Exercicio Aula 11 e 12 Delineamento

Davi Wentrick Feijó

2023-05-06

Exercicio 1:

Uma quimica deseja testar o efeito de quatro agentes na resistencia de um determinado tipo de tecido. Porque pode haver variabilidade de um rolo de tecido para outro, a quimica decide usar um delineamento de blocos casualizados. Sendo que, os rolos de tecido serao considerados como blocos. Ela seleciona cinco rolos e aplica todos os quatro produtos quimicos em ordem aleatoria para cada rolo. Na Tabela 1 estao os resultados das resistencias resultante.

```
produtos = c(1,2,3,4)
rolo_1 = c(73,73,75,73)
rolo_2 = c(68,67,68,71)
rolo_3 = c(74,75,78,75)
rolo_4 = c(71,72,73,75)
rolo_5 = c(67,70,68,69)

dados = data.frame(produtos,rolo_1,rolo_2,rolo_3,rolo_4,rolo_5)
kable(dados)
```

produtos	rolo_1	rolo_2	rolo_3	rolo_4	rolo_5
1	73	68	74	71	67
2	73	67	75	72	70
3	75	68	78	73	68
4	73	71	75	75	69

Para trabalhar com os dados precisamos formatar eles de forma que fiquem na forma long por meio da funcao pivot $_$ longer()

```
#padronizando o data frame para analise

dados_long = dados %>%
    pivot_longer(cols = c(rolo_1,rolo_2,rolo_3,rolo_4,rolo_5), values_to = "values", names_to = "blocos")
    mutate(produtos = as.factor(produtos))
kable(dados_long)
```

produtos	blocos	values
1	rolo_1	73
1	$rolo_2$	68
1	$rolo_3$	74
1	$rolo_4$	71
1	$rolo_5$	67
2	$rolo_1$	73
2	$rolo_2$	67
2	$rolo_3$	75
2	$rolo_4$	72
2	$rolo_5$	70
3	$rolo_1$	75
3	$rolo_2$	68
3	$rolo_3$	78
3	$rolo_4$	73
3	$rolo_5$	68
4	$rolo_1$	73
4	$rolo_2$	71
4	$rolo_3$	75
4	rolo_4	75
4	$rolo_5$	69

1.1) O modelo considerado e as hipoteses de interesse

1.2) A tabela de análise de variancia e suas conclusoes Para realizar a tabela da ANOVA é necessario calcular a soma de quadrados, graus de liberdade, quadrados medios para o tratamento, bloco e residuo. Alem do valor F e p-valor do teste anova e do teste para blocos.

A soma de quadrados do modelo que iremos utilizar (com blocos) pode ser escrito como:

$$SQTotal = SQTratamento + SQBloco + SQResiduo$$

$$\sum_{i=1}^{a} \sum_{j=1}^{b} (Y_{ij} - \bar{Y}_{..})^{2} = b \sum_{i=1}^{a} (Y_{i.} - \bar{Y}_{..})^{2} + a \sum_{j=1}^{b} (Y_{.j} - \bar{Y}_{..})^{2} + \sum_{i=1}^{a} \sum_{j=1}^{b} (Y_{ij} - Y_{.j} - Y_{i.} - \bar{Y}_{..})^{2}$$

$$SQTotal = \sum_{i=1}^{a} \sum_{j=1}^{b} (Y_{ij} - \bar{Y}_{..})^{2}$$

$$SQResiduo = a \sum_{j=1}^{a} (Y_{.j} - \bar{Y}_{..})^{2}$$

$$SQResiduo = \sum_{i=1}^{a} \sum_{j=1}^{b} (Y_{ij} - Y_{.j} - Y_{i.} - \bar{Y}_{..})^{2}$$

Aqui vamos definir nosso a e b que sao a quantiade de tratamentos e de blocos respectivamente

```
# quantidade de blocos e tratamentos
t = length(unique(dados_long$produtos)) #tratamentos
b = length(unique(dados_long$blocos)) #blocos
```

Em seguida podemos calcular a media geral e as somas de quadrados

```
#soma de quadrados
media_total <- mean(dados_long$values)

ssqtot = sum((dados_long$values - media_total)^2)
ssqtrat = sum((tapply(dados_long$values,dados_long$produtos,mean) - media_total)^2) * b
ssqblocos = sum((tapply(dados_long$values,dados_long$blocos,mean) - media_total)^2) * t
ssqres = ssqtot-ssqtrat-ssqblocos</pre>
```

Para calcular os quadrados médios do total, tratamento e residuos podemos seguir as seguinte formulas:

$$\text{QMTratamento} = \frac{\text{SQTratamento}}{a-1} = \frac{b\sum_{i=1}^{a} (Y_{i.} - \bar{Y}_{..})^2}{a-1} = \frac{b\sum_{i=1}^{a} \tau^2}{a-1}$$

