```
void merge_sort(int* arr, int I, int r){
  if(r - I <= 1)return;
  int mid = (I + r) / 2;
  merge_sort(arr, I, mid);
  merge_sort(arr, mid, r);
  int* temp = (int *)malloc(sizeof(int) * (r - I));
  int k = 0, p1 = I, p2 = mid;
  while(p1 < mid \parallel p2 < r){
     if((p1 < mid) && (p2 >= r || arr[p1] <= arr[p2])){}
       temp[k++] = arr[p1++];
    }else{
       temp[k++] = arr[p2++];
    }
  }
  for(int i = I; i < r; i++){
     arr[i] = temp[i - I];
  }
  return;
}
int main(){
  int* arr_s = getRandData(SMALL_DATA_N);
  int* arr_b = getRandData(BIG_DATA_N);
  TEST(merge_sort, arr_s, SMALL_DATA_N);
  TEST(merge_sort, arr_b, BIG_DATA_N);
  free(arr_b);
  free(arr_s);
  return 0;
}
我写的这个是归并排序吗?
```

是的, 你实现的确实是归并排序 (Merge Sort) 算法。我来分析一下你的代码:

归并排序的关键特征:

分治策略:将数组不断二分,直到子数组长度为1(你的条件是 r - 1 <= 1)

递归排序: 分别对左右两部分递归调用 merge_sort

合并操作:将两个已排序的子数组合并成一个有序数组 (你的 while 循环部分)

你的实现细节:

使用 (1 + r) / 2 计算中点

使用临时数组 temp 进行合并

合并时正确处理了边界情况 (p2 >= r 时自动选择左边元素)

最后将临时数组拷贝回原数组

需要注意的几点:

内存泄漏:你 malloc 了临时数组 temp 但没有 free 它,应该在用完后就释放

边界条件: 你的实现是左闭右开区间([1, r)), 这与大多数C标准库的惯例一致

稳定性: 由于你使用了 arr[p1] <= arr[p2] , 这个排序是稳定的 (相等时不交换)

建议的修改:

```
€ 复制 丛下载
void merge_sort(int* arr, int 1, int r){
   if(r - 1 \le 1) return;
   int mid = (1 + r) / 2;
   merge_sort(arr, 1, mid);
   merge_sort(arr, mid, r);
   int* temp = (int *)malloc(sizeof(int) * (r - 1));
   int k = 0, p1 = 1, p2 = mid;
   while(p1 < mid \mid \mid p2 < r){
        if((p1 < mid) \&\& (p2 >= r || arr[p1] <= arr[p2])){
           temp[k++] = arr[p1++];
       }else{
           temp[k++] = arr[p2++];
    }
    for(int i = 1; i < r; i++){
        arr[i] = temp[i - 1];
    free(temp); // 添加这行避免内存泄漏
    return;
}
```

你的实现是正确的归并排序,时间复杂度是O(n log n),空间复杂度是O(n)。

```
void quick_sort_my_hoare(int* arr, int I, int r){ //我的hoare分区版本
    if(r - 1 <= 2){
     if(r-I<=1)return;/*边界情况只需要这一句就好了,所有的情况缩到最简
                 就是这样一种情况,但是不可以r-I<=1,因为挖坑法和
                 hoare分区的实现不同, hoare分区要求要交换, 它不存在
                 r-1,不会缩到 r == l这种情况,除非原数组开始就为空*/
      if(arr[I] > arr[I + 1])swap(arr[I], arr[I + 1]);
      return;
    }
    int pivot = arr[I], sp = I - 1, bp = r;
    while(true){
      do{++sp;}while(arr[sp] < pivot);</pre>
      do{--bp;}while(arr[bp] > pivot);
      if(sp > bp)break;
      swap(arr[sp], arr[bp]);
    }
    quick_sort_my_hoare(arr, I, sp);
    quick_sort_my_hoare(arr, sp, r);
    return;
}
那为什么我测试到我的归并排序运行时间比以上这个快排hoare分区的时间要长,一样
的数据量
```

你的观察是正确的:**在大多数情况下,快速排序(Hoare 分区)会比归并排序更快**,即使它们的时间复杂度都是 **O(n log n)**。原因主要有以下几点:

1. 常数因子差异(Cache 友好性)

快速排序 是 原地排序 (in-place) ,它只需要 **O(1) 额外空间** (递归栈除外) ,并且它的访问模式对 **CPU 缓存更友好** (局部性原理) 。

归并排序需要 **O(n) 额外空间**(临时数组 **temp**),并且每次合并都要 **拷贝数据**,导致 更多的内存访问开销。

为什么影响大?

