){
   if lower_bound >= upper_bound {
7
     return;
   }
8
   let pivot_index = partition(arr, lower_bound, upper_bound);
if pivot_index > 0 {
      _recursive_quick_sort(arr, lower_bound, pivot_index - 1);
11
12 }
   _recursive_quick_sort(arr, pivot_index + 1, upper_bound);
13
14 }
```

Listing 2.1: Versão correta

Função auxiliar

Note que ambas as versões do *quick sort* utilizam a função auxiliar partition. Essa função seleciona o último elemento como pivô e rearranja a lista, de modo que todos os elementos menores que o pivó estejam na esquerda e os maiores ou iguais ao pivô na direita. Ao final, ela retorna o índice do pivô após a partição. Os parâmetros lower_bound, upper_bound são os índices do elemento inicial e final do slice a ser particionado.

```
1 fn partition <T: PartialOrd + Copy > (arr: &mut [T], lower_bound: usize,
     upper_bound: usize) -> usize {
    let pivot = arr[upper_bound];
    let mut left_item = lower_bound as isize - 1;
   for right_item in lower_bound..upper_bound {
     if arr[right_item] < pivot {</pre>
        left_item += 1;
6
        arr.swap(left_item as usize, right_item);
7
8
    }
   let new_pivot = (left_item + 1) as usize;
   arr.swap(new_pivot, upper_bound);
    new_pivot
13 }
```

2.4.3 Merge Sort

Iterativo

Novamente, como o *merge sort* naturalmente é um algoritmo recursivo, foi necessário simular a pilha de execução do computador. Primeiro, começamos com pequenos segmentos da lista (de tamanho 1) e iterativamente dobramos o tamanho dos segmentos a cada passo, mesclando-os.

```
pub fn iterative_merge_sort<T: PartialOrd + Copy>(arr: &mut [T]) {
   if arr.len() <= 1 {
      return;
   }
   let mut temp_arr = arr.to_vec();
   let mut segment_size = 1;
   let arr_len = arr.len();
   while segment_size < arr.len() {
    let mut start = 0;</pre>
```

```
while start < arr_len {</pre>
        let mid = (start + segment_size).min(arr_len);
11
        let end = (start + 2 * segment_size).min(arr_len);
12
        merge(&mut temp_arr[start..end], &arr[start..mid], &arr[mid..end]);
13
        start += 2 * segment_size;
14
15
16
      arr.copy_from_slice(&temp_arr);
17
      segment_size *= 2;
    }
18
19 }
```

Recursivo

A principal diferença em relação pseudo código, é que a agora a função edita diretamente a lista, em vez de retorna-la como resultado.

```
pub fn recursive_merge_sort<T: PartialOrd + Copy>(arr: &mut [T]) {
   if arr.len() <= 1 {
      return;
   }
   let mid = arr.len() / 2;
   let mut left_arr = arr[..mid].to_vec();
   let mut right_arr = arr[mid..].to_vec();
   recursive_merge_sort(&mut left_arr);
   recursive_merge_sort(&mut right_arr);
   merge(arr, &left_arr, &right_arr);
}</pre>
```

Função auxiliar

E a *merge* também foi alterada de forma parecida, de forma que receba como argumento a lista resultado (arr).

```
1 fn merge<T: PartialOrd + Copy>(arr: &mut [T], left_arr: &[T], right_arr:
      &[T]) {
    let left_arr_len = left_arr.len();
    let right_arr_len = right_arr.len();
    let (mut i, mut 1, mut r) = (0, 0, 0);
    while 1 < left_arr_len && r < right_arr_len {</pre>
      if left_arr[l] < right_arr[r] {</pre>
6
        arr[i] = left_arr[l];
        1 += 1;
8
      } else {
        arr[i] = right_arr[r];
11
        r += 1;
12
      }
13
      i += 1;
    }
14
    while 1 < left_arr_len {</pre>
15
      arr[i] = left_arr[l];
16
      i += 1;
17
      1 += 1;
18
19
    while r < right_arr_len {</pre>
20
      arr[i] = right_arr[r];
22
      i += 1;
      r += 1;
23
    }
24
25 }
```

2.4.4 Organização do projeto e corretude do algoritmo

Para testar os algoritmos o projeto foi subdivido em duas partes, a que testa a performance e a que estipula a corretude, para tal foi usado a separação padrão do cargo entre o módulo principal e o módulo de testes. A organização dos arquivos ocorreu da seguinte forma:

```
/
    out/
    entries.txt
    output.txt
    src/
    algorithms.rs
    lib.rs
    main.rs
    tests/
    test_sorts.rs
    Cargo.lock
    Cargo.toml
    rustfmt.toml
```

No Cargo.toml A unica depêndencia usada foi rand, para poder gerar números aleatórios de 0 a 100000

```
[dependencies]
rand = "0.8.5"
```

Listing 2.2: Trecho do Cargo.toml

Quando executado com cargo test, o cargo executa as funções de teste definidas em test_sorts.rs para estipular a corretude de cada algoritmo. Os testes definidos foram:

```
1 fn reverse_list_test(func: fn(&mut [i32])) {
   let mut arr = [5, 3, 2, 4, 1];
   func(&mut arr);
    assert_eq!(arr, [1, 2, 3, 4, 5], "reverse_list_test failed");
5 }
7 fn duplicates_list_test(func: fn(&mut [i32])) {
   let mut arr = [4, 2, 3, 2, 1, 4];
   func(&mut arr);
   assert_eq!(arr, [1, 2, 2, 3, 4, 4], "duplicates_list_test failed");
11 }
13 fn already_sorted_list_test(func: fn(&mut [i32])) {
14 let mut arr = [1, 2, 3, 4, 5];
  func(&mut arr);
    assert_eq!(arr, [1, 2, 3, 4, 5], "already_sorted_list_test failed");
16
17 }
18
19 fn singleton_list_test(func: fn(&mut [i32])) {
   let mut arr = [42];
   func(&mut arr);
    assert_eq!(arr, [42], "singleton_list_test faild");
23 }
25 fn empty_list_test(func: fn(&mut [i32])) {
  let mut arr: [i32; 0] = [];
  func(&mut arr);
```

```
assert_eq!(arr, [], "empty_list_test failed");

Listing 2.3: Trecho de test_sorts.rs
```

Todos os testes unitários foram definidos como esse:

```
1 #[test]
2 fn test_recursive_quick_sort() {
3    reverse_list_test(recursive_quick_sort);
4    duplicates_list_test(recursive_quick_sort);
5    already_sorted_list_test(recursive_quick_sort);
6    singleton_list_test(recursive_quick_sort);
7    empty_list_test(recursive_quick_sort);
8 }
```

Listing 2.4: Trecho de test_sorts.rs

Executando o comando cargo test, podemos ver que todos os testes foram bem sucedidos:

```
1 running 6 tests
2 test test_iterative_bubble_sort ... ok
3 test test_iterative_merge_sort ... ok
4 test test_recursive_bubble_sort ... ok
5 test test_iterative_quick_sort ... ok
6 test test_recursive_merge_sort ... ok
7 test test_recursive_quick_sort ... ok
9 test result: ok. 6 passed; 0 failed; 0 ignored; 0 measured; 0 filtered out
    ; finished in 0.00s
```

Os testes de performance foram implementados em main.rs, onde criam e escrevem os arquivos entries.txt e output.txt com as listas geradas e os resultados de performance, respectivamente.

