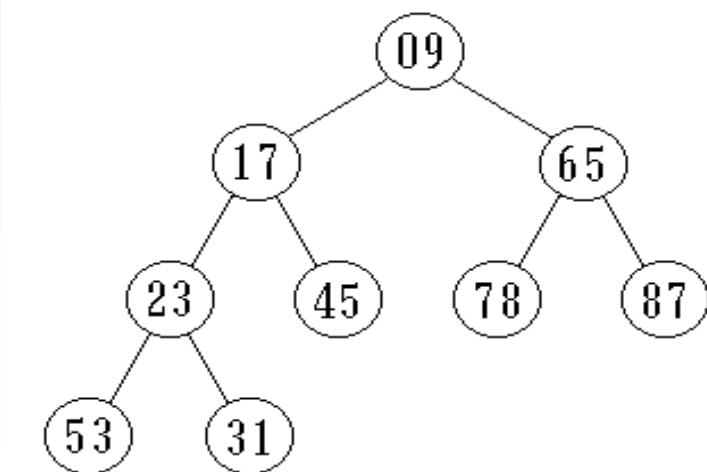


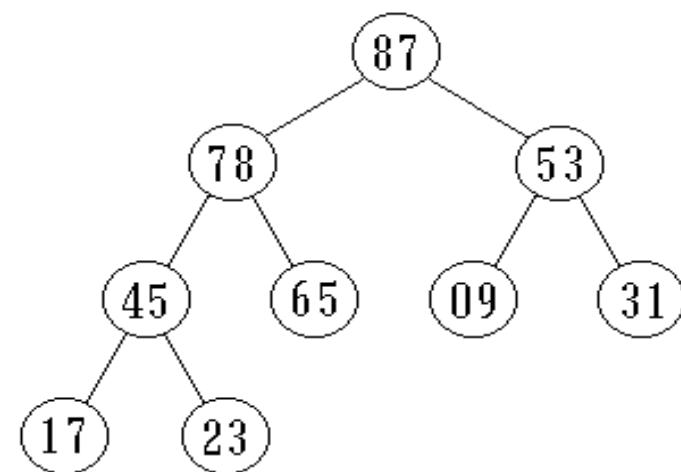
10.4 选择排序

10.4.3 堆排序(Heap Sort)

- 堆的定义：N个元素的序列(K_1, K_2, \dots, K_n)当且仅当满足关系 $K_i \leq K_{2i} \text{ && } K_i \leq K_{2i+1}$ 时，称为最小堆（小根堆）；N个元素的序列(K_1, K_2, \dots, K_n)当且仅当满足关系 $K_i \geq K_{2i} \text{ && } K_i \geq K_{2i+1}$ 时，称为最大堆（大根堆）。
- 堆与二叉树有密切的关系。

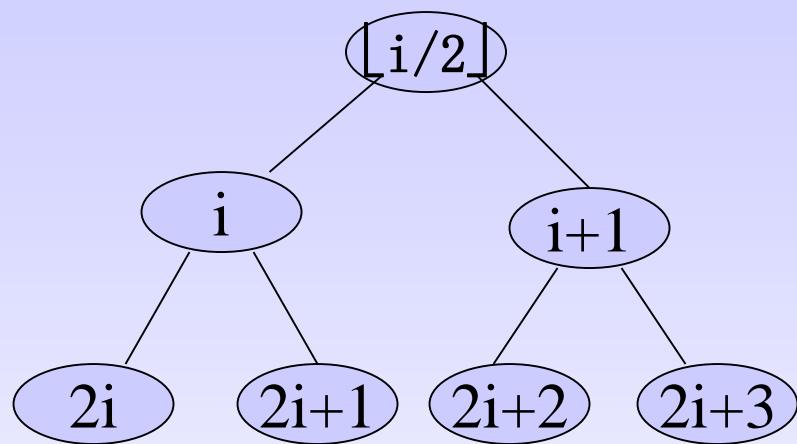
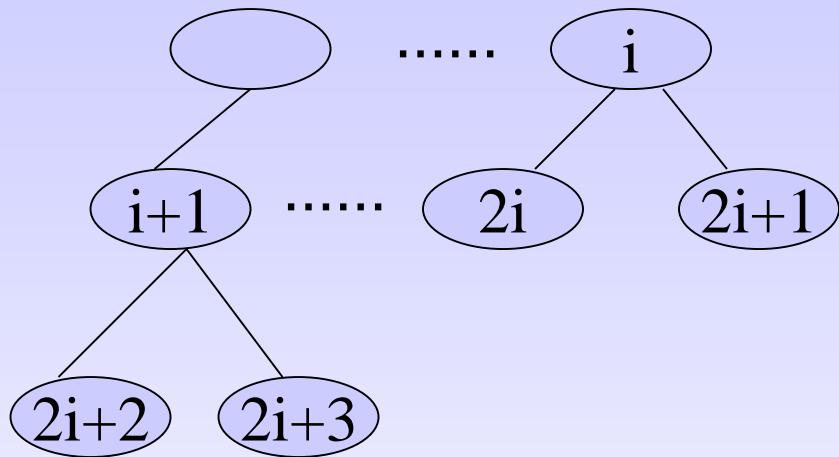


(a) 最小堆



(b) 最大堆

6.2 完全二叉树

(a) i 和 *$i+1$* 结点在同一层(b) i 和 *$i+1$* 结点不在同一层

性质5：如果对一棵有 n 个结点的完全二叉树的结点按层序编号（从上到下，从左到右），则对任一结点 i ($1 \leq i \leq n$)，有：

- (1) 如果 $i=1$ ，则结点 i 无双亲，是二叉树的根；如果 $i>1$ ，则其双亲是结点 $\lfloor i/2 \rfloor$ 。
- (2) 如果 $2i>n$ ，则结点 i 无左孩子；否则其左孩子是结点 $2i$ 。
- (3) 如果 $2i+1>n$ ，则结点 i 无右孩子；否则其右孩子是结点 $2i+1$ 。

10.4 选择排序

堆排序的第一个工作是建堆，即把整个记录数组 $r[1]$ 到 $r[n]$ 调整为一个堆。显然，只有一个结点的树是堆，而在完全二叉树中，所有序号 $i \geq \lfloor n/2 \rfloor$ 的结点都是叶子，因此以这些结点为根的子树都已是堆。这样，只需依次将序号为 $\lfloor n/2 \rfloor$, $\lfloor n/2 \rfloor - 1, \dots, 1$ 的结点作为根的子树都调整为堆即可。

设序列 $r[s..m]$ 中除第一个元素 $r[s]$ 外均满足堆定义，函数 **HeapAdujst(r, s, m)** 将 $r[s..m]$ 调整为大顶堆。则上述过程可以表示为： **for(i=n/2; i>0; i--) HeapAdjust(r, i, n);**

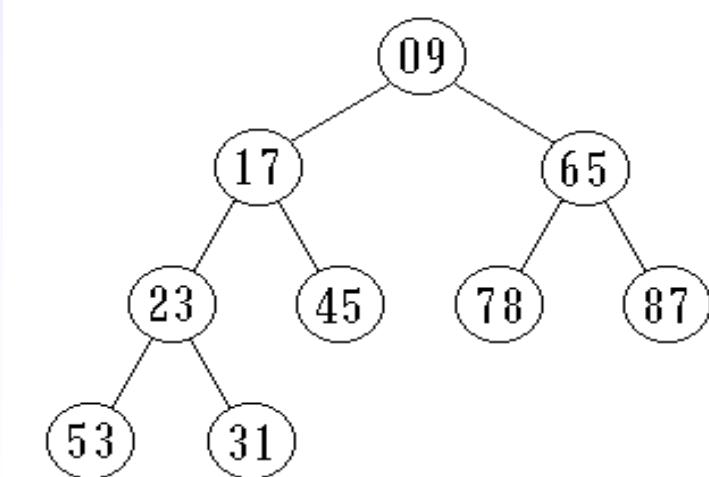
void HeapAdujst(SqList &H, int s, int m)

//已知H.r[s..m]中除H.r[s]外均满足堆定义，本函数将
H.r[s..m] 调整为大顶堆.

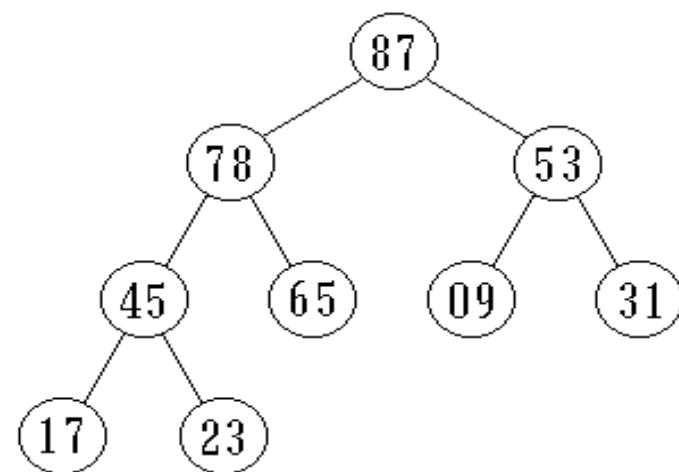
10.4 选择排序

10.4.3 堆排序(Heap Sort)

- 堆的定义：N个元素的序列(K_1, K_2, \dots, K_n)当且仅当满足关系 $K_i \leq K_{2i} \text{ && } K_i \leq K_{2i+1}$ 时，称为最小堆（小根堆）；N个元素的序列(K_1, K_2, \dots, K_n)当且仅当满足关系 $K_i \geq K_{2i} \text{ && } K_i \geq K_{2i+1}$ 时，称为最大堆（大根堆）。
- 堆与二叉树有密切的关系。



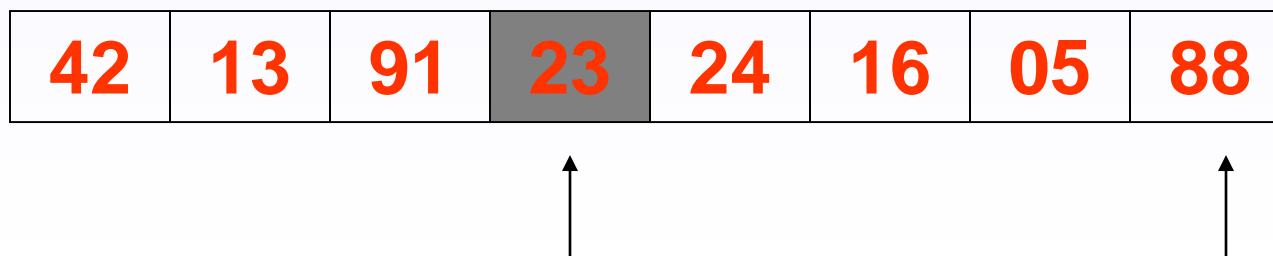
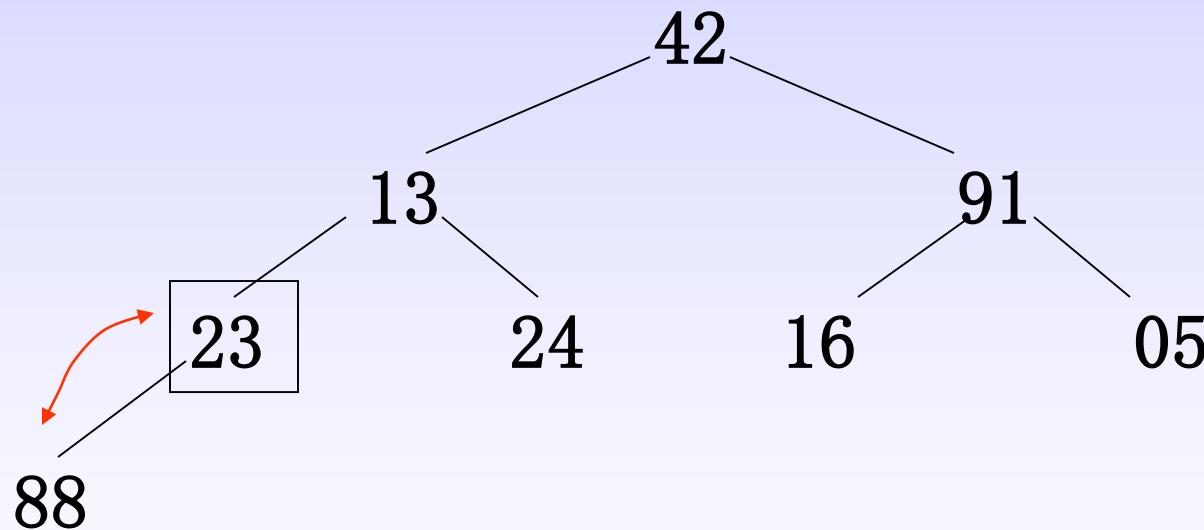
(a) 最小堆



