注: 若评测机器性能有所差别可以适当更改时限. 下为组题人本机下运行时限:

- floral 0.5s
- corolla 0.5s
- bloom 0.5s

花卉港湾

首先我们求出直径. 令其两个端点为 a,b. 那么如果 u 不可到达 a,b 中的任意一个点 (即 $dis(u,a) \le K$ 且 $dis(u,b) \le K$) 那么就 -1 了. v 同理. 否则 u,a,b,v 四个点 就是联通的,于是答案 ≤ 3 . 答案是否 = 1 是容易判断的,所以我们聚焦于如何判断 答案是否 = 2.

这就意味着我们要看能不能找到一个点 w 使得可以 $u \to w \to v$. 我们把直径 p_1,\dots,p_m 拉出来,那么树上的每个节点 s 应该能唯一对应到一个 c_s ,使得如果把 直径边都删掉的话那么 s 在 p_{c_s} 为根树中. 形象地说就是 s 挂在 p_{c_s} 上. 令 g_s 表示 s 到 p_{c_s} 的距离. 那么同时每个 p_i 也能算出一个 h_i 表示 $c_s=i$ 中的 g_s 的最大值. 那么 我们的问题其实就等价于是否存在一个 $k\neq c_u,c_v$ 并且 $|k-x_u|+g_u+h_k\geq K$ 且 $|k-x_v|+g_v+h_k\geq K$. 注意到它是大于号,所以绝对值可以直接拆掉,然后变成 四个分类讨论. 问题实际上可以化简成如下形式: 限定 $k+h_k\geq W_0$ 时, h_k-k 的 最大值; $h+h_k$ 的最大值; h_k-k 的最小值. 后两个很简单,第一个需要上一个线 段树.

礎石花冠

首先一个绕不开的问题是求该图的强连通分量. 考虑使用 Kasaraju 法求强连通分量,那么我们每次要做的就是找一条未访问过的出边. 考虑分别用线段树维护区间内 a_i 及 b_i 最大/最小的还未访问过的点即可. 这一步所需要的复杂度是 $O((n+m)\log n)$ 的.

求出强连通分量之后每个强连通分量用一个环来代替一定是最优的. 剩下的问题是如何对于一个 DAG 求 f(G).

对于 G 求 f(G) 其实没有什么最优性可言 —— 对于一条边 $u\to v$,其能被删除当且仅当存在一条 >1 条边的 $u\to v$ 的路径.

对于一般图这个问题是 O(|V||E|) 的. 我们叙述一种容易在我们这个问题上优化的做法. 假设点的编号按拓扑序正序排列,那么我们从后往前做.

[i+1,n] 不会指向前面,所以我们对 [i+1,n] 求出的子图 G' 满足局部的最优性. 我们现在考虑往 G' 中加入 i 之后会发生什么. 我们把 G' 给 copy 一份拉出来,令其为 G''. 我们先考虑所有在 G'' 中的零入度的点 x,如果存在边 $i \to x$,那么显然在 G' 上应该连上 $i \to x$,那么此时所有能被 x 指向的点的可达性就也解决了. 如果不存在边 $i \to x$,那么我们就在 G'' 中把 x 这个点给删除了,然后这样 x 指向的点的入度就会 -1. 不断这样找零入度的点,直到没有需要继续处理的零入度的点了. 那么此时现在显然 G'' 中的点在原图上和在 G' 上都是被 i 可达的. 于是我们就完成了加入 i 的操作.

但这题我们是从一个竞赛图中删去了若干条边. 实际上,如果我们仔细分析一下,上述操作的复杂度(如果实现地好的话,比如你没必要真的去 copy 成 G'' 而是只需要维护一下每个点的 deg)是 $O((n+m)\sqrt{m})$ 的.

首先我们发现加边的操作只会发生 O(n+m) 次(题目中已经说过了),那么我们 看除了加边我们还会做什么操作. 实际上唯一影响我们复杂度的操作就是"删除 x 并 减小其指向的点的 deg'' 的操作. 那么一个这样的 x 能有多少出边呢?我们发现对于 x,其在 G' 上指向的点集 S_x 应该满足两两不可达,这意味着任意 $u,v\in S_x$ 应当满 足 $(u,v) \in E'$, 其中 E' 为题目中删的边集. 那么于是 $|S_x| \leq \sqrt{|E'|} = \sqrt{m}$.

所以我们理论上要做的操作只有 $O((n+m)\sqrt{m})$ 次. 而一个小细节是,我们查询两 个点是否有边的操作其实是查询两个强连通分量是否有边. 查询这个实际上只需要提 前求出两个强连通分量之间有多少条边 $\in E'$, 然后看一下是否等于 $sz_x \times sz_y$ 就行 了.

磷磷开花

说不定可能比 T2 简单. 谁知道呢.

