









# >> 什么是聚类



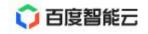
- 有监督学习
  - 回归
    - 线性回归
    - 岭回归
  - 分类
    - 朴素贝叶斯
    - svm
- 无监督学习
  - 聚类
    - k-means
  - 降维
    - PCA降维



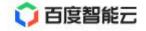


k-means

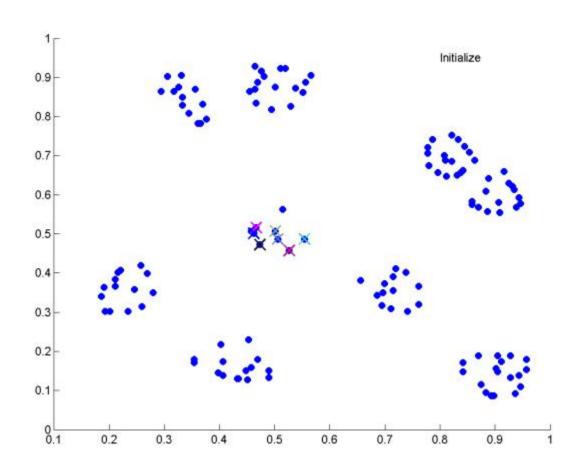


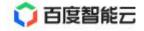


- 假定我们要对N个样本观测做聚类,要求聚为K类:
  - 1. 初始化:选择K个点作为初始中心点
  - 2. 计算所有样本到所有中心点的距离(中心点的数量为k)
  - 3. 把样本归为距离中心点最近的类别(共k个类别)
  - 4. 计算每个类别内的样本均值
    - 该均值作为新的中心点
  - 5. 重复第2-4步, 直到结束。
    - 结束条件: 中心点不再改变或达到指定的迭代次数

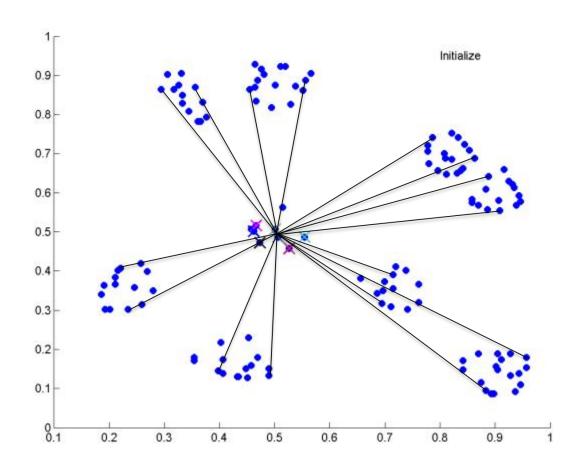


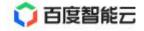
- 假定我们要对N个样本观测做聚类,要求聚为K类:
  - 1. 初始化: 选择K个点作为初始中心点
  - 2. 计算所有样本到所有中心点的距离(中心点的数量为k)
  - 3. 把样本归为距离中心点最近的类别(共k个类别)
  - 4. 计算每个类别内的样本均值
    - 该均值作为新的中心点
  - 5. 重复第2-4步, 直到结束。
    - 结束条件: 中心点不再改变或达到指定的迭代次数



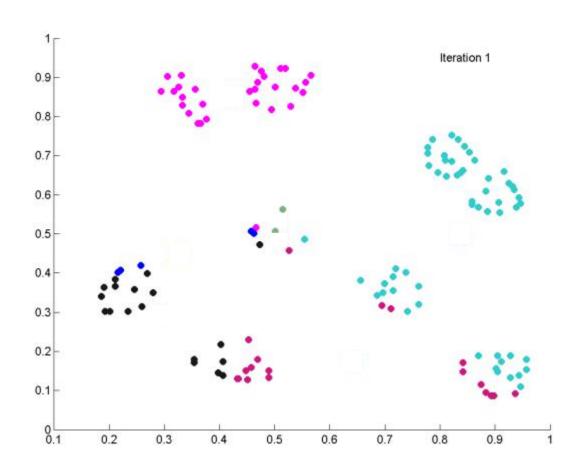


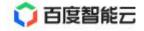
- 假定我们要对N个样本观测做聚类,要求聚为K类:
  - 1. 初始化: 选择K个点作为初始中心点
  - 2. 计算所有样本到所有中心点的距离(中心点的数量为k)
  - 3. 把样本归为距离中心点最近的类别(共k个类别)
  - 4. 计算每个类别内的样本均值
    - 该均值作为新的中心点
  - 5. 重复第2-4步, 直到结束。
    - 结束条件: 中心点不再改变或达到指定的迭代次数