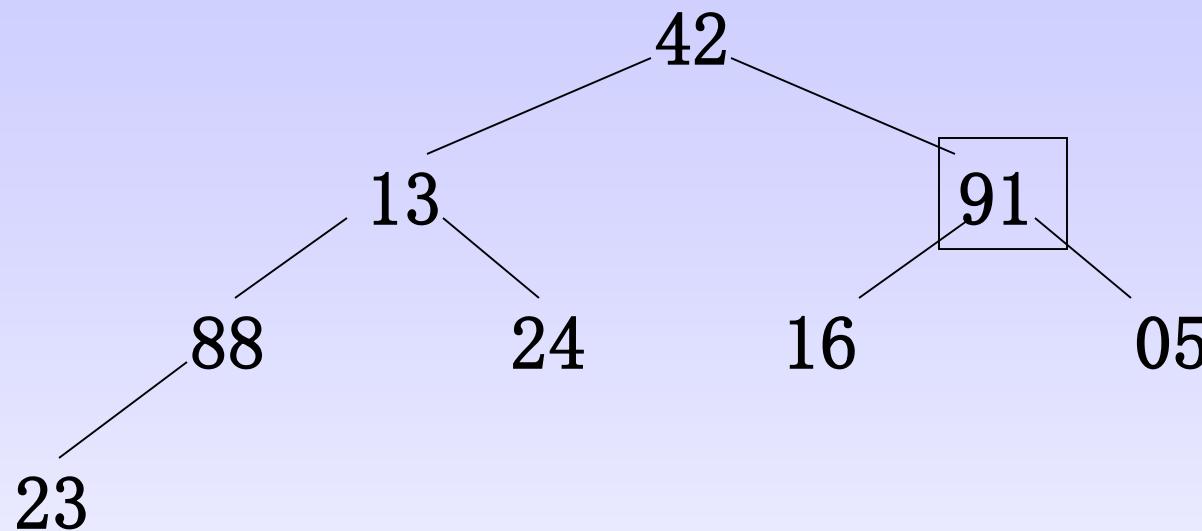
(b) 最大堆

10.4 选择排序

例子：关键字序列为 42, 13, 91, 23, 24, 16, 05, 88, $n=8$, 故从第四个结点开始调整



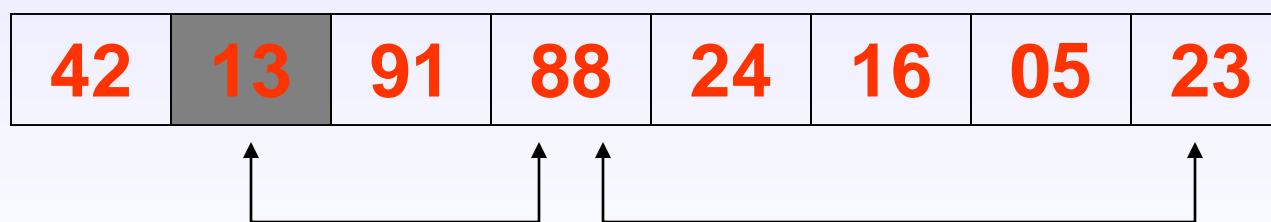
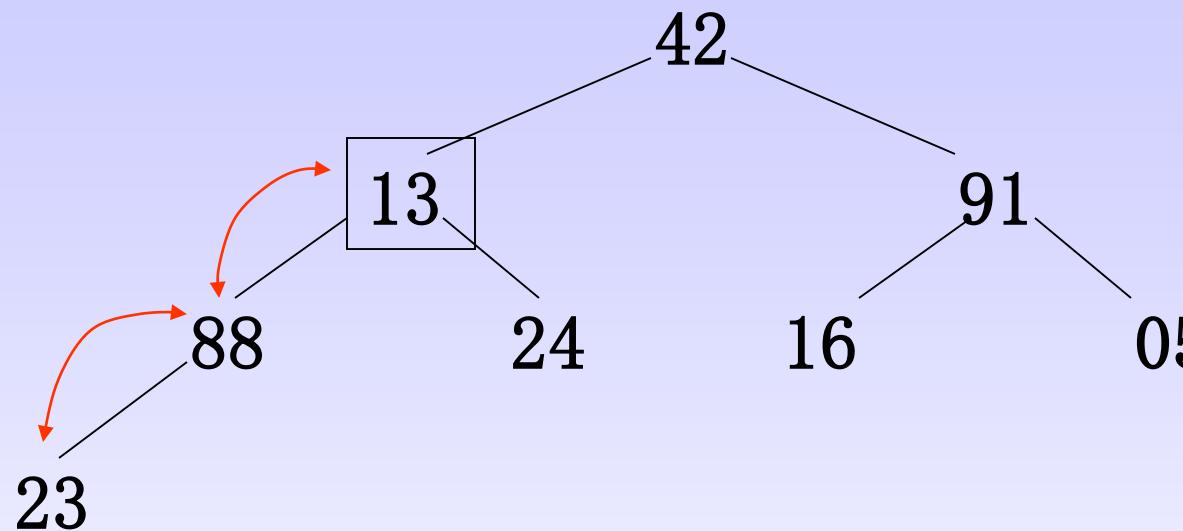
10.4 选择排序



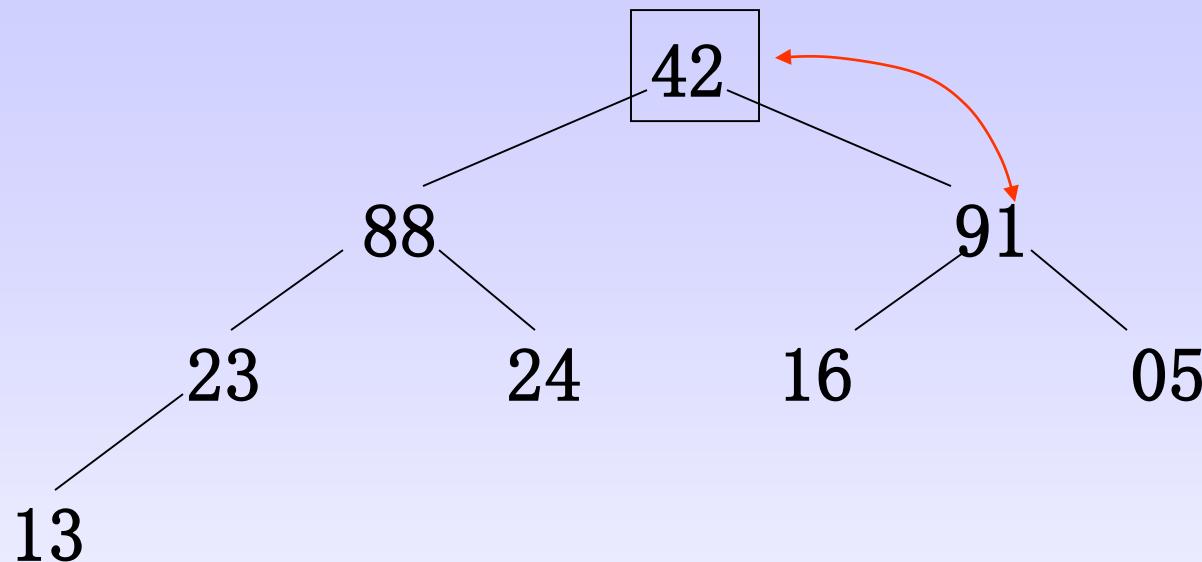
42	13	91	88	24	16	05	23
----	----	----	----	----	----	----	----

不调整

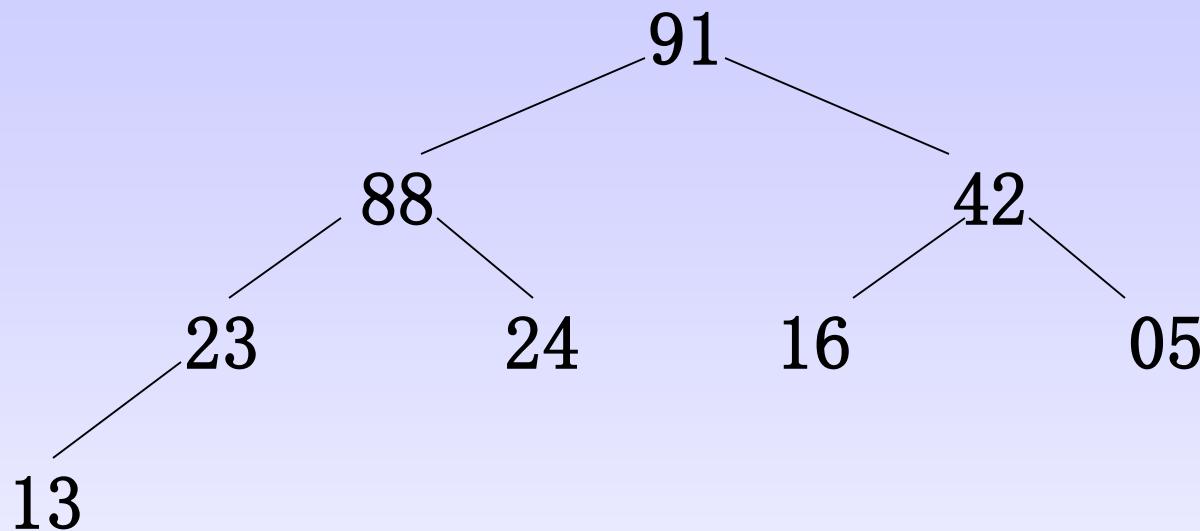
10.4 选择排序



10.4 选择排序



10.4 选择排序



91	88	42	23	24	16	05	13
----	----	----	----	----	----	----	----

建成的堆

10.4 选择排序

```
void HeapAdujst(SqList &H, int s, int m)
```

{ //已知H.r[s..m]中除H.r[s]外均满足堆定义, 本函数将H.r[s..m]调整为大顶堆.

```
rc=H.r[s];
```

```
for(j=2*s; j<=m; j*=2) //沿key较大的子结点向下筛选
```

```
{ if(j<m && H.r[j].key<=H.r[j+1].key)
```

```
    j++; //j为key较大的记录的下标
```