我们先看所有 a 都一样的情况. 这也就意味着每个元素都是没有区别的. 那么我们不 妨假设钦定第i个培养皿是恰好第i个装入细胞的,然后最后再乘上n!就是原本的 答案.

那么在时刻 t,编号为 [1,i] 的培养皿有细胞,并且尚未选取的二元组集合为 S,其 中 $t=\frac{n(n-1)}{2}-|S|$, 那么我们就可以有个简单的暴力 DP: f(i,S) 表示达成这个状 态的方案数,然后转移直接枚举选择了哪个二元组即可.

考虑优化. 我们把 S 拆成 A+B+C, 其中 $A\subset [1,i]\times [1,i]$, $B \subset [1,i] \times [i+1,n], \ C \subset [i+1,n] \times [i+1,n].$ 那么我们首先发现我们其实根 本不关心 A 是什么,只关心 |A|,令其为 a. 然后我们还能发现只要两个 $|C_1| = |C_2|$ 那么 $f(i, A, B, C_1) = f(i, A, B, C_2)$, 也就是说 f 也只与 |C| 有关. 于是 A, C 两个 维度都被优化掉了, 我们研究一下最棘手的 B.

一个优化方向是还是研究什么样的 B_1, B_2 会满足 $f(i, A, B_1, C) = f(i, A, B_2, C)$. 考虑对于任意 $x \in [1, i]$,令 b(x) 表示有多少 $(x, *) \in B$,那么我们可以类似地发现 只要两个 B 的 b 序列一样, 那么其 DP 值就一样. 更进一步地, 我们实际上只关心所 有 $\{b_x\}$ 形成的集合而不是序列,所以只要两个 B 的 b 集合相同,那么其 DP 值就是 一样的.

于是我们考虑我们的 DP 如何转移. 首先 $a \times f(i, a, b, c) \rightarrow f(i, a + 1, b, c)$, $c \times f(i,a,b,c) \to f(i,a,b,c+1)$ 两个最基本的转移只是操演定义,不再赘述. 然后 考虑会使得i+1上有细胞的转移,即使得b变动的转移(注意我们钦定了装入细胞 的顺序所以只能是i+1上被复制上细胞).那么这个时候我们就需要枚举一个集合 $S \subset [1,i]$ 表示钦定 B 中有且仅有 $x \in S$ 的元素满足 $(x,i+1) \in B$, 这个事情的概 率是 $\prod_{x \in S} \frac{b_x}{n-i} \prod_{x \notin S} \frac{n-i-b_x}{n-i}$,然后再枚举一个数 k 表示 C 中出有多少个 (x,*),这个事情的概率是 $P(i,c,k) = \frac{\binom{n-i-1}{k}\binom{(n-i-1)(n-i-2)/2}{c-k}}{\binom{(n-i)(n-i-1)/2}{c-k}}$. 对于给定的 k,S,我们会将概

率乘上 $|S| \times f(i, a, b, c)$ 贡献给

 $f(i+1, a+|S|-1, \{b_x-[x\in S]\} \cup \{k\}, c-k).$

这个转移复杂度有点略大了. 首先我们发现我们可以将枚举S和枚举k的这一步给拆 开来.

然后注意到我们可以用一个 DP 来将上面那个枚举 S 给优化掉. 我们令 g(k,a,b,c,0/1) 表示仅考虑前 k 个元素的贡献和. 那么就有如下的转移(其中 b' 表

• $\frac{b_k}{n-i}g(k-1,a,b,c,0) \to g(k,a+1,b',c,1)$ $((k,i+1) \in B$ 且这一轮恰好选 择的是这个 pair)

- $\frac{b_k}{n-i}g(k-1,a,b,c,z) o g(k,a+1,b',c,z)$ $((k,i+1)\in B$ 且这一轮没选这个 pair)
- $ullet \ (1-rac{b_k}{n-i})g(k-1,a,b,c,z)
 ightarrow g(k,a,b,c,z) \ ((k,i+1)
 otin B)$

然后最后我们 DP 完 g 之后要贡献回 f 上. 具体来说,就是枚举 k 然后将 $P(i,c,k)g_{a,b,c,i,1} \to f_{i,a-1,b\cup\{k\},c-k}.$

剩下的就是如何去实现这个代码了. 有若干细节需要注意,比如 g 直接开是开不下的 但是 c 在转移中不起到作用所以可以省去一维,等等. 最终复杂度 $O(n^5M)$,其中 M 为所有 b 的状态的可能数总和,为 $O(2^n)$. 常数比较小,但是也和具体实现有关,所以时限略开大了一些.

看上去比较复杂,但想到优化掉 B 这一维度之后,剩下的优化都是自然的. 上面只是非常细致具体地写下了应该如何做转移而已.