Fiabilité des projections des modèles d'aire de répartition des arbres forestiers

Discussion « bonus »

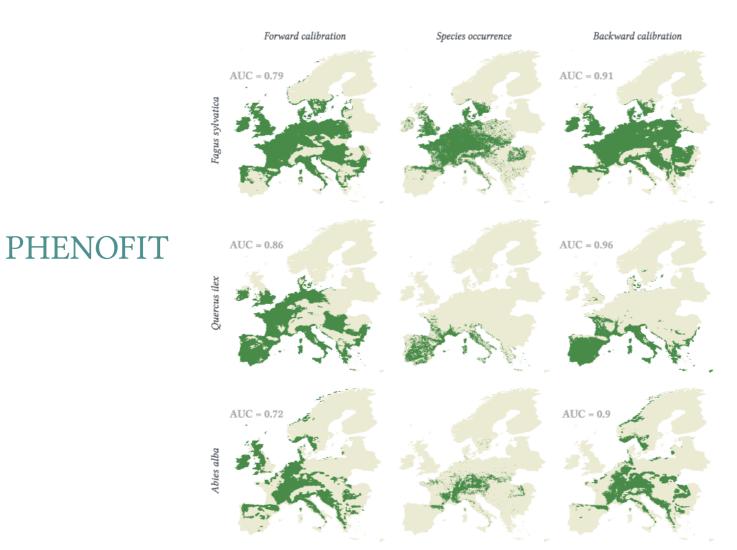
18/01/2023

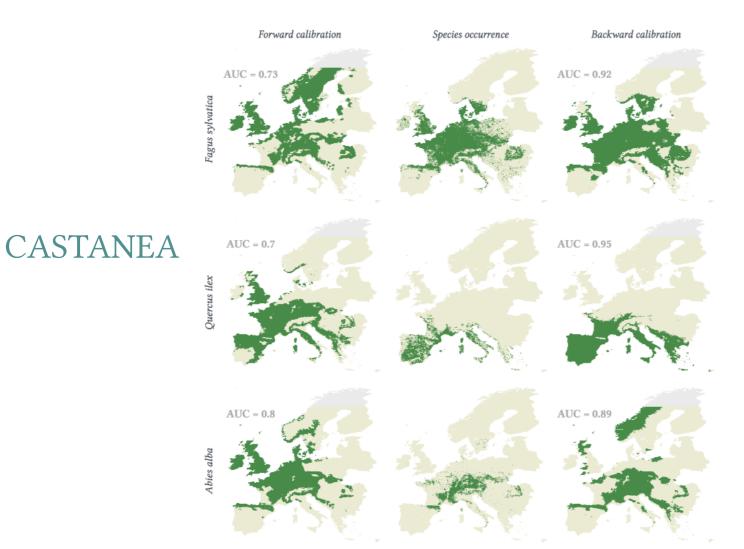
Points à aborder

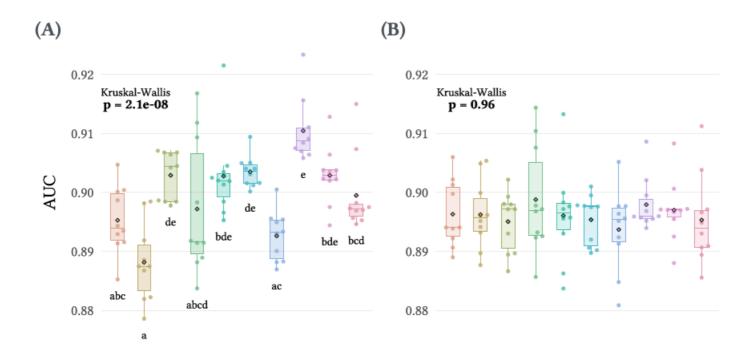
- calibration des modèles
- génération des données paléoclimatiques
- exploration des données fossiles
- premiers tests de modèle de migration