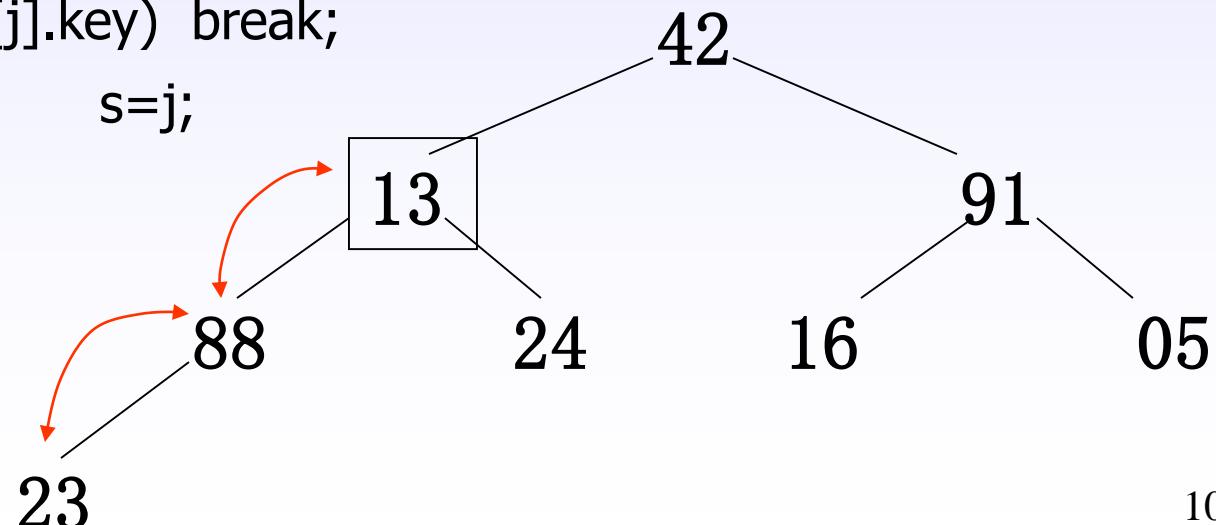
```
    if(rc.key>=H.r[j].key) break;
```

```
    H.r[s]=H.r[j]; s=j;
```

```
}
```

```
H.r[s]=rc;
```

```
}
```

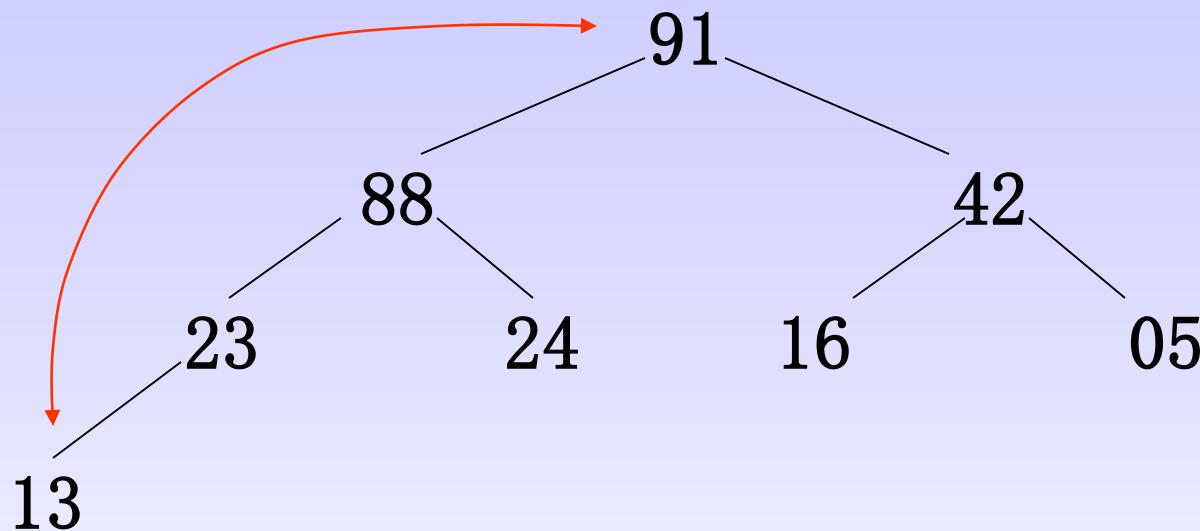


10.4 选择排序

基于最大堆的堆排序

- 堆排序分为两个步骤：第一步，根据初始输入数据，利用堆的调整算法建立初始堆，第二步，通过一系列的元素交换和重新调整堆进行排序。
- 最大堆的第一个元素 $r[1]$ 具有最大的关键字，将 $r[1]$ 与 $r[n]$ 对调，把具有最大关键字的元素交换到最后，再对前面的 $n-1$ 个元素，使用堆的调整算法*HeapAdjust(r, 1, n-1)*，重新建立最大堆。结果具有次最大关键字的元素又上浮到堆顶，即 $r[1]$ 位置。再对调 $r[1]$ 和 $r[n-1]$ ，调用*HeapAdjust(r, 1, n-2)*，对前 $n-2$ 个元素重新调整，....
- 如此反复执行，最后得到全部排序好的元素序列。这个算法即堆排序算法，其细节在下面的程序中给出。

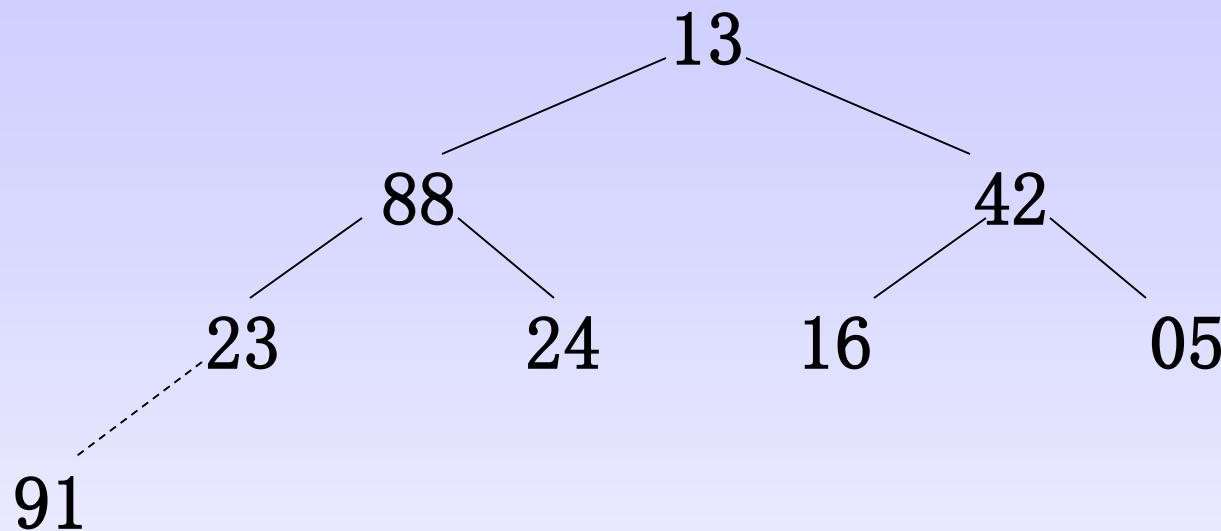
10.4 选择排序



91	88	42	23	24	16	05	13
----	----	----	----	----	----	----	----

(1) 初始堆R[1]到R[8]

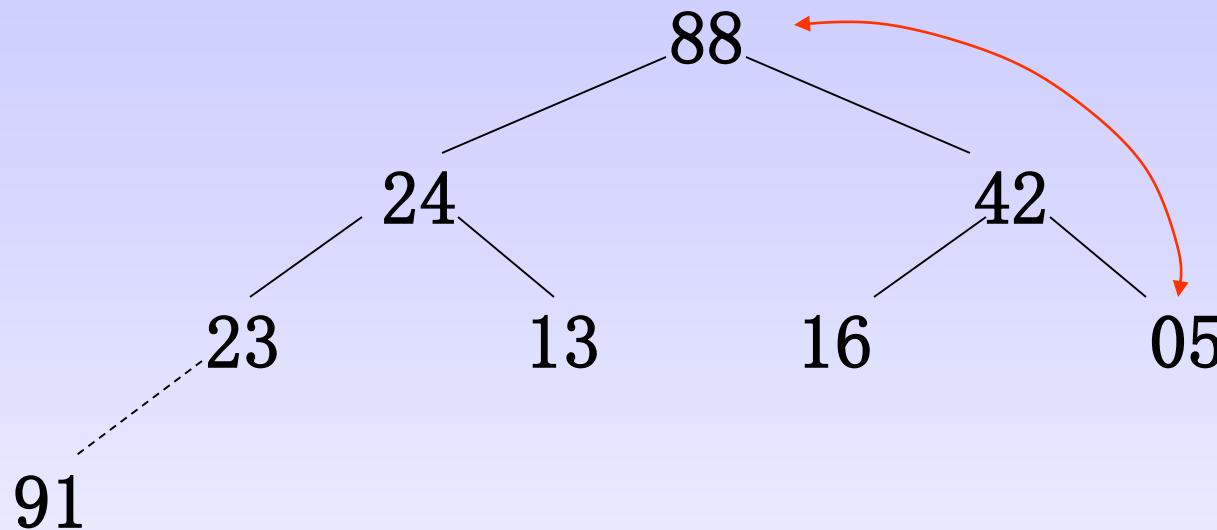
10.4 选择排序



13	88	42	23	24	16	05	91
----	----	----	----	----	----	----	----

(2) 第一趟排序之后

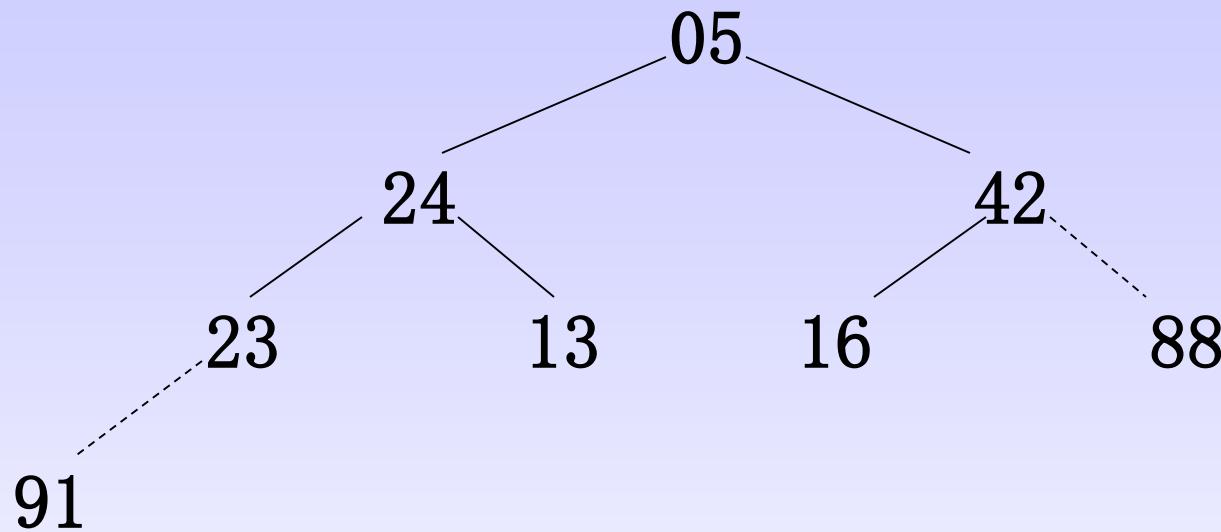
10.4 选择排序



88	24	42	23	13	16	05	91
----	----	----	----	----	----	----	----

(3) 重建的堆R[1]到R[7]

