

Redes Neuronais para a Predição de Espécies de Anuros

Relatório Intercalar

 ${\it Inteligência Artificial}$ $3^{\rm o}$ ano do Mestrado Integrado em Engenharia Informática e Computação

Elementos do Grupo:

João Almeida — up201504874 — j.almeida@fe.up.pt João Mendes — up201505439 — up201505439@fe.up.pt Ricardo Santos — up201503716 — up201503716@fe.up.pt

Conteúdo

1	Objetivo	. 3
2	Descrição	. 3
	2.1 Especificação	. 3
	2.1.1 Descrição e análise do dataset	. 3
	2.1.2 Pré-processamento dos dados	. 4
	2.1.3 Modelos de aprendizagem a aplicar	. 4
	2.1.4 Arquitetura da Rede Neuronal	. 5
	2.1.5 Configuração Prevista da Rede Neuronal	. 5
	2.2 Trabalho Efetuado	. 5
	2.3 Resultados esperados e forma de avaliação	. 6
3	3 Conclusões	. 6
4	Recursos	. 7

1 Objetivo

A saúde ambiental é um problema cada vez mais presente no planeta. De modo a identificar problemas ecológicos em fases precoces, a comunidade científica tem rastreado as variações populacionais de anuros em programas de monitorização bioacústica. Estes programas utilizam redes de pequenos sensores que coletam, processam e transmitem a informação áudio relacionada com diversas variáveis ambientais.

O objetivo deste trabalho é a implementação de uma rede neuronal artificial multicamada (com utilização do algoritmo *Back-Propagation*) capaz de prever espécies de anuros a partir de qualquer *dataset* obtido nestes programas de monitorização.

Neste relatório intercalar encontra-se especificado a descrição e análise do *dataset* (secção 2.1.1), o pré-processamento dos dados (secção 2.1.2), os modelos de aprendizagem a aplicar (secção 2.1.3), a arquitetura da rede neuronal (secção 2.1.4), a configuração prevista para a rede (secção 2.1.5), bem como o trabalho efetuado até à data (secção 2.2) e os resultados esperados e forma de avaliação (secção 2.3). No final, encontram-se as conclusões (secção 3) e os recursos utilizados para a realização do trabalho (secção 4).

2 Descrição

2.1 Especificação

2.1.1 Descrição e análise do dataset

Os programas de monitorização bioacústica deste *dataset* foram realizados no *campus* da Universidade Federal do Amazonas e na Mata Atlântica, ambos no Brasil, e em Córdova, na Argentina. No total, foram recolhidos 60 registos áudio correspondentes a 60 espécimes (sapos individuais) que pertencem a 1 ordem (Anuro), 4 famílias, 8 géneros e 10 espécies diferentes, de acordo com a taxonomia de Lineu. Cada registo áudio equivale a um sinal bioacústico $X = \{x_1, x_2, ..., x_N\}$, uma sequência em ordem ao tempo de tamanho N, na qual cada valor representa o nível de pressão acústica (ou amplitude). Este sinal correspondente ao chamamento de cada espécime de anuro.

Na fase de segmentação, cada sinal é dividido em sílabas $x_k = \{x_t, x_{t+1}, ..., x_{t+n}\}$ – a unidade elementar utilizada em classificação com base em dados bioacústicos. O préprocessamento destes programas envolveu determinar o início e o fim das sílabas. Cada linha do ficheiro do dataset corresponde a uma sílaba, totalizando 7195 sílabas.

Na fase de extração de características, cada sílaba é representada por um conjunto de características, denominados **Descritores de Baixo Nível** (*Low Level Descriptors*, *LLDs*, em inglês). Os LLDs utilizados nesta pesquisa são os **Coeficientes**

Cepstrais da Frequência-Mel (Mel-Frequency Cepstral Coefficients, MFCCs, em inglês). É feita uma análise espectral baseado num banco de 44 filtros triangulares logaritimicamente espaçados no domínio da frequência. Cada sílaba é representada por um conjunto de coeficientes (normalizados entre -1 e 1, dado as sílabas terem durações diferentes) $MFCC(x_k) \rightarrow c_k$, isto é, $X \rightarrow \{(c_1, s_i), (c_2, s_i), ..., (c_k, s_i)\}$, em que cada $c_k = [c_1, c_2, ..., c_l]$ é um vetor de caraterísticas com l coeficientes, e s_i é o nome da espécie. A utilização dos coeficientes na análise dos dados é mais robusta, mais compacta e mais fácil de reconhecer, comparativamente a usar diretamente o sinal de entrada, constituindo assim os 22 atributos de identificação dos dados do nosso modelo.