现代 CPU 的缓存 (L1/L2/L3) 速度比主存快很多,**快速排序的交换操作更可能在缓存中** 完成,而 **归并排序需要频繁访问主存**(临时数组和原数组来回拷贝),导致速度变慢。

2. 递归调用开销

快速排序 的递归深度通常是 O(log n), 并且 分区后的子问题大小不一定严格平衡(但平均情况下仍然很快)。

归并排序 的递归深度也是 **O(log n)**,但 **每次递归都要进行合并操作**,额外增加了拷贝数据的开销。

3. 你的 Hoare 分区实现可能比标准 Lomuto 更快

你的 Hoare 分区版本:

```
c

int pivot = arr[l], sp = l - 1, bp = r;
while(true){
    do{++sp;} while(arr[sp] < pivot);
    do{--bp;} while(arr[bp] > pivot);
    if(sp > bp) break;
    swap(arr[sp], arr[bp]);
}
```

Hoare 分区 通常比 Lomuto 分区 (常见于教科书版本) 交换次数更少,因为它从两端向中间扫描,减少了不必要的交换。

你的实现还 提前处理了小数组 (r-1 <= 2),减少了递归调用次数。

4. 测试数据的影响

归并排序的时间复杂度严格 O(n log n),无论输入数据是否有序,它都稳定执行。

快速排序 在 最好/平均情况下是 $O(n \log n)$,但在 最坏情况下(如已排序数组)可能退化到 $O(n^2)$ 。

但你的 Hoare 分区版本 **对已排序数据的处理较好**(因为 **pivot = arr[1]** 且两端扫描,不会像 Lomuto 那样退化严重)。

如果你的测试数据是 **随机数据**,快速排序通常会更快;如果是 **部分有序数据**,你的 Hoare 版本仍然可能比归并排序快。

如何验证?

你可以:

测试不同数据分布 (随机、升序、降序、重复数据)。

统计比较和交换次数(归并排序拷贝次数多,快速排序交换次数少)。

使用性能分析工具(如 perf 、 gprof) 查看 CPU 缓存命中率和函数调用开销。

结论

你的观察是合理的:在相同数据量下,**快速排序 (Hoare 分区)通常比归并排序更快**,因为:

更少的额外内存访问(归并排序需要临时数组)。

更好的缓存局部性(快速排序是原地交换)。

Hoare 分区优化(减少交换次数)。

归并排序的优势:

稳定排序(保持相等元素的相对顺序)。

最坏情况 O(n log n) (快速排序可能退化)。

如果你的目标是 **追求最高速度**,快速排序(特别是 Hoare 分区)通常是更好的选择。 如果你的数据 **几乎有序或包含大量重复元素**,可以考虑 **三路快速排序** 或 **内省排序** (Introsort) (结合快速排序+堆排序)。 归并排序(Merge Sort)可以和许多现实世界或计算机科学中的**分治策略、协作流程**进行类比。以下是几个生动的比喻:

1. 图书馆整理书籍(分治+合并)

问题:图书馆新到一批乱序的书籍,需要按编号排序。

归并排序的类比:

分治: 将书堆分成两半, 分别交给两个管理员整理(递归拆分)。

合并:两个管理员各自整理好后,合并两个有序的书堆:

比较两堆最顶部的书编号,取较小的放入新堆,重复直到所有书归位。

关键点:依赖"有序子序列"的合并,而非原地交换。

2. 多人合作拼图 (协作式工作)