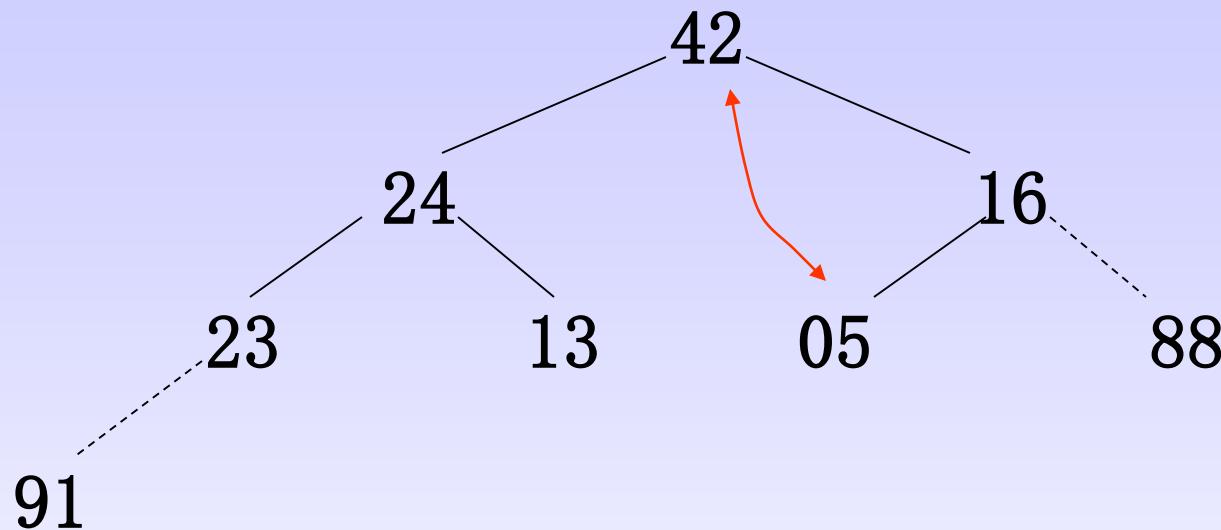
10.4 选择排序



05	24	42	23	13	16	88	91
----	----	----	----	----	----	----	----

(4) 第二趟排序之后

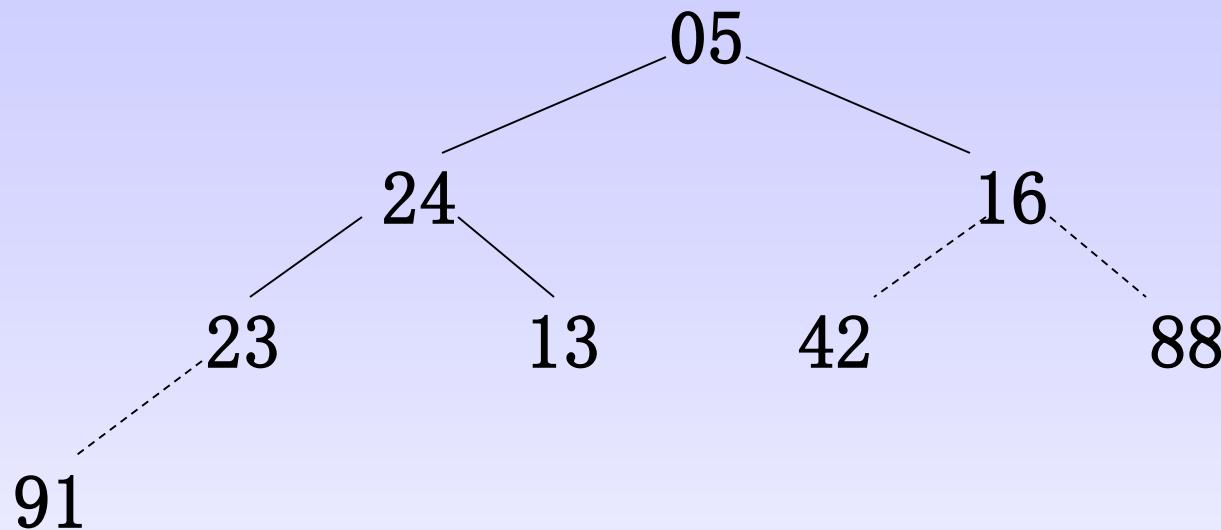
10.4 选择排序



42	24	16	23	13	05	88	91
----	----	----	----	----	----	----	----

(5) 重建的堆R[1]到R[6]

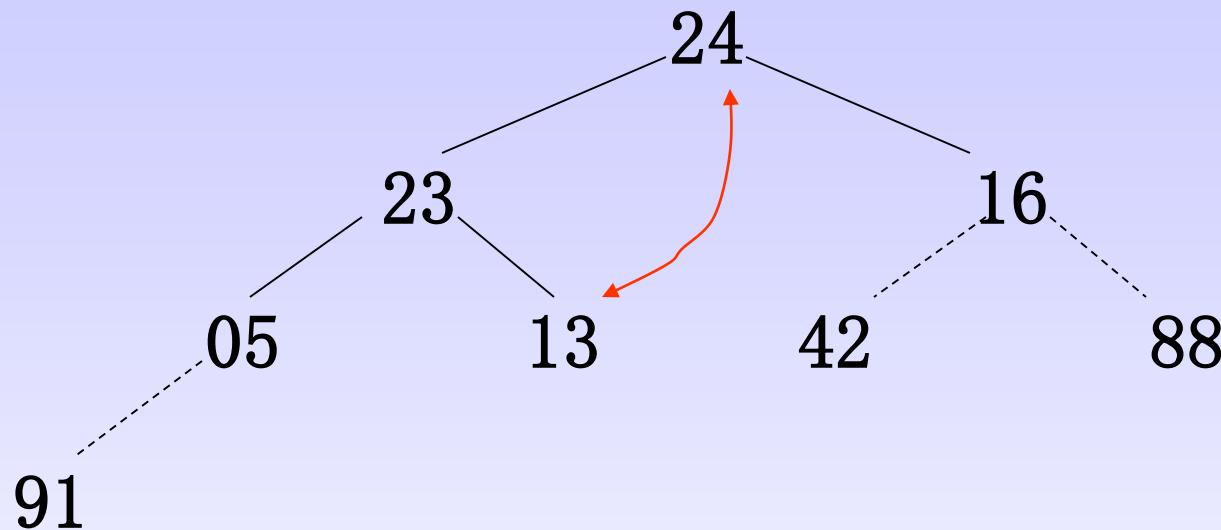
10.4 选择排序



05	24	16	23	13	42	88	91
----	----	----	----	----	----	----	----

(6) 第三趟排序之后

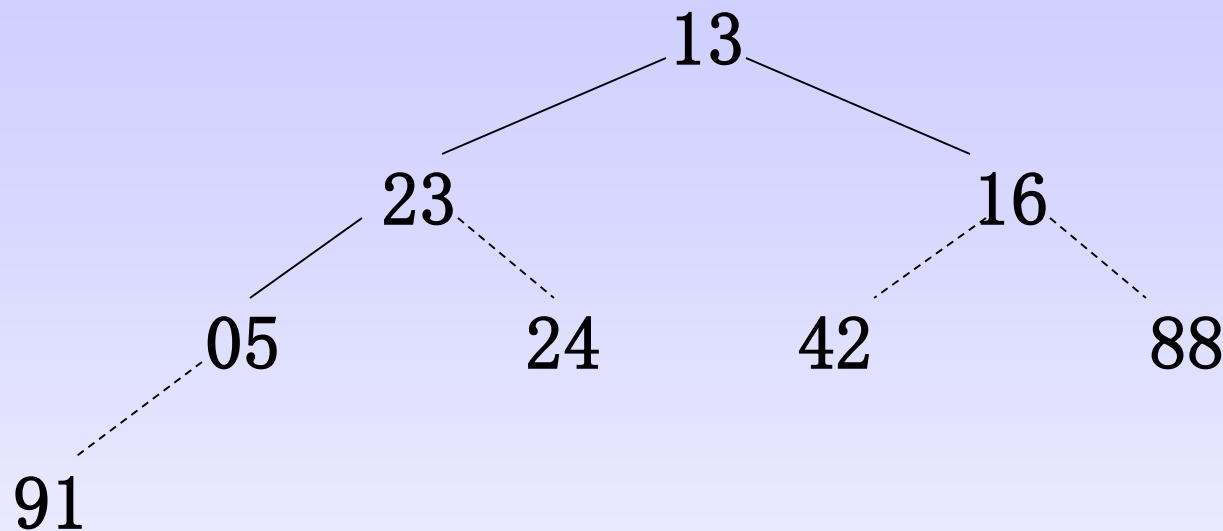
10.4 选择排序



24	23	16	05	13	42	88	91
----	----	----	----	----	----	----	----

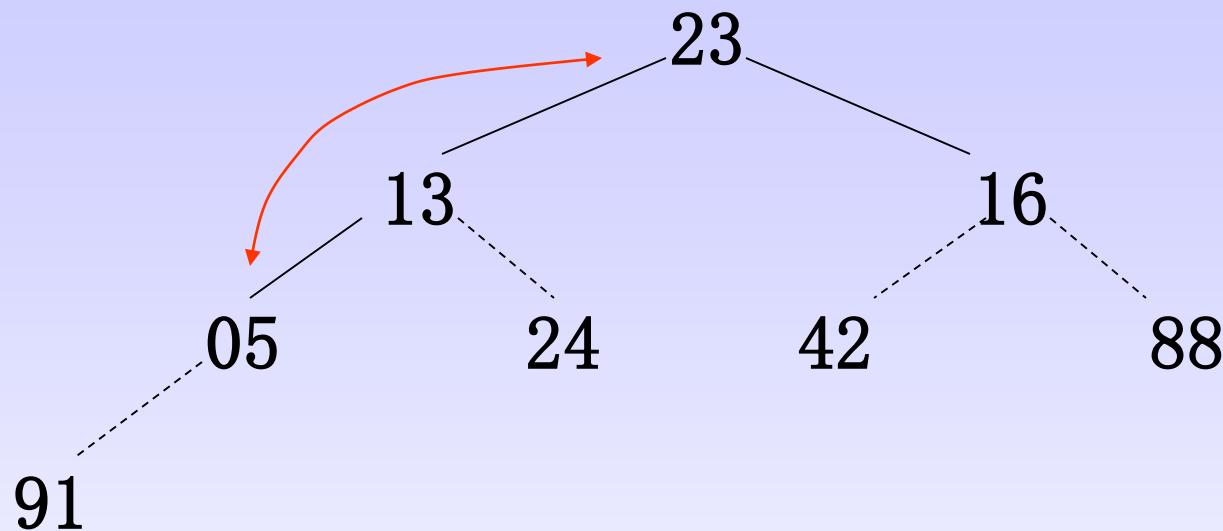
(7) 重建的堆R[1]到R[5]