QMBloco =
$$\frac{\text{SQBloco}}{b-1} = \frac{a\sum_{j=1}^{b} (Y_{.j} - \bar{Y}_{..})^2}{b-1} = \frac{b\sum_{i=1}^{a} \beta^2}{a-1}$$

$$\text{QMResiduo} = \frac{\text{SQResiduo}}{(a-1)(b-1)} = \frac{\sum_{i=1}^{a} \sum_{j=1}^{b} (Y_{ij} - Y_{.j} - Y_{i.} - \bar{Y}_{..})^2}{(a-1)(b-1)} = \frac{b \sum_{i=1}^{a} \epsilon^2}{(a-1)(b-1)}$$

Calculando os graus de liberdade dos blocos, tratamentos, e o total!

```
#graus de liberdade
glb = (b-1)
glt = (t-1)
glr = glb*glt
gltot = (b*t)-1
```

Agora podemos encontrar os quadrados médios

```
#quadrados medios
qmtrat = ssqtrat/glt
qmbloco = ssqblocos/glb
qmres = ssqres/glr
```

Sendo assim, para testar a igualdade das medias de tratamento, a estatistica de teste e definida por:

$$F_0 = \frac{\text{QMTratamento}}{\text{QMResiduo}} \sim F_{a-1,(a-1)(b-1)}$$

E possivel seguir a mesma ideia da estatistica de teste para efeito de bloco. Entao, tem-se que:

$$F_0 = \frac{\text{QMBloco}}{\text{QMResiduo}} \sim F_{b-1,(a-1)(b-1)}$$

```
# valor F observado
f_obs = qmtrat/qmres
f_obs_blocos = qmbloco/qmres
```

```
#valor critico de 5%
alfa = 0.05
f_crit = qf(alfa,glt,glr)
f_crit_bloco = qf(alfa,glb,glr)
```

```
#p-valor observado
f_value = round(pf(f_obs,glt,glr,lower.tail = FALSE),3)
f_value_blocos = round(pf(f_obs_blocos,glb,glr,lower.tail = FALSE),7)
```

1.3) Os pressupostos necessarios foram atendidos?

Para verificar os pressupostos temos que calcular os residuos e testar normalidade deles. Vamos aproveitar e calcular nossos estimadores para μ , τ_i e β_j . E isso poder ser feito por meio das seguintes formulas deduzidas por meio dos quadrados médios:

$$\hat{\mu} = \bar{Y}_{\cdot \cdot}$$
 $\hat{\tau} = \bar{Y}_{i \cdot} - \bar{Y}_{\cdot \cdot}$ $\hat{\beta} = \bar{Y}_{\cdot j} - \bar{Y}_{\cdot \cdot}$

```
#nossos estimadores
media_total = mean(dados_long$values)

trat_media = tapply(dados_long$values,dados_long$produtos,mean) - media_total

blocos_media = tapply(dados_long$values,dados_long$blocos,mean) - media_total
```

Aqui temos a tabela com os valores observados, valores esperados e os residuos por meio do modelo! e sabendo que os residuos sao definidos por:

$$e_{ij} = Y_{ij} - \hat{Y}_{ij}$$

produtos	blocos	values	media_trat	media_bloco	y_obs	residuo	residuo_normalizado
1	rolo_1	73	-1.15	1.75	72.35	0.65	0.3577982
1	$rolo_2$	68	-1.15	-3.25	67.35	0.65	0.3577982
1	$rolo_3$	74	-1.15	3.75	74.35	-0.35	-0.1926606
1	$rolo_4$	71	-1.15	1.00	71.60	-0.60	-0.3302752
1	$rolo_5$	67	-1.15	-3.25	67.35	-0.35	-0.1926606
2	$rolo_1$	73	-0.35	1.75	73.15	-0.15	-0.0825688
2	$rolo_2$	67	-0.35	-3.25	68.15	-1.15	-0.6330275
2	$rolo_3$	75	-0.35	3.75	75.15	-0.15	-0.0825688
2	$rolo_4$	72	-0.35	1.00	72.40	-0.40	-0.2201835
2	$rolo_5$	70	-0.35	-3.25	68.15	1.85	1.0183486
3	$rolo_1$	75	0.65	1.75	74.15	0.85	0.4678899
3	$rolo_2$	68	0.65	-3.25	69.15	-1.15	-0.6330275
3	$rolo_3$	78	0.65	3.75	76.15	1.85	1.0183486
3	$rolo_4$	73	0.65	1.00	73.40	-0.40	-0.2201835
3	$rolo_5$	68	0.65	-3.25	69.15	-1.15	-0.6330275
4	$rolo_1$	73	0.85	1.75	74.35	-1.35	-0.7431193
4	$rolo_2$	71	0.85	-3.25	69.35	1.65	0.9082569
4	$rolo_3$	75	0.85	3.75	76.35	-1.35	-0.7431193
4	$rolo_4$	75	0.85	1.00	73.60	1.40	0.7706422
4	rolo_5	69	0.85	-3.25	69.35	-0.35	-0.1926606