问题:拼一幅巨大的拼图,时间紧迫。

归并排序的类比:

分治:将拼图分成几块,分给不同小组独立完成(递归排序子数组)。

合并:小组完成后,将拼好的区块边缘对齐合并(合并有序子数组)。

关键点: 合并时需要协调边界匹配 (类似合并时的指针比较)。

3. 流水线生产 (稳定有序性)

问题: 工厂需要组装一批手机,按订单顺序出厂。

归并排序的类比:

分治:将订单拆分成小批次,在不同车间并行组装(子数组排序)。

合并: 各车间完成后,按订单号顺序合并成最终队列(稳定合并)。

关键点:保持原始顺序(稳定性),适合需要保序的场景。

4. DNA序列比对 (分治+精确合并)

问题:比对两段长DNA序列的相似性。

归并排序的类比:

分治:将DNA序列分段处理(递归分解问题)。

合并: 将分段比对结果合并成全局比对(合并有序数据)。

关键点: 分治降低复杂度, 合并保证全局一致性。

5. Git分支合并(版本控制)

问题: 多个开发者并行开发后合并代码。

归并排序的类比:

分治:每个开发者在独立分支上工作(子数组排序)。

合并:通过比较时间戳或版本号合并提交(合并有序变更)。

关键点:冲突解决类似合并时的元素比较。

为什么这些类比合适?

分治思想: 将大问题分解为小问题独立解决。

合并操作:需要协调子问题的解,而非直接交换(区别于快速排序的"竞争"式分区)。

稳定性:保持原始相对顺序(如拼图边缘对齐、订单顺序不变)。

对比快速排序的类比

快速排序更像体育比赛淘汰制:

选择一个"基准"(冠军候选),将其他人分成"更强"和"更弱"两组(分区),递归淘汰。

不稳定:比赛名次可能因分组方式变化(非保序)。

而**归并排序像协作组装**,强调**有序合并**而非竞争淘汰。

基数排序(Radix Sort)的时间复杂度取决于数据的位数(d)和每一位的基数范围(k,通常为10或256等),其算法复杂度为:

时间复杂度

最优/平均/最坏情况:

$$O(d \cdot (n+k))$$

n: 待排序元素个数

d: 数字的最大位数 (或字符串的最大长度)

k: 每一位的可能取值数 (如十进制数字 k=10, ASCII字符 k=256)

空间复杂度

$$O(n+k)$$

需要额外的空间存储:

桶 (Buckets) : 大小为 k 的计数数组或列表。

临时数组:大小为n的中间结果(某些实现中)。

关键细节

适用场景:

数据位数 d 较小且范围明确(如整数、定长字符串)。

若 d 很大 (如超长数字) , 效率会下降。

与比较排序的区别:

基数排序是**非比较排序**,突破了比较排序的 $\Omega(n \log n)$ 下限。

实际效率可能优于 $O(n \log n)$ 的排序(如快速排序、归并排序), **当** $d \ll \log n$ **时**。

稳定性:

基数排序是稳定排序(保持相同键值的原始顺序)。

示例分析

排序 1,000,000 个 32 位整数:

d=32 (假设按二进制位处理) , k=2 (0和1) 。

时间复杂度: $O(32 \cdot (10^6 + 2)) \approx O(32 \cdot 10^6)$ 。

实际中常按十进制位分组 (d=10, k=10) , 则 $O(10\cdot(10^6+10))$ 。

对比快速排序:

快速排序平均 $O(10^6 \log 10^6) \approx O(20 \cdot 10^6)$ 。

基数排序可能更快(因常数因子较小)。

常见变种

LSD (Least Significant Digit) :

从最低位开始排序,适合整数和定长字符串。

MSD (Most Significant Digit) :

从最高位开始,类似字典序,适合变长字符串(可能需要递归)。

总结

基数排序在**数据范围有限且位数较少时**非常高效,但空间开销较大。其性能优势关键取决于 d 和 k 与 n 的关系。

① 本回答由 AI 生成,内容仅供参考,请仔细甄别。