10.4 选择排序



(8) 第四趟排序之后

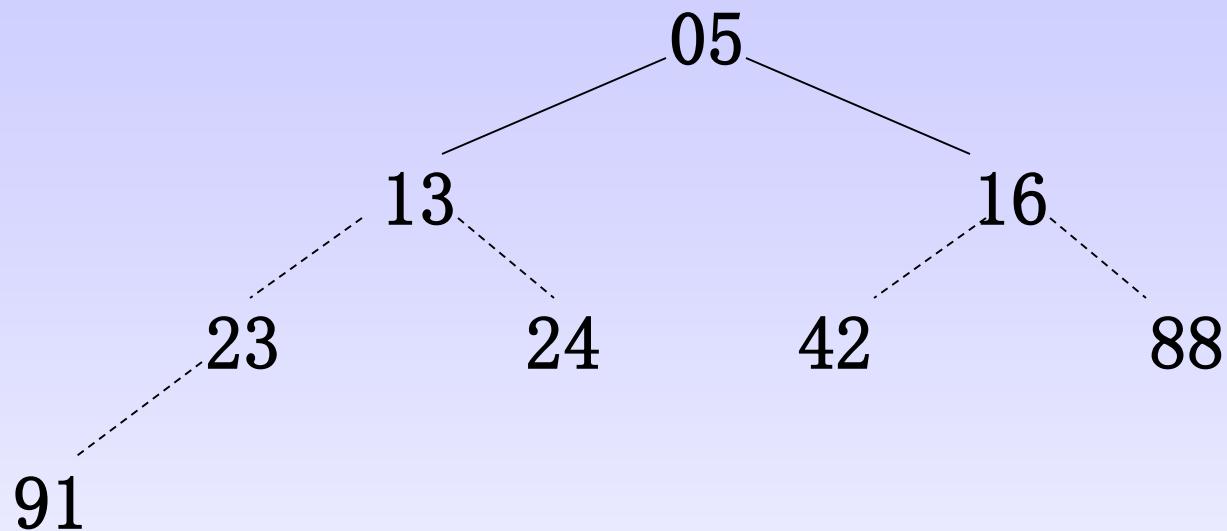
10.4 选择排序



23	13	16	05	24	42	88	91
----	----	----	----	----	----	----	----

(9) 重建的堆R[1]到R[4]

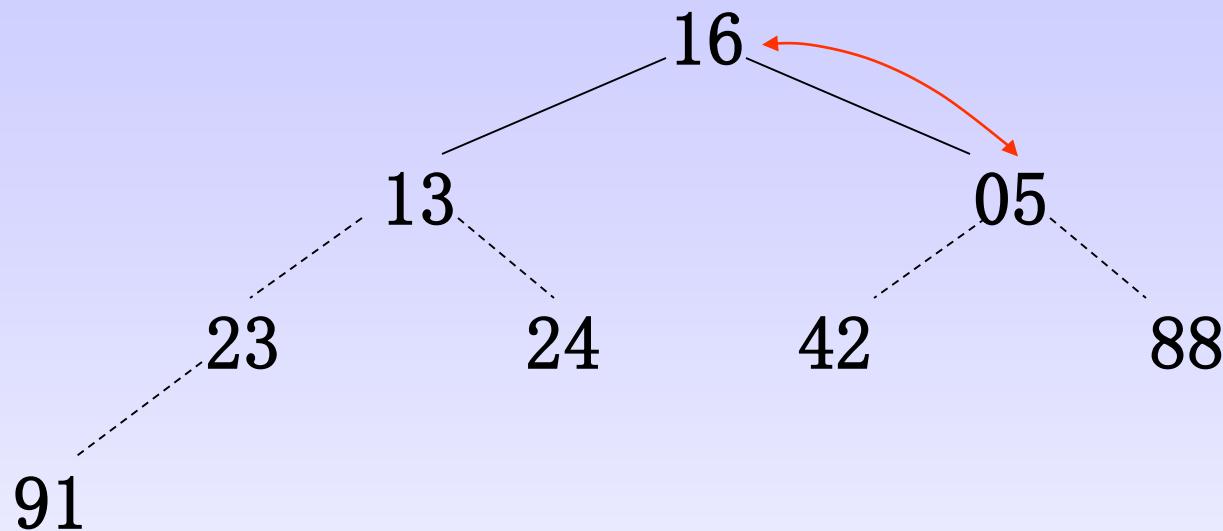
10.4 选择排序



05	13	16	23	24	42	88	91
----	----	----	----	----	----	----	----

(10) 第五趟排序之后

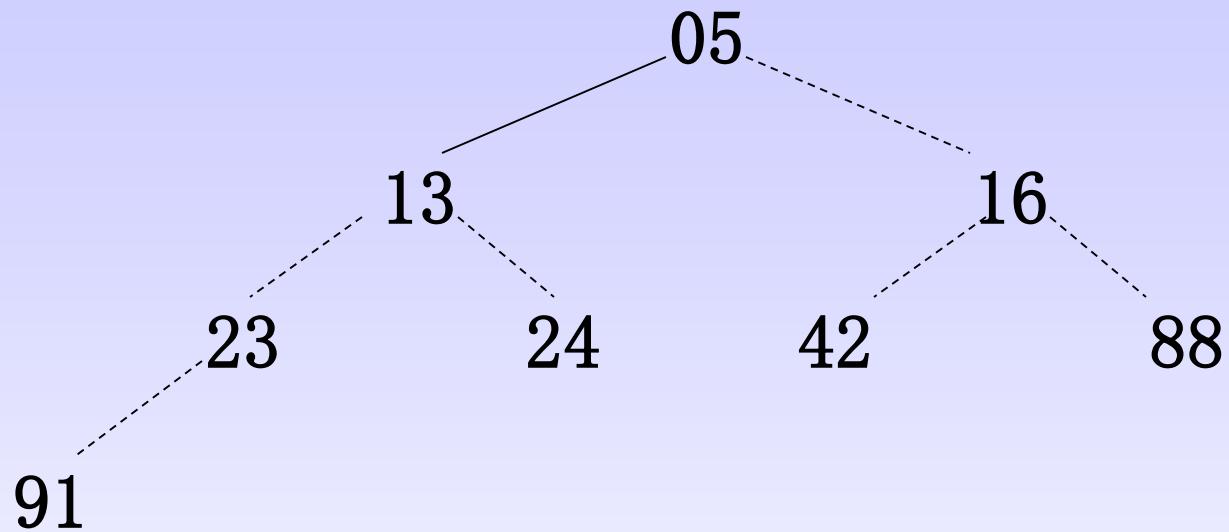
10.4 选择排序



16	13	05	23	24	42	88	91
----	----	----	----	----	----	----	----

(11) 重建的堆R[1]到R[3]

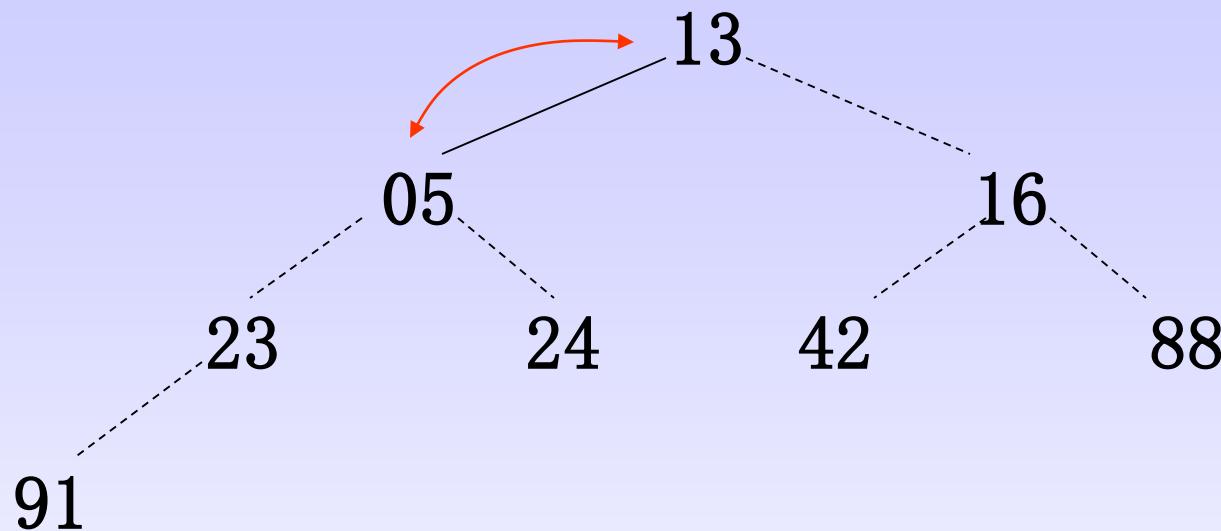
10.4 选择排序



05	13	16	23	24	42	88	91
----	----	----	----	----	----	----	----

(12) 第六趟排序之后

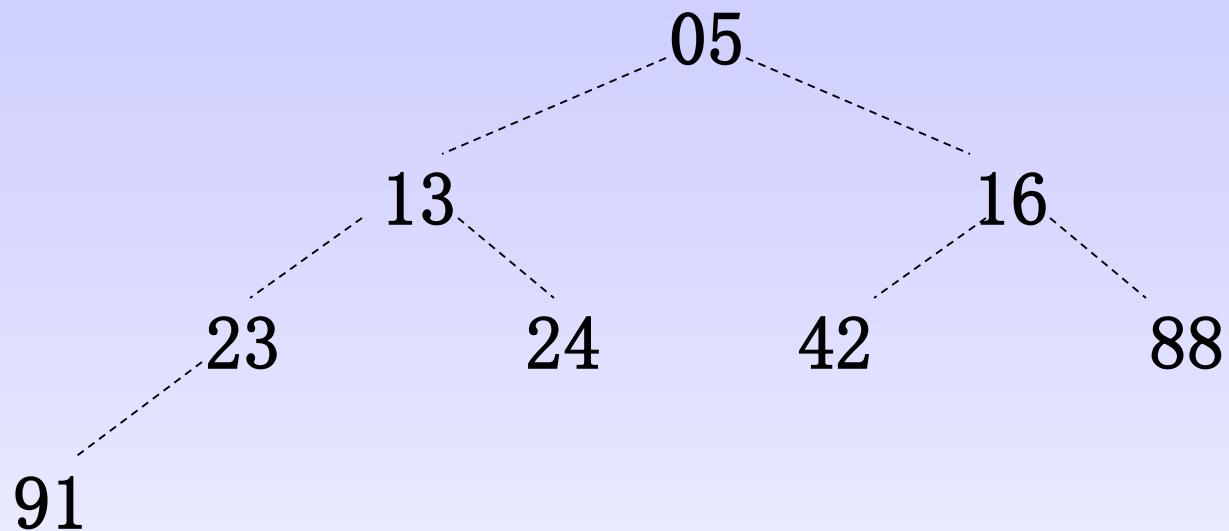
10.4 选择排序



13	05	16	23	24	42	88	91
----	----	----	----	----	----	----	----

(13) 重建的堆R[1]到R[2]

10.4 选择排序



05	13	16	23	24	42	88	91
----	----	----	----	----	----	----	----

(14) 第七趟排序之后

10.4 选择排序

堆排序的算法

```
void HeapSort( SqList &H )  
{  for( i=H.length/2; i>0; i--)  
    HeapAdjust( H, i, H.length ); //把H.r[1..H.length]建成最大堆  
  for( i=H.length; i>1; i--)  
  {   H.r[1]<->H.r[i];           //堆顶记录交换到H.r[1..i]的最后  
    HeapAdjust( H, 1, i-1 ); //把H.r[1..i-1]建成最大堆  
  }  
}
```