Agora podemos realizar nossos testes de normalidade e de igualdade de variancias

```
##
## Shapiro-Wilk normality test
##
## data: dados_long$residuo
## W = 0.8996, p-value = 0.04054

leveneTest(residuo ~ produtos, dados_long)

## Levene's Test for Homogeneity of Variance (center = median)
## Df F value Pr(>F)
## group 3 0.8895 0.4677
## 16

#pressuposto de modelo aditivo
```

1.4) Qual a proporção da variacao total explicada pelo modelo ajustado no item 1.2?

```
var_exp = 1 - (ssqres/ssqtot)
cat("A variancia explicada pelo modelo é", var_exp)
```

A variancia explicada pelo modelo é 0.8863103

1.5) Considerando que o obj elemento quimico que deve se	etivo do experimer recomendado?	ento e maximizar Use teste de Tuke	r a variavel respost ey para subsidiar sı	ta, qual e o 1a resposta.

1.6) Refaca as contas necessarias para responder os itens (1.2), (1.3) e (1.6) utilizando as funcoes aov e TukeyHSD e confira com os resultados obtidos.

```
# anova no r para compara os valores
aov res = aov(dados long$values ~ dados long$produtos+dados long$blocos)
aov_res %>% summary()
##
                      Df Sum Sq Mean Sq F value
                                                  Pr(>F)
## dados_long$produtos 3 12.95
                                  4.32
                                          2.376
                                                   0.121
## dados_long$blocos
                       4 157.00
                                  39.25 21.606 2.06e-05 ***
## Residuals
                      12 21.80
                                   1.82
## ---
## Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
#teste de tukey no R
TukeyHSD(aov_res)
    Tukey multiple comparisons of means
##
      95% family-wise confidence level
##
##
## Fit: aov(formula = dados_long$values ~ dados_long$produtos + dados_long$blocos)
##
## $'dados_long$produtos'
      diff
                  lwr
                           upr
                                   p adj
## 2-1 0.8 -1.7308322 3.330832 0.7852734
## 3-1 1.8 -0.7308322 4.330832 0.2042593
## 4-1 2.0 -0.5308322 4.530832 0.1417326
## 3-2 1.0 -1.5308322 3.530832 0.6540138
## 4-2 1.2 -1.3308322 3.730832 0.5182726
## 4-3 0.2 -2.3308322 2.730832 0.9952030
##
## $'dados_long$blocos'
                 diff
                             lwr
                                        upr
                                                p adj
## rolo_2-rolo_1 -5.00 -8.037831 -1.9621691 0.0015656
## rolo 3-rolo 1 2.00 -1.037831 5.0378309 0.2814173
## rolo_4-rolo_1 -0.75 -3.787831 2.2878309 0.9295872
## rolo_5-rolo_1 -5.00 -8.037831 -1.9621691 0.0015656
## rolo_3-rolo_2 7.00 3.962169 10.0378309 0.0000717
## rolo_4-rolo_2 4.25
                       1.212169 7.2878309 0.0056966
## rolo_5-rolo_2 0.00 -3.037831 3.0378309 1.0000000
## rolo_4-rolo_3 -2.75 -5.787831 0.2878309 0.0830636
## rolo_5-rolo_3 -7.00 -10.037831 -3.9621691 0.0000717
## rolo_5-rolo_4 -4.25 -7.287831 -1.2121691 0.0056966
#teste de kruskall-wallis
kruskal.test(dados_long$values ~ dados_long$produtos)
```

```
##
## Kruskal-Wallis rank sum test
##
## data: dados_long$values by dados_long$produtos
## Kruskal-Wallis chi-squared = 1.5008, df = 3, p-value = 0.6821

# 1.7) Determine a probabilidade do erro tipo 2 para o caso de: (t1 = -1.5, t2 = 0, t3 = 0, t4 = 1.5).
alpha = 0.05
taui = c(-1.5,0,0,1.5)

sigma2 = qmres

delta = b*sum(taui^2/sigma2)

fcrit = qf(1-alpha,t-1,(t-1)*(b-1))
beta = pf(q = fcrit,df1 = t-1,df2 = (t-1)*(b-1), ncp = delta)

poder = 1 - beta
poder
```

1.8) Para os valores de taus considerados no item anterior, determine qual deve ser o numero de blocos para que o erro tipo 2 seja inferior a 10%?

#vamos aumentando o numero de blocos (b) ate mudar a porcentagem