- Covariance matrix adaptation evolution strategy (CMA-ES)
- Sous-échantillonnage des données de présence/pseudo-absence
- PHENOFIT et CASTANEA pour 3 espèces :
 - ⊳ hêtre

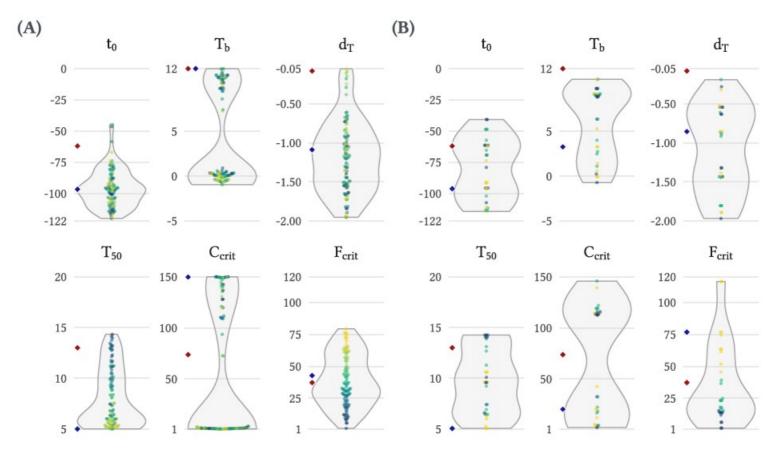
 - > sapin blanc





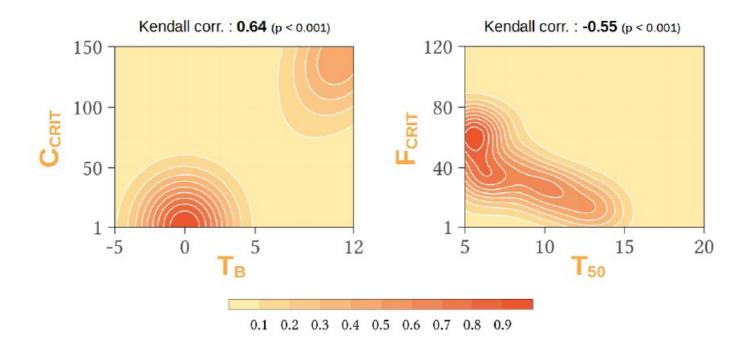


Exemple PHENOFIT et hêtre : pas d'effet du sous-échantillonnage

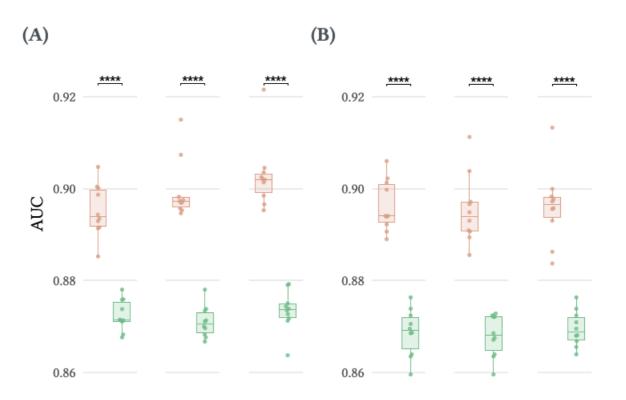


- forward values
- best backward values

Mais **non-identifiabilité**!



Car corrélations structurelles entre paramètres



CMA-ES un peu plus performant qu'ABC (Approximate Bayesian Computation)