2.1.2 Pré-processamento dos dados

O dataset será dividido em dois sets, os quais designaremos por training set, com cerca de 75% dos elementos, e test set, com os restantes 25%. Como indicam os nomes, o primeiro set será utilizado para o treino da rede neuronal, e o segundo será utilizado para testá-la após esse treino.

A divisão será feita de modo relativamente arbitrário, no entanto teremos alguns cuidados a tomar: o primeiro será o de garantir que há pelo menos um espécime de cada espécie nos dois sets; o segundo será o de garantir que, sendo selecionada uma sílaba de um dado espécime para fazer parte de um desses sets, todos as sílabas desse espécime deverão ser adicionadas ao mesmo set.

Adotamos estas regras por forma a melhorar as capacidades de generalização da rede neuronal, de acordo com estudos previamente realizados por outros autores que determinaram que estas são afetadas negativamente caso haja uma mistura das sílabas de um dado espécime entre os sets de treino e teste (mais concretamente, é criado um bias na precisão de predição da rede), que se deve ao facto de todas as sílabas de um dado espécime terem fortes semelhanças entre si. Este tópico é explorado mais aprofundadamente no artigo "How to Correctly Evaluate an Automatic Bioacoustics Classification Method" de Juan G. Colonna, João Gama, e Eduardo F. Nakamura^[1], ao qual também recorreremos para o método de avaliação dos resultados dos testes que efetuaremos.

2.1.3 Modelos de aprendizagem a aplicar

O desafio proposto é o de atribuir o nome de uma espécie a uma nova sílaba utilizando os coeficientes **MFCC** obtidos dessa sílaba. Para isto, implementaremos uma **rede neuronal** treinada sob **um método de classificação supervisionada**, através de um algoritmo de *backpropagation* (ou *backwards propagation of error*), procurando **balançar**

os pesos nas camadas internas, na tentativa de criar um modelo com a capacidade de prever a classificação de novas amostras dentro das espécies consideradas. A avaliação do *output* será realizada através de uma certa *cost function*, que será minimizada através do algoritmo *gradient descent*.

2.1.4 Arquitetura da Rede Neuronal

Em particular, a rede neuronal a ser utilizada terá uma arquitetura feedforward multi-camada. Essas camadas serão fully connected, e serão testadas várias configurações de camadas interiores. Terá como camada de entrada os valores MFCC de cada sílaba, logo, 22 atributos de entrada, e como camada de saída 10 valores entre 0 e 1, que serão arredondados para estes valores e interpretados como pertencendo a uma dada espécie (daí, um output correto terá sempre a forma de um vetor unitário). Procuramos com este design que a rede tenha maior facilidade em conseguir estabelecer relações entre espécies e os MFCCs correspondentes, através da conexão de inputs de diferentes espécies a outputs inequivocamente diferentes.

2.1.5 Configuração Prevista da Rede Neuronal

Testaremos configurações com 3 a 7 camadas interiores, com número de células variando entre 3 e 25. Uma tentativa de configuração em particular consistirá em fazer as últimas 3 camadas, camada de *output* inclusive, ter um número de células correspondente ao número de famílias, género, e espécies do *dataset* considerado, nessa ordem, na expectativa de que as potenciais semelhanças entre MFCCs de espécies diferentes nos mesmos super-grupos taxonómicos sejam "agrupadas" nessas camadas interiores. Treinaremos também a rede sob vários *learning rates*, não podendo fazer de momento nenhuma previsão sobre qual o valor mais adequado.

2.2 Trabalho Efetuado

De momento, temos uma implementação incompleta da rede neuronal a ser utilizada, criada em C++, sem recorrer a bibliotecas externas. Resta terminar a implementação, realizar os testes, e fazer potenciais ajustes tanto à implementação como à rede obtida após cada sessão de treino-teste.