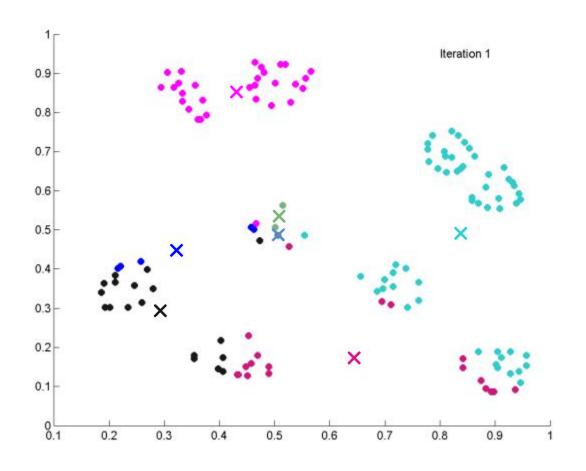


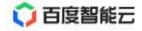
- 假定我们要对N个样本观测做聚类,要求聚为K类:
  - 1. 初始化:选择K个点作为初始中心点
  - 2. 计算所有样本到所有中心点的距离(中心点的数量为k)
  - 3. 把样本归为距离中心点最近的类别(共k个类别)
  - 4. 计算每个类别内的样本均值
    - 该均值作为新的中心点
  - 5. 重复第2-4步, 直到结束。
    - 结束条件: 中心点不再改变或达到指定的迭代次数



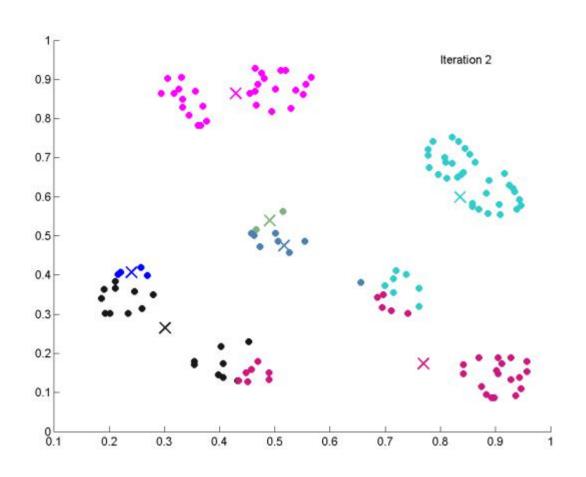


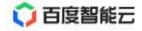
- 假定我们要对N个样本观测做聚类,要求聚为K类:
  - 1. 初始化:选择K个点作为初始中心点
  - 2. 计算所有样本到所有中心点的距离(中心点的数量为k)
  - 3. 把样本归为距离中心点最近的类别(共k个类别)
  - 4. 计算每个类别内的样本均值
    - 该均值作为新的中心点
  - 5. 重复第2-4步, 直到结束。
    - 结束条件: 中心点不再改变或达到指定的迭代次数