10.4 选择排序

算法分析

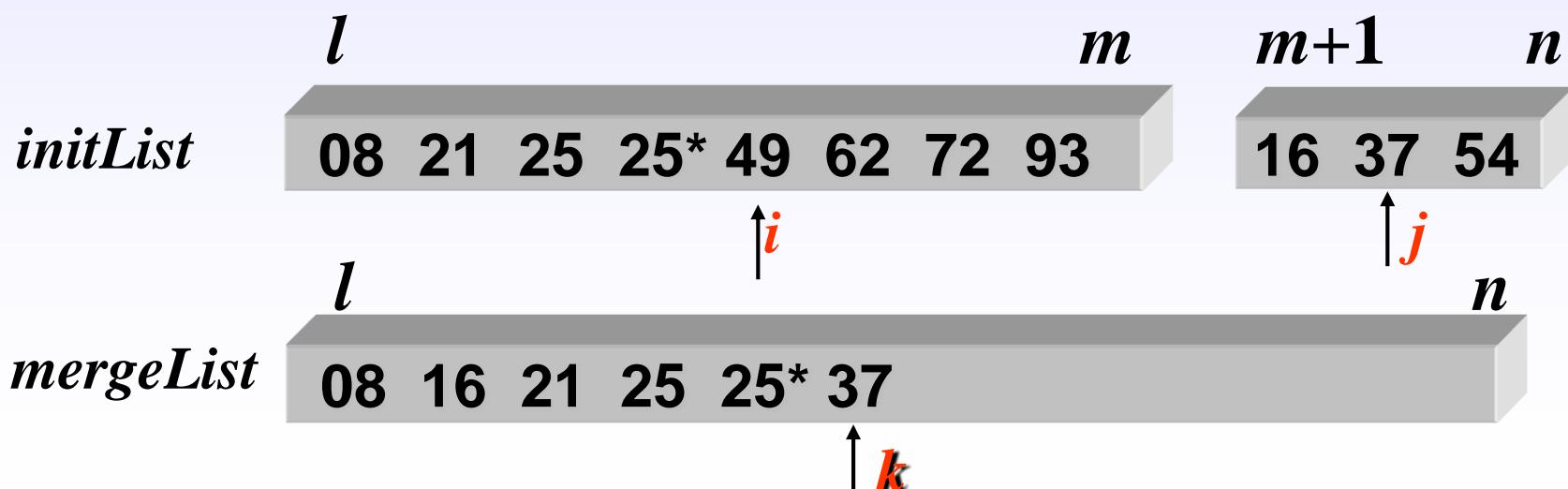
- 堆排序的时间复杂性为 $O(n \log_2 n)$ 。
- 该算法的附加存储主要是在第二个for循环中用来执行元素交换时所用的一个临时元素。因此，该算法的空间复杂性为 $O(1)$ 。
- 堆排序是一个不稳定的排序方法。

10.5 归并排序

- 归并，是将两个或两个以上的有序表合并成一个新的有序表。
- 元素序列 *initList* 中有两个有序表 $V[l] \dots V[m]$ 和 $V[m+1] \dots V[n]$ 。它们可归并成一个有序表，存于另一元素序列 *mergedList* 的 $V[l] \dots V[n]$ 中。这种归并方法称为**两路归并** (2-way merging)。

10.5 归并排序

- 归并的基本思想是：设有序表A和B分别表示 $V[l] \dots V[m]$ 和 $V[m+1] \dots V[n]$ ，变量 i 和 j 分别是表A和表B的当前检测指针。设表C是归并后的新有序表，变量 k 是它的当前存放指针。
 - 当 i 和 j 都在两个表的表长内变化时，根据A[i]与B[j]的关键字的大小，依次把关键字小的元素排放到新表C[k]中；
 - 当 i 与 j 中有一个已经超出表长时，将另一个表中的剩余部分照抄到新表C[k]中

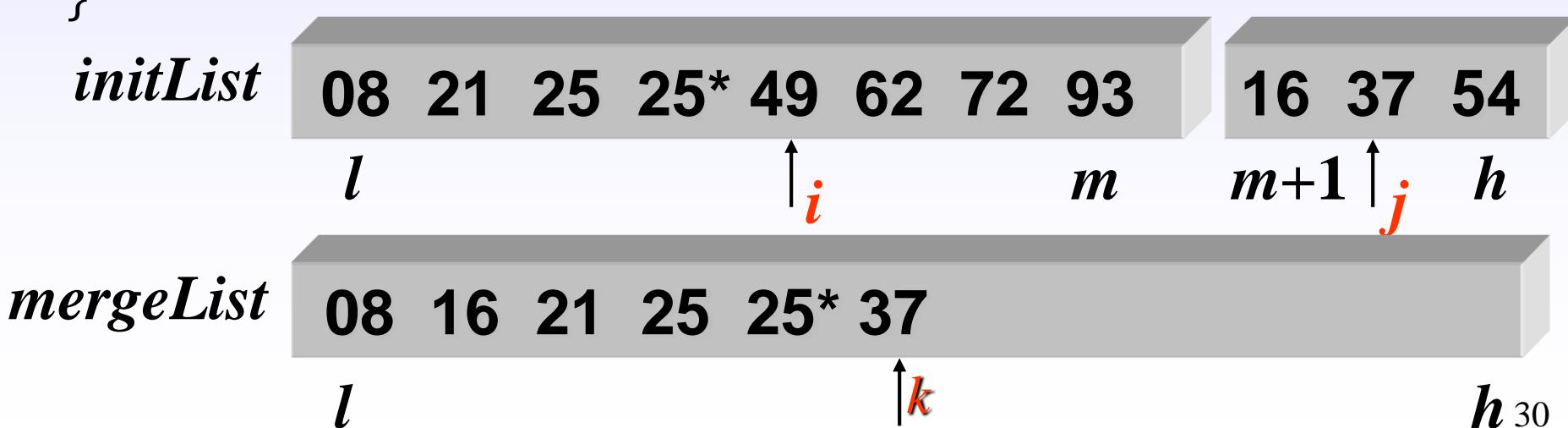


10.5 归并排序

```

void Merge(ElemType initList[], ElemenType mergedList[], int l, int m, int h)
{ i = l; j = m+1; k = l;
  while ( i <= m && j <= h ) //两两比较
    if(initList[i].key<=initList[j].key ) mergedList[k++] = initList[i++];
    else mergedList[k++] = initList[j++];
  while( i<= m ) mergedList[k++] = initList[i++];
  while( j<= h ) mergedList[k++] = initList[j++];
}

```

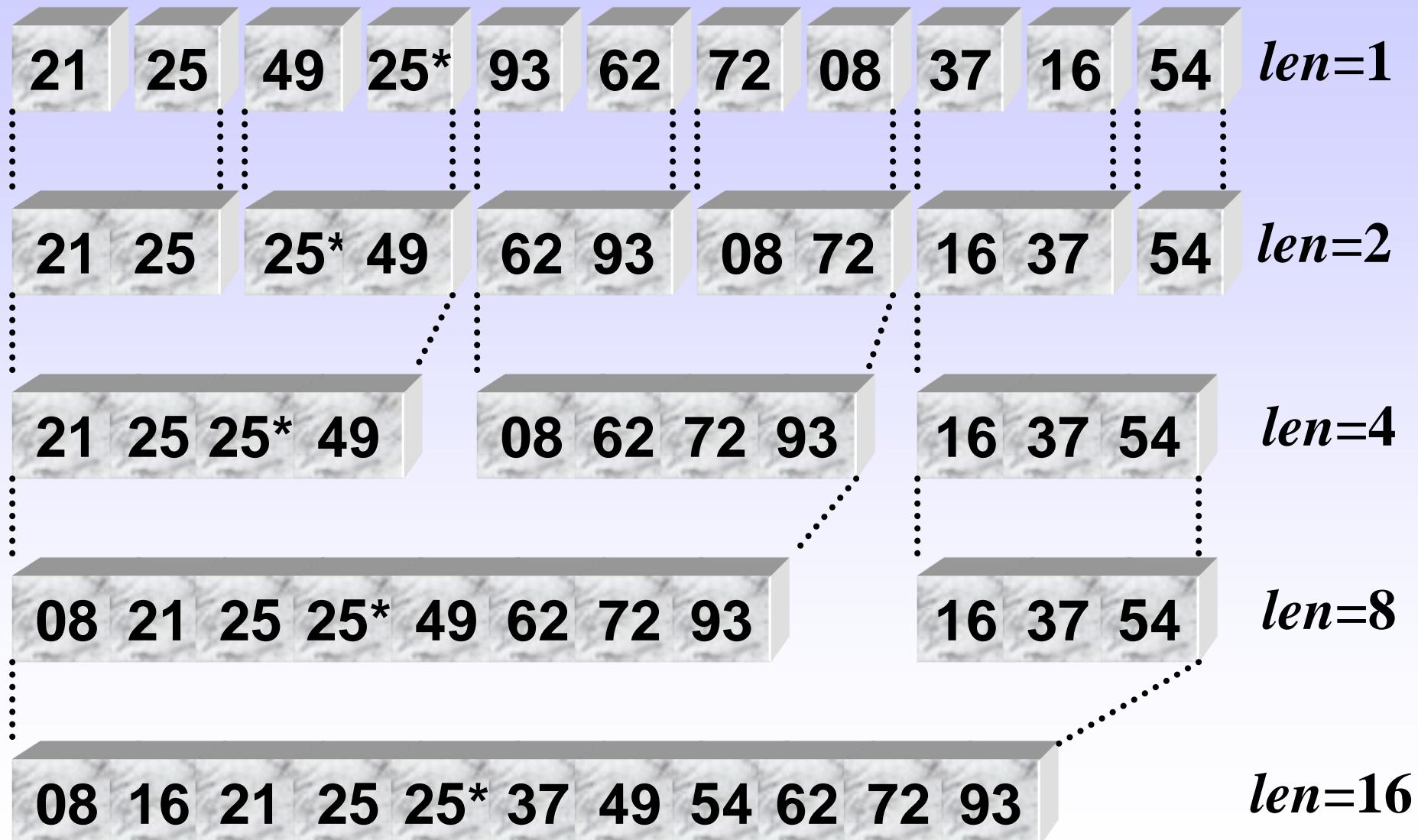


10.5 归并排序

迭代的归并排序算法

- 迭代的归并排序算法就是利用两路归并过程进行排序的。其基本思想是：设初始元素序列有 n 个元素，首先把它看成是 n 个长度为 1 的有序子序列（归并项），先做两两归并，得到 $\lceil n / 2 \rceil$ 个长度为 2 的归并项（如果 n 为奇数，则最后一个有序子序列的长度为 1）；再做两两归并，...，如此重复，最后得到一个长度为 n 的有序序列。