Methods in Ecology and

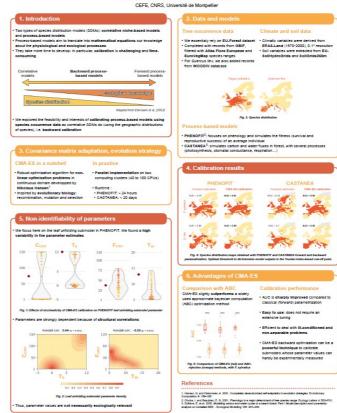
Estimating process-based model parameters from species distribution data

| Journal: | Methods in Ecology and Evolution |
|----------------------------------|---|
| Manuscript ID | Draft |
| Wiley - Manuscript Type: | Research Article |
| Date Submitted by the Author: | n/a |
| Complete List of Authors: | Van der Meersch, Victor; Université de Montpellier, CNRS, EPHE, IRD, CEFE Chuine, Isabelle; Université de Montpellier, CNRS, EPHE, IRD, CEFE |
| Keywords: | Process-based model, Calibration, Trees, Optimisation, Species distribution model |
| Abstract: | 1. Two main types of species distribution models are used to project species range shifts in future climatic conditions: correlative and process-based models. Although there is some continuity between these two types of models, they are fundamentally different in their hypotheses (statistical relationships vs. cause-to-effect relationships) and their calibration methods (dependent vs. independent of the species observed distributions). 2. One of the main limitation to the use of process-based models is the difficulty to parameterize them for a very large number of species. Our aim was to calibrate process-based models in the same way as correlative models, i.e. using the geographic distributions of species. We investigated the feasibility of using an evolutionary algorithm (called covariance matrix adaptation evolution strategy, (MA-ES) to calibrate these models. This method is well established in some fields (robotics, serspace research,), but has never been used, to our knowledge, in ecology, despite its ability to deal with vey large space dimensions. Using tree species occurrence data across Europe, we adapted the CMA-ES) algorithm to find appropriate values of model parameters. We estimated simultaneously 27 to 77 parameters of two process-based models simultaneously 27 to 77 parameters of two process-based models simultaneously 27 to 77 parameters of two process-based models simultaneously 27 to 77 parameters of two process-based models simultaneously 27 to 77 parameters of two process-based models simultaneously 27 to 77 parameters set so the same amount of computation time. Prediction of species distribution than parameter estimates leading to better prediction of species distribution than parameter estimates based on experts knowledge. It was more efficient than ABC, and provided better parameter sets for the same amount of computation time. Predictions of process-based models calibrated with CMA-ES were as good as |

Papier en *major* revisions dans MEE

A novel method to estimate process-based model parameters from species distribution data

Victor Van der Meersch, Isabelle Chuine



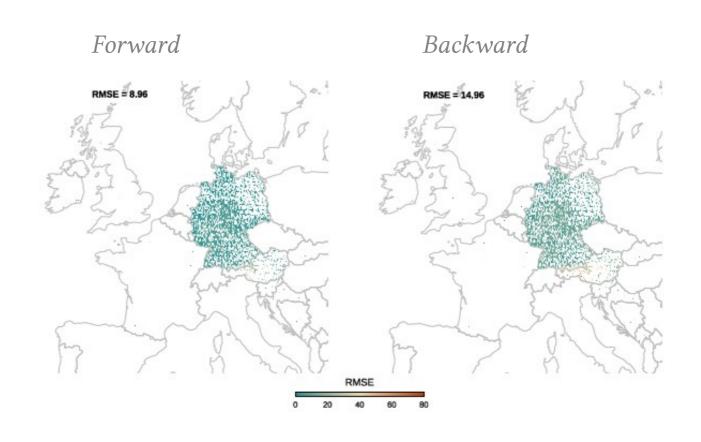
Poster présenté à la SFE2 à Metz

- Essayer de décortiquer les différences forward/backward Que peut-on tirer de l'exercice de calibration ?

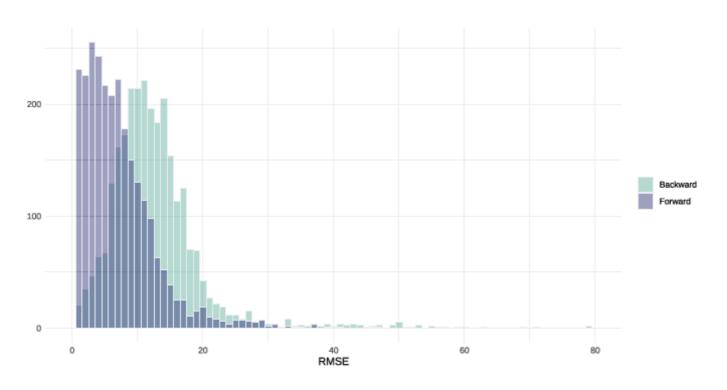
Valeurs des paramètres réalistes?