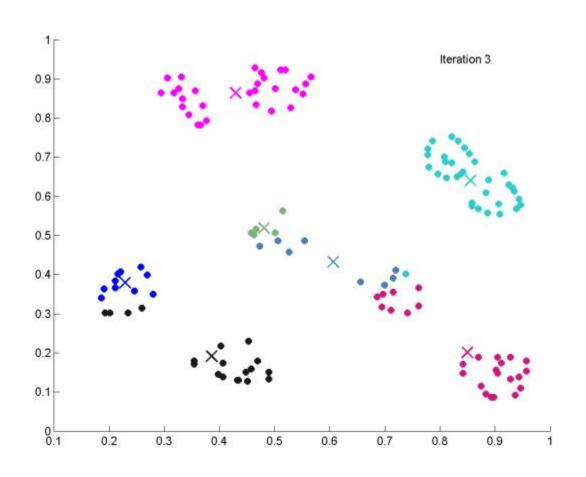


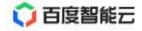
- 假定我们要对N个样本观测做聚类,要求聚为K类:
  - 1. 初始化:选择K个点作为初始中心点
  - 2. 计算所有样本到所有中心点的距离(中心点的数量为k)
  - 3. 把样本归为距离中心点最近的类别(共k个类别)
  - 4. 计算每个类别内的样本均值
    - 该均值作为新的中心点
  - 5. 重复第2-4步, 直到结束。
    - 结束条件: 中心点不再改变或达到指定的迭代次数



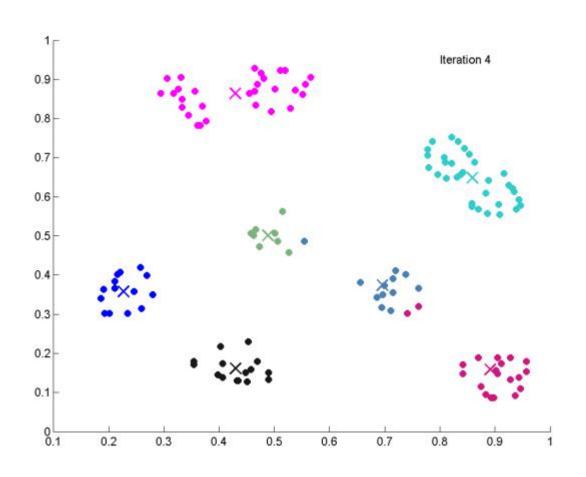


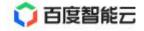
- 假定我们要对N个样本观测做聚类,要求聚为K类:
  - 1. 初始化:选择K个点作为初始中心点
  - 2. 计算所有样本到所有中心点的距离(中心点的数量为k)
  - 3. 把样本归为距离中心点最近的类别(共k个类别)
  - 4. 计算每个类别内的样本均值
    - 该均值作为新的中心点
  - 5. 重复第2-4步, 直到结束。
    - 结束条件: 中心点不再改变或达到指定的迭代次数



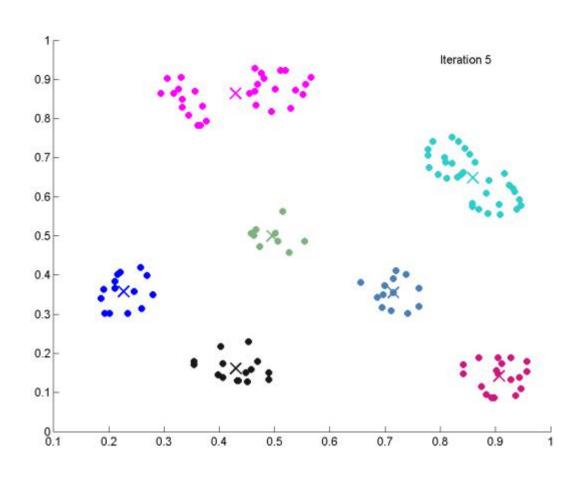


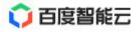
- 假定我们要对N个样本观测做聚类,要求聚为K类:
  - 1. 初始化:选择K个点作为初始中心点
  - 2. 计算所有样本到所有中心点的距离(中心点的数量为k)
  - 3. 把样本归为距离中心点最近的类别(共k个类别)
  - 4. 计算每个类别内的样本均值
    - 该均值作为新的中心点
  - 5. 重复第2-4步, 直到结束。
    - 结束条件: 中心点不再改变或达到指定的迭代次数