```
1 type SortFn<T> = fn(&mut [T]);
3 fn main() -> io::Result <()> {
    let sort_functions = Vec::from([
        ("ITE BUBBLE SORT", iterative_bubble_sort as SortFn < i32 > ),
       ("REC BUBBLE SORT", recursive_bubble_sort),
("REC QUICK SORT", recursive_quick_sort),
("ITE QUICK SORT", iterative_quick_sort),
("REC MERGE SORT", recursive_merge_sort),
("ITE MERGE SORT", iterative_merge_sort),
6
     ]);
11
12
     fs::create_dir_all("out")?;
13
    let mut entries_file = File::create(ENTRIES_FILENAME)?;
14
    let mut output_file = File::create(OUTPUT_FILENAME)?;
15
    let title = "Performance test for sort algorithms";
17
    writeln!(output_file, "{}\n{}\n", title, "=".repeat(title.len()))?;
18
19
    writeln!(
20
       output_file,
       "ITE - stands for iterative\nREC - stands for recursive\n"
21
    )?;
22
23
    for n in 1..=4 {
24
       writeln!(entries_file, "List with {} entries:\n", TEN.pow(n))?;
25
       run_entry(
26
27
         &sort_functions,
28
          TEN.pow(n),
```

Listing 2.5: Trecho de main.rs

2.5 Análise de performance dos algoritmos de ordenação

Uma vez estabelecidas as implementações dos algoritmos de ordenação, em conjunto com testes que estipulavam sua corretude. Executamos o programa principal com todas as otimizações do compilador (cargo run --release) e obtivemos os seguintes resultados:

Algoritmo	10 entradas	100 entradas	1000 entradas	10000 entradas
Bubble Sort (Iterativo)	281 ns	6.723 μs	314.678 µs	31.196169 ms
Bubble Sort (Recursivo)	221 ns	7.374 µs	411.449 µs	43.688736 ms
Quick Sort (Recursivo)	320 ns	2.554 µs	31.329 µs	388.807 μs
Quick Sort (Iterativo)	581 ns	2.775 µs	33.122 µs	403.624 μs
Merge Sort (Recursivo)	882 ns	5.69 µs	62.497 μs	744.751 μs
Merge Sort (Iterativo)	531 ns	2.976 μs	36.809 µs	467.994 μs

Table 2.1: Tabela de resultados

Começando pelo **Bubble Sort**, é possível notar que, apesar de uma performance inicial superior da versão recursiva, a implementação iterativa é mais eficiente conforme o tamanho da lista aumenta. Acredita-se que o overhead causado pelas chamadas recursivas e pelo contexto adicional na pilha de execução (função auxiliar recursiva) resultou em uma performance pior em comparação com a iterativa.

Em seguida, no **Quick Sort**, tivemos um cenário diferente, em que a versão recursiva se saiu como a mais eficiente em todas as entradas em relação à iterativa. Isso pode ter ocorrido pela instanciação da estrutura de dados pilha como um Vec<(usize, usize)>, que fica armazenado na heap, e um overhead de operações push e pop, enquanto as chamadas recursivas não lidam com essas operações e ficam diretamente na pilha do sistema, que é mais rápida.

Por último, no **Merge Sort**, que, apesar de naturalmente ser um algoritmo recursivo, ficou muito atrás de sua versão iterativa, a qual foi até duas vezes mais rápida na maioria dos casos. Entretanto, é fácil entender a origem dessa diferença, considerando que, na implementação recursiva, são instanciados dois Vec<T> em cada chamada recursiva, enquanto na versão iterativa é instanciado um único Vec<T> durante toda a execução.

Referências Bibliográficas

Contribuidores da Wikipedia (2024a), 'Divide-and-conquer algorithm — wikipedia, the free encyclopedia'. [Acessado: 26 de Outubro, 2024].

URL: https://en.wikipedia.org/wiki/Divide-and-conquer_algorithm

Contribuidores da Wikipedia (2024b), 'John von neumann — wikipedia, the free encyclopedia'. [Acessado: 26 de Outubro, 2024].

URL: https://pt.wikipedia.org/wiki/John_von_Neumann

Contribuidores da Wikipedia (2024c), 'Merge sort'. [Acessado: 26 de Outubro, 2024].

URL: https://en.wikipedia.org/wiki/Merge_sort

Contribuidores da Wikipedia (2024*d*), 'Quicksort — wikipedia, the free encyclopedia'. [Acessado: 26 de Outubro, 2024].

URL: https://en.wikipedia.org/wiki/Quicksort

Contribuidores do GeeksforGeeks (2024a), 'Merge sort'. [Acessado: 26 de Outubro, 2024].

URL: https://www.geeksforgeeks.org/merge-sort/

Contribuidores do GeeksforGeeks (2024b), 'Quick sort'. [Acessado: 26 de Outubro, 2024].

URL: https://www.geeksforgeeks.org/quick-sort-algorithm/

Mahmud, S. (2024), 'Merge sort: A detailed explanation'. [Acessado: 26 de Outubro, 2024].

URL: https://blog.shahadmahmud.com/merge-sort/