

Gene_info_Illustration_CE_circ_ceR

Title	Mean	Example
ProbeName	探针名称	hsa_circ_0000026
ControlType	是否为质控位点 (pos:质控点 , FALSE:非质控点)	Pos/FALSE
Sample_NS	探针在样本中的归一化信号值	7.023509
Sample_flag	样品的检出判定 : A : 该探针的信号与本底不具有显著性差异;P : 该探针的信号与本底具有显著性差异;M : 该探针的信号与本底的差异介于 A 和 P 之间	P/M/A
Fold_change(1_vs_2)	(formula : foldchange=average(power(2,signal(CASE)))/ average(power(2,signal(CONTROL)))) 两组 (具有生物学重复样品) 或两个 (无生物学重复样品) 的差异倍数	3.4
foldchange (abs)	(formula : if foldchange >1, foldchange (abs) = foldchange , foldchange < 1, foldchange (abs) =1\ foldchange) 两组 (具有生物学重复样品) 或两个 (无生物学重复样品) 的差异倍数的绝对值	3.4
Regulation(1_vs_2)	两组 (具有生物学重复样品) 或两个 (无生物学重复样品) 的上下调变化趋势	up/down
Type	RNA 的类型 : circRNA/lncRNA / mRNA (注 : 标记为 circRNA_lncRNA_mRNA 的表示该探针检测的是特定的表达总和)	circRNA/lncRNA/mRNA
ProbeSeq	探针序列	AAGGTATCTTAAGGAA AGTTCAAGGTAAAAAG ACAGAGGTGTTTATGG TTACATGTGTGT
circRNA_ID	Circbase 数据库中基因 ID	hsa_circ_0082053
chrom	circRNA 来源染色体	Chr7
Hsa_hg19_circRNA_start	序列起始位置	91787463
Hsa_hg19_circRNA_end	序列终止位置	91810001
Hsa_hg19_circRNA_strand	circRNA 序列正负链来源	+/-

genomic_length	基因组上序列长度	53243
spliced_seq_length	剪切后序列长度	2700
best_transcript	最佳转录本	NM_024913
gene_symbol	来源母基因名称	CCDC88C