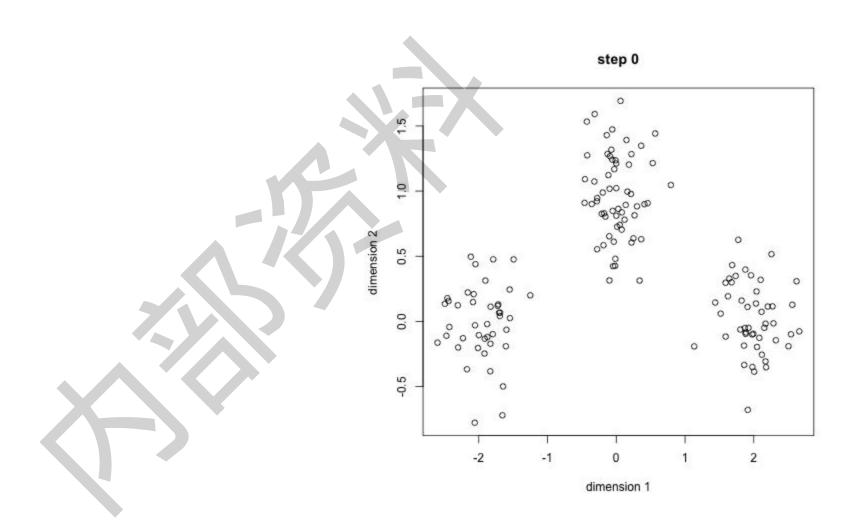




- 假定我们要对N个样本观测做聚类,要求聚为K类:
  - 1. 初始化:选择K个点作为初始中心点
  - 2. 计算所有样本到所有中心点的距离(中心点的数量为k)
  - 3. 把样本归为距离中心点最近的类别(共k个类别)
  - 4. 计算每个类别内的样本均值
    - 该均值作为新的中心点
  - 5. 重复第2-4步, 直到结束。
    - 结束条件: 中心点不再改变或达到指定的迭代次数











• 欧式距离

### • 高维向量:

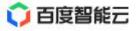
$$- A = \{a_1, a_2, a_3...a_n\}$$

- B = 
$$\{b_1, b_2, b_3...b_n\}$$

$$D = \sqrt{(a_1 - b_1)^2 + (a_2 - b_2)^2 + \dots + (a_n - b_n)^2}$$

- 每个数据分配给距离最近的类
  - $\underset{j}{\operatorname{arg\,min}} ||x_n C_j||^2$
  - 其中, $C_i$ 为聚类中心点

### >> k-means算法效果的度量



• 误差平方和

$$SSE = \sum_{n=1}^{N} \sum_{k=1}^{K} r_{nk} ||x_n - C_k||^2$$

- 其中, $x_n$ 表示样本, $C_k$ 表示第k个中心点, $r_{nk}$ 表示是否属于该类别,如果是则为1,否则为
- 求邶佶

$$egin{aligned} rac{\partial}{\partial C_k} SSE &= rac{\partial}{\partial C_k} \sum_{i=1}^K \sum_{x \in C_i} \left( C_i - x 
ight)^2 \ &= \sum_{i=1}^K \sum_{x \in C_i} rac{\partial}{\partial C_k} (C_i - x)^2 \ &= \sum_{x \in C_i} 2 \left( C_i - x 
ight) = 0 \end{aligned}$$

$$\sum_{x \in C_i} 2\left(C_i - x
ight) = 0 \Rightarrow m_i C_i = \sum_{x \in C_i} x \Rightarrow C_i = rac{1}{m_i} \sum_{x \in C_i} x$$

$$C=(rac{x_{11}+\ldots+x_{1n}}{m},\ldots,rac{x_{m1}+\ldots+x_{mn}}{m})$$

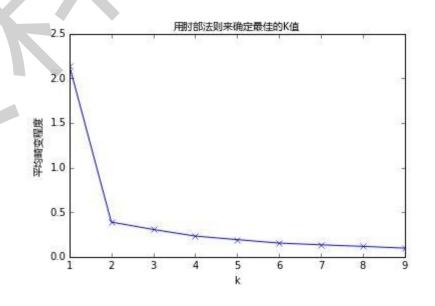
- 中心的选取
  - 随机,
  - 多次尝试

# >> K值怎么确定



• K设置得越大,样本划分得就越细,每个簇的聚合程度就越高,误差平方和SSE自然就越小

• 手肘法



# >> 算法优缺点



### • 优点

- 算法原理简单
- 需要设置的超参数少(只有一个k)
- 收敛速度快
- 可扩展性好

### • 缺点

- K值、初始点的选取不好确定
- 得到的结果只是局部最优
- 受离群值影响大

