字符串哈希

宁华

- 很久很久以前,森林里住着一群兔子。
- · 有一天, 兔子们想要研究自己的 DNA 序列。
- 我们首先选取一个好长好长的 DNA 序列(小兔子是外星生物,DNA 序列可能包含 26 个小写英文字母)。
- 然后我们每次选择两个区间,询问如果用两个区间里的 DNA 序列分别生产出来两只兔子, 这两个兔子是否一模一样。
- 注意两个兔子一模一样只可能是他们的 DNA 序列一模一样。

- 输入格式
- 第一行输入一个 DNA 字符串 S。
- 第二行一个数字 m, 表示 m 次询问。
- 接下来 m 行,每行四个数字 |1,r1,l2,r2,分别表示此次询问的两个区间,注意字符串的位置从 1 开始编号。
- 输出格式
- 对于每次询问,输出一行表示结果。
- 如果两只兔子完全相同输出 Yes, 否则输出 No (注意大小写)。
- 数据范围
- 1≤length(S),m≤1000000

- 输入样例:
- aabbaabb
- 3
- 1357
- 1368
- 1212
- 输出样例:
- Yes
- No
- Yes

方法1: 朴素算法

方法2: 字符串哈希

- 取一固定值 P,把字符串看做 P 进制数,并分配一个大于 0 的数值,代表每种字符。
- 假如只有26个英文小写字母,则可以把字符串看作是 27 进制数(不使用数码0(思考:为什么不使用数码0?))
- a —— 1
- b —— 2
- c —— 3
- •
- z ——26

• S 映射为 27 进制数: (123)₂₇

• T 映射为 27 进制数: (24 25 26)₂₇

•比较 S 与 T 是否相等 转化为 判断 两个 27 进制数是否相等

• 一般来说,我们选择的 P 值通常远大于字符的种数,比如 P = 131 进制。

- P=131
- "abcdefghijk" ===> 1*131^10+2*131^9+...
- 随之带来的问题是?

问题:

• 映射得到的数值太大,标准数据类型存不下。

问题解决方法:

• 取一固定值 M,求出该P进制数对M的余数,作为该字符串的 Hash值。

• 通常取 unsigned long long M = 2^64

• 溢出 相当于 自动对 2^64 取模, 避免低效的取模(mod)运算

新的问题:

• 是否会出现两个不同字符串映射得到的数值相同? ——冲突

问题解决方法:

• 一般来说,取 P=131 或 P=13331 ,此时Hash值产生冲突的概率极低。

• 或者多取一些恰当的P和M,多进行几组Hash运算,当结果都相同时才认为两个字符串相同。

总结

- P=131 或 P=13331
- M=2^64

方法2: 字符串哈希

- 10进制:
- 求 123456789 左起第 3 位到第 7 位这一段的值

- 解:
- 1234567 12*10^(7-3+1)
- = 1234567 1200000
- = 34567

• 求字符串 "abcdefghijklmn" 左起第 3 位到第 7 位这一段字符串的 Hash值

• 完成代码并提交