→ pourrait faire l'objet d'une publication ?

Exemple avec les dates de débourrement



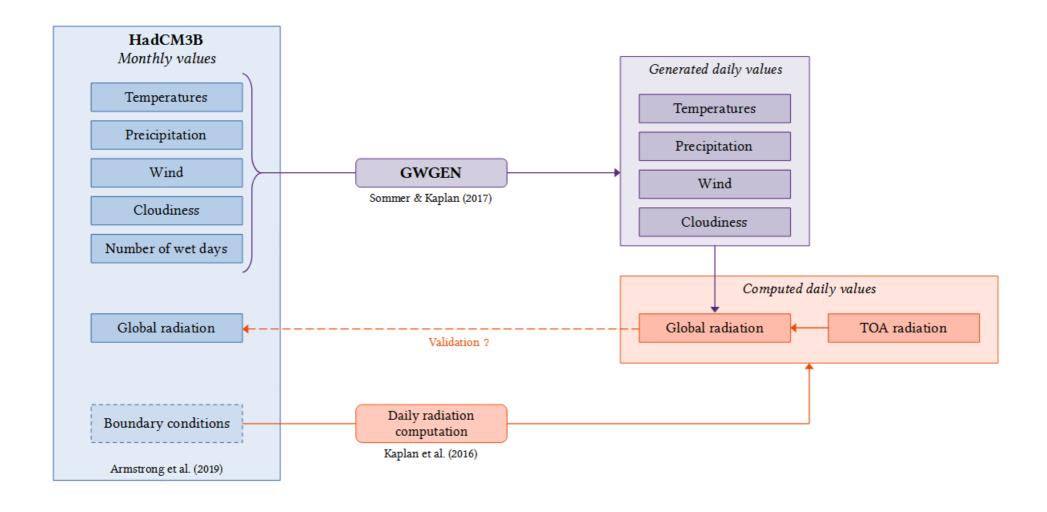
Exemple avec les dates de débourrement

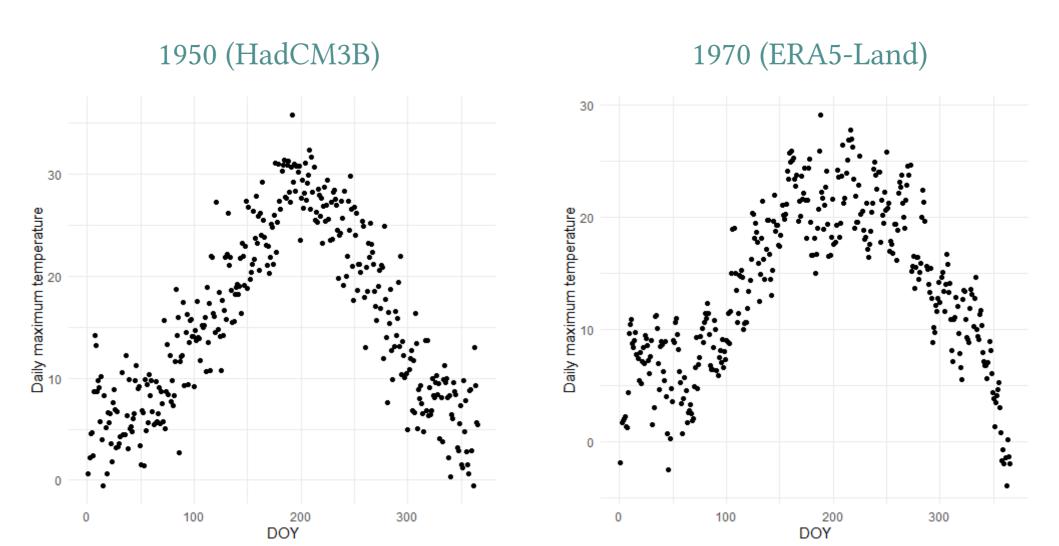


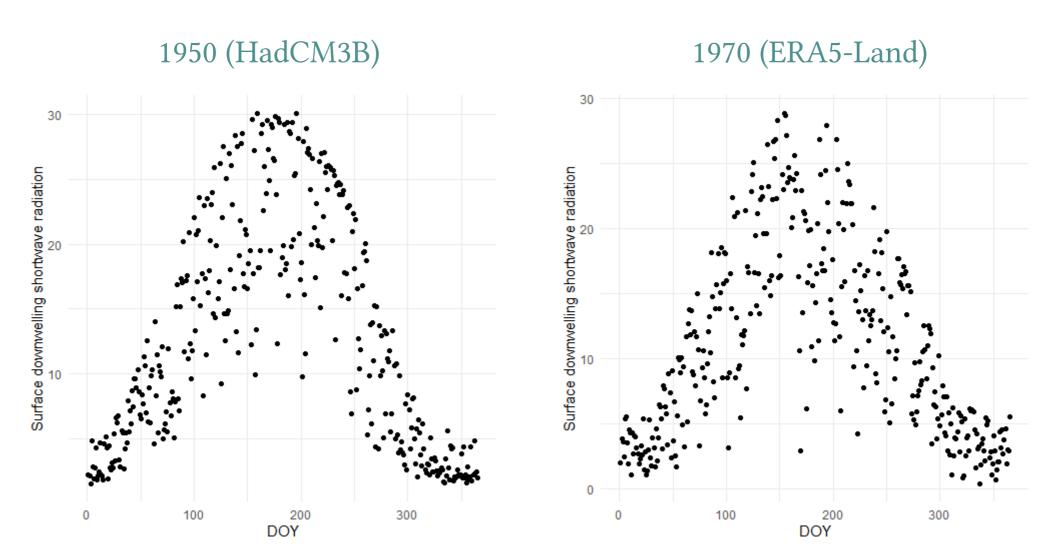
- Données mensuelles proviennent du GCM HadCM3B
- **Résolution 0.5**°, bias corrected
- Variables générées pour notre projet en particulier, collaboration avec E. Armstrong



- -Besoin de données journalières pour les modèles basés sur les processus
- Données de **température**, **précipitation**, et **nébulosité**, générées avec le *weather generator* GWGEN (Sommer and Kaplan, 2017)
- Données de **radiation** calculées avec les mêmes conditions limites que HadCM3B, en s'inspirant du code de LPJ-LMfire (Kaplan et al., 2016)







Paléovégétation

- NEOTOMA, grosse base de données palynologiques
- Quelques macrofossiles inclus, mais nombre très limité
- Données bibliographiques ?

 Fagus, données de D. Magri

 Pinus, données de R. Cheddadi
 - → uncalibrated + pas mis à jour depuis 2006

Paléovégétation

e.g. Fagus

- * pollen
- → macro-reste

calotte glaciaire

Comment intégrer les contraintes de dispersion?

- **MigClim**, simple automate cellulaire avec un kernel de dispersion discrétisé (Engler et al., 2012)
- → approche peu originale, mais qui a fait ses preuves et encore utilisée aujourd'hui :



RESEARCH ARTICLE 🔯 Open Access 📵 🕡

Migration-based simulations for Canadian trees show limited tracking of suitable climate under climate change

Laura Boisvert-Marsh , John H. Pedlar, Sylvie de Blois, Amael Le Squin, Kevin Lawrence, Daniel W. McKenney, Charlene Williams, Isabelle Aubin

Comment intégrer les contraintes de dispersion?