10.5 归并排序



10.5 归并排序

一趟归并排序的情形

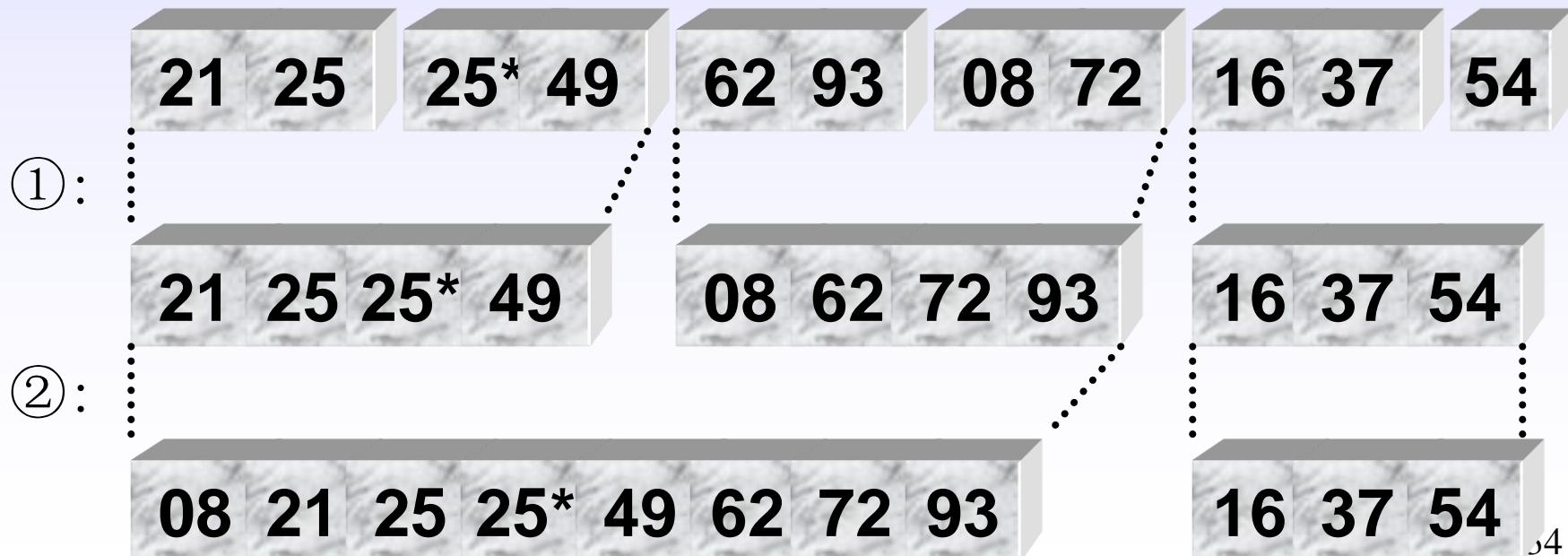
- 设 $initList.r[1..n]$ 中的 n 个元素已经分为一些长度为 len 的归并项，将其两两归并成一些长度为 $2len$ 的归并项，放到 $mergedList.r [1..n]$ 中。
- 如果 n 不是 $2len$ 的整数倍，则一趟归并到最后，可能遇到两种情形：
 - 剩下 1 个长度为 len 的归并项和 1 个长度不足 len 的归并项，可用一次 $merge$ 算法，将它们归并成一个长度小于 $2len$ 的归并项。
 - 只剩下 1 个归并项，其长度小于或等于 len ，可将它直接抄到数组 $mergedList.r [1..n]$ 中。

10.5 归并排序

```

void MSort(ElemType initList[], ElemType mergedList[], int len, int n )
{
    for( i=1; i <= n-2*len+1; i+=2*len )           //两两归并
        Merge(initList, mergedList, i, i+len-1, i+2*len-1);
    if( i<n-len+1 ) Merge(initList, mergedList, i, i+len-1, n); //①
    else while( i<= n ) mergedList[i] = initList[i++];          //②
}

```



10.5 归并排序

(两路)归并排序的主算法

```
void MergeSort ( SqList &L )
{
    //按元素关键字非递减的顺序对表L中元素排序
    ELEM_TYPE *L1;          //辅助数组
    L1=(ELEM_TYPE *)malloc((L.length+1)*sizeof(ELEM_TYPE));
    len = 1;
    while ( len < L.length )
    {
        MSort ( L.r, L1, len, L.length );
        len *= 2;
        MSort ( L1, L.r, len, L.length );
        len *= 2;
    }
    free(L1);
}
```

10.5 归并排序

算法分析

- 在迭代的归并排序算法中，函数 $\text{MergeSort}()$ 调用 $\text{MSort}()$ 正好 $\lceil \log_2 n \rceil = O(\log_2 n)$ 次，函数 $\text{MSort}()$ 做一趟两路归并排序，要调用 $\text{Merge}()$ 函数 $\lceil n/(2*len) \rceil = O(n/len)$ 次，而每次 $\text{Merge}()$ 要执行比较 $O(len)$ 次，所以算法总的时间复杂度为 $O(n \log_2 n)$ 。
- 归并排序占用附加存储较多，需要另外一个与原待排序元素数组同样大小的辅助数组。这是这个算法的缺点。
- 归并排序是一个稳定的排序方法。

10.6 基数排序

10.6.1 多关键字排序

- 以扑克牌排序为例。每张扑克牌有两个“关键字”：花色和面值。其有序关系为：
 - 花色： ♣ < ♦ < ♥ < ♠
 - 面值： 2 < 3 < 4 < 5 < 6 < 7 < 8 < 9 < 10 < J < Q < K < A
- 如果把所有扑克牌排成以下次序： ♣2, ..., ♣A, ♦2, ..., ♦A, ♥2, ..., ♥A, ♠2, ..., ♠A，这就是**多关键字排序**。
- 对于上例两关键字的排序，可以先按花色排序，之后再按面值排序；也可以先按面值排序，再按花色排序。

10.6 基数排序

- 假定有一个 n 个元素的序列 $\{V_0, V_1, \dots, V_{n-1}\}$, 且每个元素 V_i 中含有 d 个关键字: $(K_i^1, K_i^2, \dots, K_i^d)$
- 如果对于序列中任意两个元素 V_i 和 V_j ($0 \leq i < j \leq n-1$) 都满足: $(K_i^1, K_i^2, \dots, K_i^d) < (K_j^1, K_j^2, \dots, K_j^d)$
- 则称序列对关键字 (K^1, K^2, \dots, K^d) 有序。其中, K^1 称为最高位关键字, K^d 称为最低位关键字。
- 基数排序是借助多关键字排序思想对单关键字进行排序的方法。

10.6 基数排序

(1) 最高位优先法MSD (Most Significant Digit first)通常是一个递归的过程：

- 先根据最高位关键字 K^1 排序, 得到若干元素组, 元素组中每个元素都有相同关键字 K^1 。
- 再分别对每组中元素根据关键字 K^2 进行排序, 按 K^2 值的不同, 再分成若干个更小的子组, 每个子组中的元素具有相同的 K^1 和 K^2 值。
- 依此重复, 直到对关键字 K^d 完成排序为止。
- 最后, 把所有子组中的元素依次连接起来, 就得到一个有序的元素序列。

10.6 基数排序

(2) 最低位优先法LSD (Least Significant Digit first):

- 首先依据最低位关键字 K^d 对所有元素进行一趟排序
- 再依据次低位关键字 K^{d-1} 对上一趟排序的结果再排序
- 依次重复，直到依据关键字 K^1 最后一趟排序完成，就可以得到一个有序的序列。
- 使用这种排序方法对每一个关键字进行排序时，不需要再分组，而是整个元素组都参加排序。

10.6 基数排序

例如：学生记录含三个关键字：系别、班号和班内的序列号，其中以系别为最主位关键字。

LSD的排序过程如下：

无序序列	3,2,30	1,2,15	3,1,20	2,3,18	2,1,20
对K ² 排序	1,2, 15	2,3,18	3,1,20	2,1,20	3,2,30
对K ¹ 排序	3,1,20	2,1,20	1,2,15	3,2,30	2,3,18
对K ⁰ 排序	1,2,15	2,1,20	2,3,18	3,1,20	3,2,30

10.6 基数排序

10.6.2 链式基数排序

- 基数排序是典型的LSD排序方法，利用“分配”和“收集”两种运算对单关键字进行排序。在这种方法中，**单关键字** K_i 看成是一个**d元组**: $(K_i^1, K_i^2, \dots, K_i^d)$
- 其中的每一个分量 K_i^j ($1 \leq j \leq d$) 看成是一个关键字。
- 分量 K_i^j ($1 \leq j \leq d$) 有 $radix$ 种取值，则称 $radix$ 为基数。例如，关键字 984 可以看成是一个 3 元组 (9, 8, 4)，每一位有 0, 1, ..., 9 等 10 种取值，基数 $radix = 10$ 。关键字 ‘data’ 可以看成是一个 4 元组 (d, a, t, a)，每一位有 ‘a’, ‘b’, ..., ‘z’ 等 26 种取值， $radix = 26$ 。

10.6 基数排序

- 针对 d 元组中的每一位分量，把元素序列中的所有元素，按 K_i^j 的取值，先“分配”到 $radix$ 个队列中去。然后再按各队列的顺序，依次把元素从队列中“收集”起来，这样所有元素按取值 K_i^j 排序完成。
- 如果对于所有元素的关键字 K_0, K_1, \dots, K_{n-1} ，依次对各位的分量，让 $j = d, d-1, \dots, 1$ ，分别用这种“分配”、“收集”的运算逐趟进行排序，在最后一趟“分配”、“收集”完成后，所有元素就按其关键字的值从小到大排好序了。

10.6 基数排序

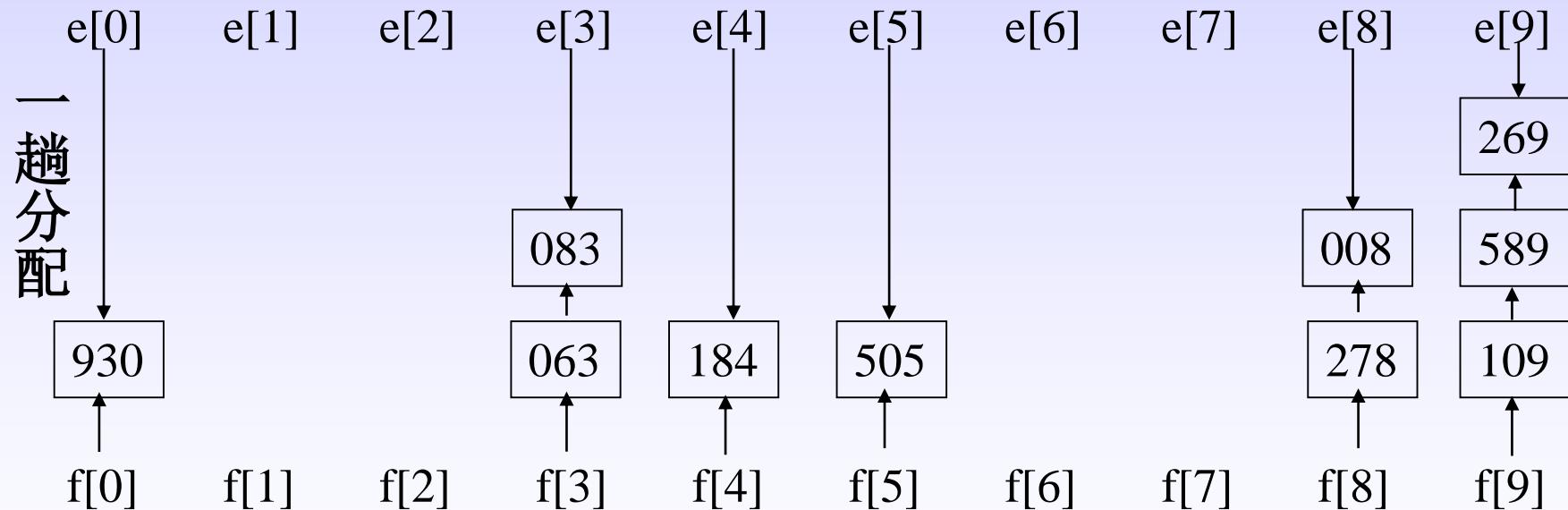
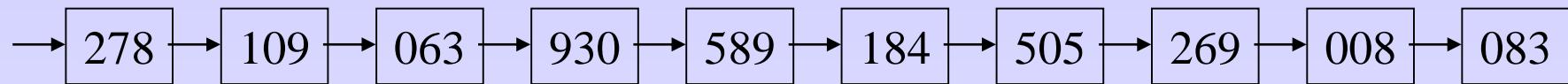
例如：对如下的一组关键字

