**进化树的可视化脚本**

**项目名称：**进化树可视化脚本分享

**项目负责：**北京诺禾致源科技股份有限公司植物业务线

**撰写人：**陈军，生物信息工程师

**2019年2月21日**

**项目书编号：**工位号-年月日-版本号

# 特别声明

**本文档属于内部资料，仅提供给公司正式员工参阅；同时限制资料的传输，禁止公开传阅。**

**版本历史记录**

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| **版本号** | **日期** | **提交人** | **备注** |
|  |  |  |  |
|  |  |  |  |
|  |  |  |  |

版权所有：北京诺禾致源科技股份有限公司保留所有权利。

本产品或文档受版权保护，其使用、复制、发行和反编译均受许可证限制。未经北京诺禾致源科技股份有限公司及其授权者的事先书面许可，不得以任何形式、任何手段复制本产品或文档的任何部分。

目 录

1. [特别声明 2](#_Toc517259893)
2. [一、 文档说明 4](#_Toc517259894)
   1. [1.1 关于手册 4](#_Toc517259895)
   2. [1.2 面向的使用者 4](#_Toc517259896)
   3. [1.3 信息反馈 4](#_Toc517259897)
3. [二、 XX背景介绍 4](#_Toc517259898)
4. [三、 评估方法 4](#_Toc517259899)
   1. [3.1 样本选择 4](#_Toc517259902)
   2. [3.2 数据分析内容 4](#_Toc517259903)
   3. [3.3 数据统计与评估 4](#_Toc517259904)
   4. [3.4 评估测试路径 4](#_Toc517259905)
5. [四、 评估结果 5](#_Toc517259906)
   1. [4.1 XXX分析结果 5](#_Toc517259908)
   2. [4.2 XXX分析结果 5](#_Toc517259909)
   3. [4.3 XXX分析结果 5](#_Toc517259910)
6. [五、 结论 5](#_Toc517259918)
7. [六、 参考文献 5](#_Toc517259919)
8. [七、 问题反馈及建议 5](#_Toc517259920)

# 文档说明

## 关于手册

* 1. 该文档旨在对可视化的相关脚本的使用进行评估说明。

## 面向的使用者

植物业务线所有信息人员及生产中心相关同事

## 信息反馈

如果对本文档有任何意见和建议，请联系 陈军 邮箱：chenjun4663@novogene.com

# 背景介绍

（包括测试评估技术/处理的背景介绍、样本信息、使用受众等）

随着公司项目的增多，需要批量化操作的内容越来越多，如在流程中生成tree文件后，想一次性打开可视化查看是一件很麻烦的事情，特别是从参考基因组中一下子找到相应的

# 评估方法



## 样本选择

## 数据分析内容

（包括数据处理流程、数据处理方法等）

## 数据统计与评估

（关注分析指标）

## 评估测试路径

（评估测试记录及输入输出文件）

# 评估结果

（对每部分评估结果进行简单描述，分析数据以图表形式展示并进行说明）



## XXX分析结果

## XXX分析结果

## XXX分析结果



# 结论

# 参考文献

（对文档中需要注意的重点内容进行说明）

# 问题反馈及建议

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| **联系人** | **邮箱** | **QQ** | **备注** |
|  |  |  |  |