- **MigClim**, simple automate cellulaire avec un kernel de dispersion discrétisé (Engler et al., 2012)
- → approche peu originale, mais qui a fait ses preuves et encore utilisée aujourd'hui :

scientific data

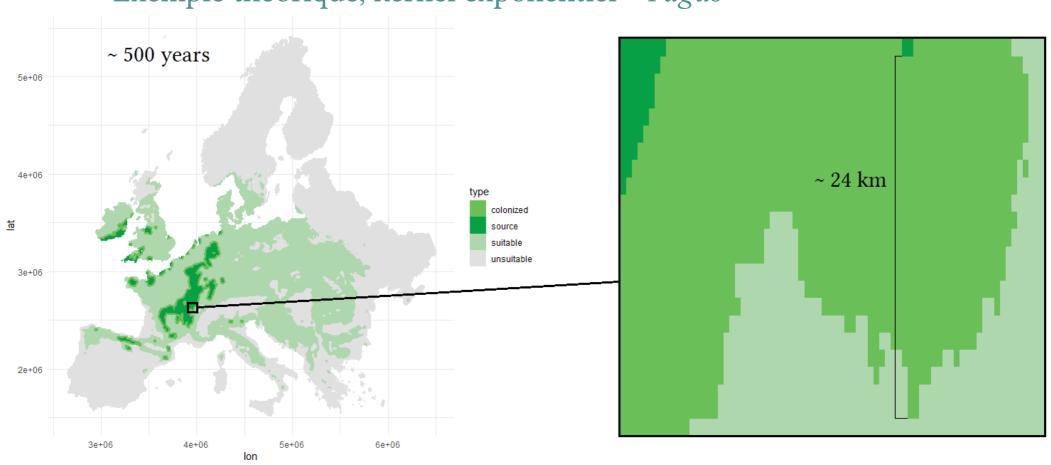
Data Descriptor | Open Access | Published: 03 February 2022

EU-Trees4F, a dataset on the future distribution of European tree species

Achille Mauri [™], Marco Girardello, Giovanni Strona, Pieter S. A. Beck, Giovanni Forzieri, Giovanni Caudullo, Federica Manca & Alessandro Cescatti [™]

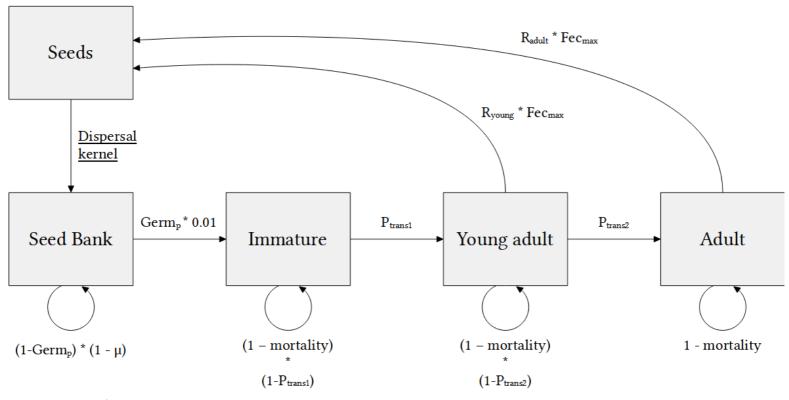
~ 50m/an

Exemple théorique, kernel exponentiel ~ Fagus



Devrait-on rajouter + de dynamique des populations pour + de réalisme ?