{278,109,063,930,589,184,505,269,008,083 }

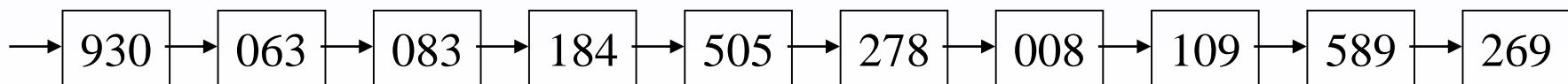
- 首先按其“个位数”取值分别为 0, 1, ..., 9“分配”成 10 组，之后按从 0 至 9 的顺序将它们“收集”在一起；
- 然后按其“十位数”取值分别为 0, 1, ..., 9“分配”成 10 组，之后再按从 0 至 9 的顺序将它们“收集”在一起；
- 最后按其“百位数”重复一遍上述操作。

10.6 基数排序

例 初始状态：

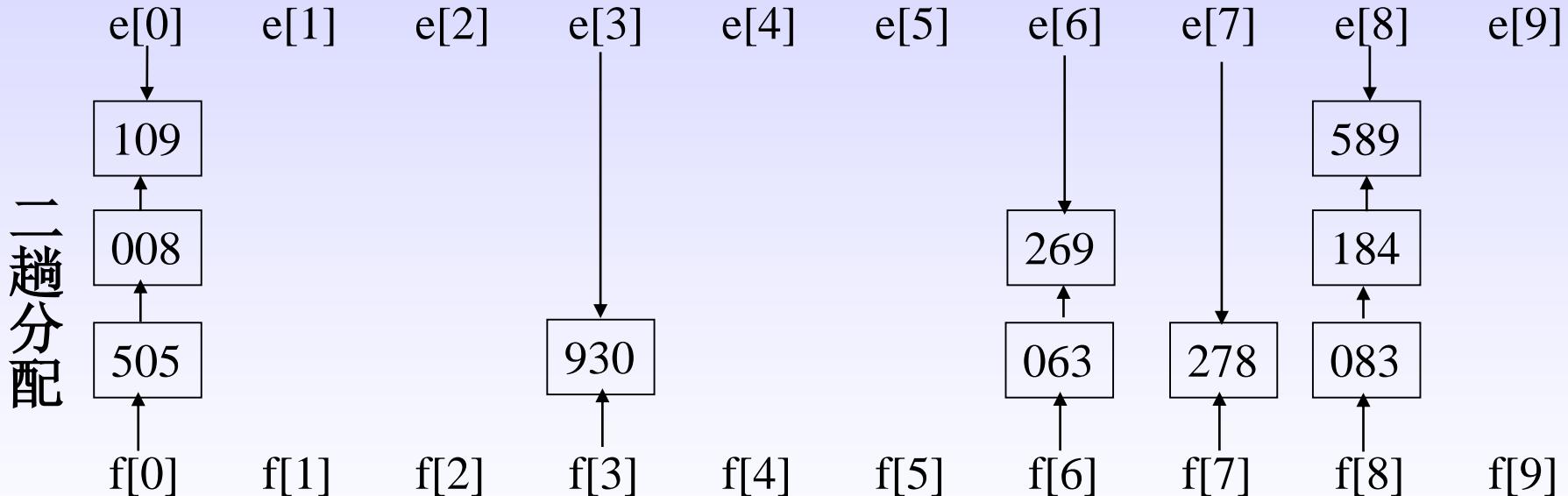
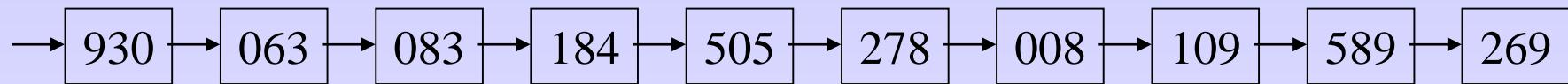


一趨收集 (Collection of one pass):

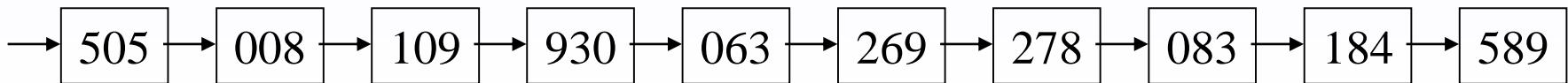


10.6 基数排序

一趟收集:

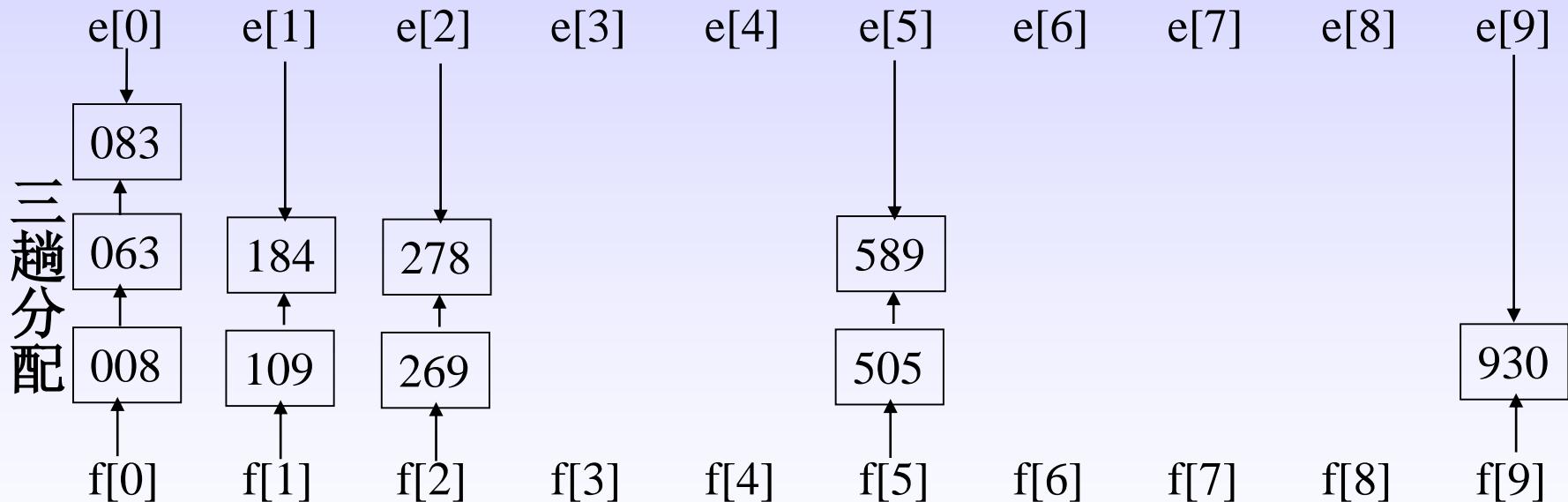
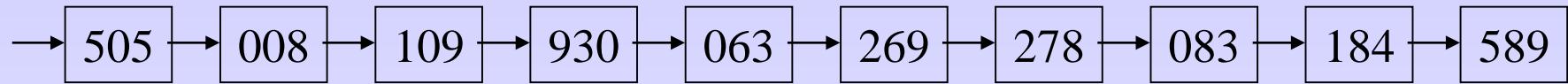


二趟收集:

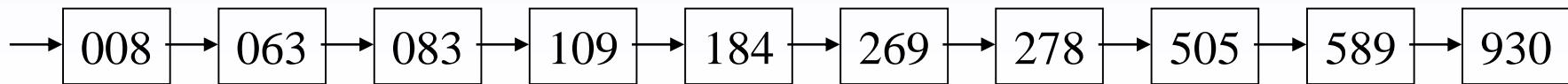


10.6 基数排序

二趟收集:



三趟收集:



10.6 基数排序

在计算机上实现基数排序时，为减少所需辅助存储空间，应采用链表作存储结构，即链式基数排序，具体作法为：

- 1 . 待排序记录以指针相链，构成一个链表；
- 2 . “分配”时，按当前“关键位”所取值，将记录分配到不同的“链队列”中，每个队列中记录的“关键位”相同；
- 3 . “收集”时，按当前关键位取值从小到大将各队列首尾相链成一个链表；
- 4 . 对每个关键位均重复 2) 和 3) 两步。

10.6 基数排序

数据类型声明

```
typedef struct{  
    KeyType  keys[];  
    InfoType otheritems;      // 其它数据域  
    int       next;           // 链域  
} SLCell;  
  
typedef struct{  
    SLCell    r[MAX];          // r[0]为头结点  
    int       length;           // 表长  
} SLList;
```

10.6 基数排序

基数排序主算法

```
void RadixSort( SLList &L)
{
    int f[KEYNUM], e[KEYNUM];
    for( i=0; i< L.length; i++)
        L.r[i].next=i+1; // 建立静态链表
    L.r[L.length].next=0;           // 链表的表尾
    for( i=0; i<keynum; i++)    // keynum为关键字位数
    {
        Distribute(L.r, i, f, e);
        Collect (L.r, i, f, e);
    }
}
```

10.6 基数排序

基数排序分配算法

```
void Distribute(SLCell r[], int i, int f[], int e[])
{ for(j=0; j<Radix; j++)
    f[j]=0;           // 清空所有队列, 依次处理链表中的每个元素
for(p=r[0].next; p; p=r[p].next)
{ j = ord(r[p].keys[i]);
    if( f[j]==0 ) f[j]=p;           // 将r[p]加入到第j个队列
    else r[e[j]].next=p;
    e[j]=p;
}
}
```

10.6 基数排序

基数排序收集算法

```
void Collect(SLCell r[], int i, int f[], int e[])
{
    for(j=0; f[j]==0; j++); // 找第1个非空队列
    r[0].next=f[j];
    t=e[j]; // t保存前1个队列的队尾位置
    for(k=j+1; k<Radix; k++) // 将所有队列首尾连接
        if( f[k]!=0 )
        {
            r[t].next=f[k];
            t=e[k];
        }
    r[t].next=0; // 链表的表尾
}
```

10.6 基数排序

算法分析

- 若每个关键字有 d 位， 需要重复执行 d 趟“分配”与“收集”。每趟对 n 个元素进行“分配”，对 $radix$ 个队列进行“收集”。总时间复杂度为 $O(d(n+radix))$ 。
- 若基数 $radix$ 相同，对于元素个数较多而关键位数较少的情况，使用链式基数排序较好。
- 基数排序需要增加 $n+2radix$ 个附加链接指针。
- 基数排序是稳定的排序方法。

各种排序方法的比较

排 序 方 法	元素比较		元素移动		稳定 性	附加存储	
	最好	最 差	最好	最 差		最好	最 差
直接插入排序	n	n^2	0	n^2	√	1	
折半插入排序	$n \log_2 n$		0	n^2	√	1	
起泡排序	n	n^2	0	n^2	√	1	
快速排序	$n \log_2 n$	n^2	$n \log_2 n$	n^2	✗	$\log_2 n$	
简单选择排序	n^2		0	n	✗	1	
锦标赛排序	$n \log_2 n$		$n \log_2 n$		√	n	
堆排序	$n \log_2 n$		$n \log_2 n$		✗	1	
归并排序	$n \log_2 n$		$n \log_2 n$		√	n	