Pretendemos também comparar os resultados da nossa implementação com os resultados obtidos de treinos e testes com este *dataset* realizados em redes neuronais provenientes de bibliotecas já existentes, como a *TensorFlow*, caso a implementação desta não constitua um obstáculo na conclusão da nossa implementação.

Futuramente, caso haja oportunidade, contemplaremos a criação de uma arquitetura diferente sobre a implementação atual (nomeadamente, uma **rede convolucional**), e subsequente **treino** e **teste** dessa rede, comparando os resultados obtidos com os da rede atualmente considerada.

2.3 Resultados esperados e forma de avaliação

Como mencionado anteriormente, utilizaremos uma variante da metodologia *k-Cross-Validation* (k-CV) para avaliação dos resultados obtidos conforme descrita no artigo "How to Correctly Evaluate an Automatic Bioacoustics Classification Method", que se divide em duas estratégias: One-against-All (1AA) e One-against-One (1A1).

Resumidamente, a **primeira** estratégia consiste em separar todas as sílabas de um espécime das restantes, sendo que as primeiras ficam no *set* de teste e as últimas no *set* de teste. A **rede é treinada e testada contra as sílabas desse espécime**, sendo que após isto repetimos o processo **iterando pelos espécimes** até que todos tenham feito parte do *set* de teste uma vez (este método é portanto semelhante ao método **Leave-One-Out-CV**, mas **utilizando o conjunto de sílabas de um espécime em vez de sílabas singulares**).

Já a segunda estratégia é semelhante à primeira, com a diferença de que o set de treino é adicionalmente subdividido por espécie. O método prossegue com o treino da rede com um desses subsets de treino, e testada com o set de teste (ainda com as sílabas de apenas um espécime), seguido pelo treino com outro subset de treino (diferente do primeiro), e testada novamente com o set de teste (igual), até que todos os subsets de treino tenham sido utilizados. Após isto, o processo todo é repetido iterando pelos espécimes da mesma forma que para a primeira estratégia.

Com estas estratégias, procuramos obter resultados que demonstrem a capacidade de generalização da rede neuronal sem que esta sofra de um *bias* de precisão. Compararemos os nossos resultados com os resultados detalhados no mesmo artigo, procurando obter valores semelhantes aos indicados nos testes realizados noutras redes neuronais (SVMs).

3 Conclusões

Em suma, temos a expectativa de que os resultados que vamos obter com o algoritmo de aprendizagem automática desenvolvido por nós sejam fiáveis, pois não só temos as ferramentas necessárias, como temos os resultados de trabalhos precedentes como termo de comparação.

4 Recursos

1) Dataset

COLONNA, J. G.; CRISTO, M.; NAKAMURA, E. F; GORDO, M. (2018).

UCI Machine Learning Repository

[http://archive.ics.uci.edu/ml/datasets/Anuran+Calls+%28MFCCs%29].

Manaus, Brasil: Universidade Federal do Amazonas

2) COLONNA, J. G.; CRISTO, M.; SALVATIERRA, M.; NAKAMURA, E. F.

An Incremental Technique for Real-Time Bioacoustic Signal Segmentation.

Expert Systems with Applications, v. 42, p. 7367-7374, 2015.

3) COLONNA, J. G.; GAMA, J.; NAKAMURA, E. F.

How to Correctly Evaluate an Automatic Bioacoustics Classification Method.

In: 17th Conference of the Spanish Association for Artificial Intelligence (CAEPIA).

Lecture Notes in Computer Science. 986ed.: Springer International Publishing, 2016, v., p. 37-47.

4) COLONNA, J. G.; PEET, T.; FERREIRA, C. A.; JORGE, A. M.; GOMES, E. F.; GAMA, J. (2016, July).

Automatic Classification of Anuran Sounds Using Convolutional Neural Networks.

In Proceedings of the Ninth International C* Conference on Computer Science & Software Engineering (No. C3S2E '16, pp. 73-78). ACM.

5) COLONNA, J. G.; CRISTO, M.; NAKAMURA, E. F. (2014, August).

A Distributed Approach for Classifying Anuran Species Based on Their Calls.

In Pattern Recognition (ICPR), 2014 22nd International Conference on (pp. 1242-1247). IEEE.

6) NIELSEN, M.

Neural Networks and Deep Learning, Chapter 1 (Last accessed on 8th April 2018). http://neuralnetworksanddeeplearning.com/chap1.html