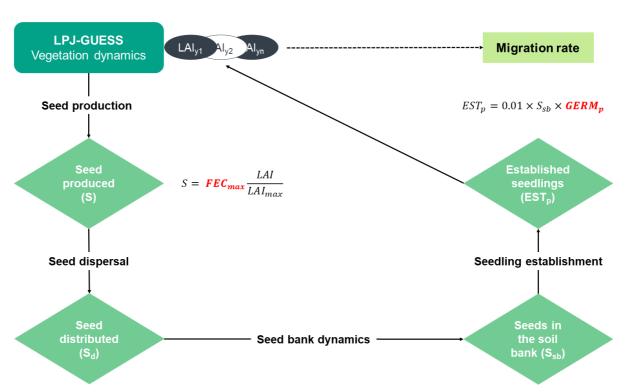
Exemple d'une stage-structured matrix



Inspirée de LPJ-GM

LPJ-GM (Zani et al., 2022)

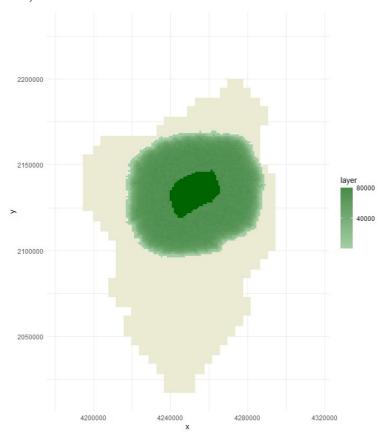
LPJ-GM MIGRATION MODULE



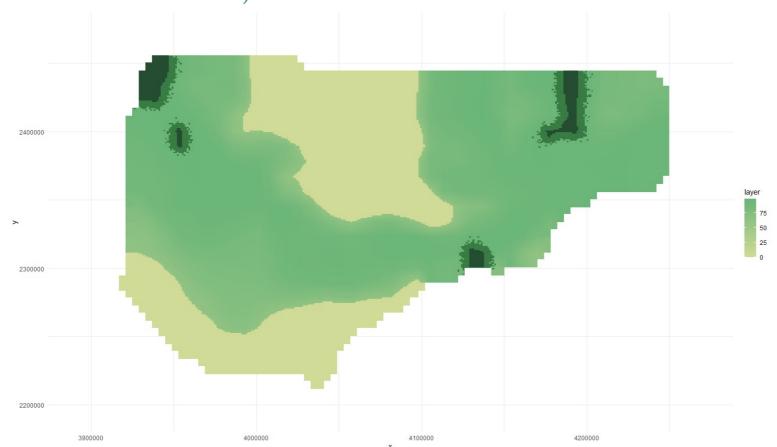
Model 1:
$$K_s = pdf(SDD_d, LDD_d)$$

Model 2: $K_s = pdf(SDD_d, LDD_d, b)$
 $S_d = S \times K_s$

- population-based model: exemple du package « steps » (Visintin et al. 2020)

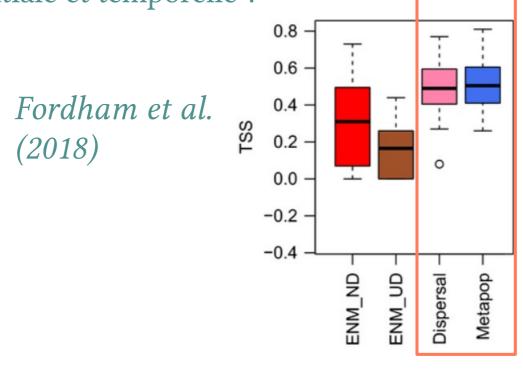


- *individual-based model* : exemple du package *« RangeShiftR »* (Malchow et al. 2021)



- modèles plus complexes à calibrer
- simulations + longues, voire quasi-impossibles à l'échelle de l'Europe (IBM)
- → Faut-il rajouter de la dynamique des pops ?

- question de l'utilité de modèles + complexes à notre échelle spatiale et temporelle ?



Pas vraiment d'amélioration en rajoutant de la dynamique

- question de l'utilité de modèles + complexes à notre échelle spatiale et temporelle ?

Même constat de Zurell et al. (2016) :

« When benchmarking data were simulated with more complex demographic and community processes, simple SDM hybrids including only dispersal often proved most reliable »

Paléosimulations

Quelle stratégie adopter pour les simulations?

→ une fenêtre de 30 ans / 200 ans

