

Methods & Algorithms

(formerly known as Introduction to Data Science) FS~2023

Prof. Dr. rer. nat. habil. Ralf-Peter Mundani DAViS

PCA – darf's noch ein bisschen mehr sein...?

- Hauptkomponentenzerlegung
 - mächtiges Werkzeug (aber schwer zu verstehen)
 - Dimensionsreduktion unter Erhaltung grösstmöglicher Varianz
 - projizierte Daten nicht immer für Klassifikation geeignet
- Diskriminanzanalyse
 - ähnliches Werkzeug («same same, but different…»)
 - erlaubt multivariate Klassifikation
 - guter Ausgangspunkte für weitere Ansätze (leider zu viele für diese Veranstaltung…)
- was sagt Google...?





Nomenklatur

Skalare: s

■ Vektoren: v (1D Reihung)

Matrizen: A (2D Reihung)

Operationen

• Skalarprodukt: $\vec{\mathbf{v}}^T \cdot \vec{\mathbf{w}} = s$

• dyadisches Produkt: $\vec{\mathbf{v}} \cdot \vec{\mathbf{w}}^T = \mathbf{A}$

lacktriangledown Matrix-Vektor-Multiplikation: $\mathbf{A}\cdot \vec{\mathbf{v}} = \vec{\mathbf{w}}$

lacktrix-Matrix-Multiplikation: $\mathbf{A}\cdot\mathbf{B}=\mathbf{C}$ (brauchen wir nicht...)



• Skalarprodukt $\vec{\mathbf{v}}^T \cdot \vec{\mathbf{w}}$

$$\vec{\mathbf{v}}^T \cdot \vec{\mathbf{w}} = \begin{pmatrix} v_{x_1} & v_{x_2} & \cdots & v_{x_n} \end{pmatrix} \cdot \begin{pmatrix} w_{x_1} \\ w_{x_2} \\ \vdots \\ w_{x_n} \end{pmatrix} = v_{x_1} \cdot w_{x_1} + v_{x_2} \cdot w_{x_2} + \dots + v_{x_n} \cdot w_{x_n} = \sum_{i=1}^n v_{x_i} \cdot w_{x_i}$$

• Beispiel:
$$\vec{\mathbf{v}} = \begin{pmatrix} 3 \\ 1 \\ 2 \end{pmatrix}$$
, $\vec{\mathbf{w}} = \begin{pmatrix} 4 \\ 0 \\ 3 \end{pmatrix}$

$$\vec{\mathbf{v}}^T \cdot \vec{\mathbf{w}} = \begin{pmatrix} 3 & 1 & 2 \end{pmatrix} \cdot \begin{pmatrix} 4 \\ 0 \\ 3 \end{pmatrix} = 3 \cdot 4 + 1 \cdot 0 + 2 \cdot 3 = 18$$



Matrizen



$$\mathbf{A} = \begin{pmatrix} a_{11} & a_{12} & \cdots & a_{1n} \\ a_{21} & a_{22} & \cdots & a_{2n} \\ \vdots & \vdots & & \vdots \\ a_{m1} & a_{m2} & \cdots & a_{mn} \end{pmatrix} \quad \text{mit } m \text{ Zeilen und } n \text{ Spalten (kurz: } m \times n)$$

$$\text{Hauptdiagonale (für } m = n)$$

Transponierte \mathbf{A}^T einer Matrix \mathbf{A}

$$\mathbf{A}^T = egin{pmatrix} a_{11} & a_{21} & \cdots & a_{m1} \ a_{12} & a_{22} & \cdots & a_{m2} \ dots & dots & \ddots & dots \ a_{1n} & a_{2n} & \cdots & a_{mn} \end{pmatrix} \quad ext{mit } n ext{ Zeilen und } m ext{ Spalten (kurz: } n imes m)$$

- besondere Matrizen
 - symmetrische Matrix (d.h. $\mathbf{A} = \mathbf{A}^T$)
 - Beispiel (3×3)

$$\mathbf{A} = \begin{pmatrix} 4 & 1 & 3 \\ 1 & 2 & 1 \\ 3 & 1 & 5 \end{pmatrix} \quad \text{mit} \quad \mathbf{A}^T = \begin{pmatrix} 4 & 1 & 3 \\ 1 & 2 & 1 \\ 3 & 1 & 5 \end{pmatrix}$$

Diagonalmatrix

$$\mathbf{D} = \begin{pmatrix} * & & & \\ & * & & \\ & & \ddots & \\ & & & * \end{pmatrix} \qquad \text{z.B. (4×4): } \mathbf{D} = \begin{pmatrix} 1 & 0 & 0 & 0 \\ 0 & 1 & 0 & 0 \\ 0 & 0 & 1 & 0 \\ 0 & 0 & 0 & 1 \end{pmatrix}$$

z.B. (4×4):
$$\mathbf{D} = \begin{pmatrix} 1 & 0 & 0 & 0 \\ 0 & 1 & 0 & 0 \\ 0 & 0 & 1 & 0 \\ 0 & 0 & 0 & 1 \end{pmatrix}$$

(auch Identitätsmatrix I)



Matrix-Vektor-Multiplikation

$$\mathbf{A} \cdot \vec{\mathbf{v}} = \begin{pmatrix} a_{11} & a_{12} & \cdots & a_{1n} \\ a_{21} & a_{22} & \cdots & a_{2n} \\ \vdots & \vdots & \ddots & \vdots \\ a_{m1} & a_{m2} & \cdots & a_{mn} \end{pmatrix} \cdot \begin{pmatrix} v_{x_1} \\ v_{x_2} \\ \vdots \\ v_{x_n} \end{pmatrix} = \begin{pmatrix} a_{11} \cdot v_{x_1} + a_{12} \cdot v_{x_2} + \cdots + a_{1n} \cdot v_{x_n} \\ a_{21} \cdot v_{x_1} + a_{22} \cdot v_{x_2} + \cdots + a_{2n} \cdot v_{x_n} \\ \vdots \\ a_{m1} \cdot v_{x_1} + a_{m2} \cdot v_{x_2} + \cdots + a_{mn} \cdot v_{x_n} \end{pmatrix} = \begin{pmatrix} w_{x_1} \\ w_{x_2} \\ \vdots \\ w_{x_m} \end{pmatrix} = \vec{\mathbf{w}}$$

Beispiel

$$\mathbf{A} \cdot \vec{\mathbf{v}} = \begin{pmatrix} 4 & 1 & 3 \\ 1 & 2 & 1 \\ 3 & 1 & 5 \end{pmatrix} \cdot \begin{pmatrix} 2 \\ 1 \\ 3 \end{pmatrix} = \begin{pmatrix} 4 \cdot 2 + 1 \cdot 1 + 3 \cdot 3 \\ 1 \cdot 2 + 2 \cdot 1 + 1 \cdot 3 \\ 3 \cdot 2 + 1 \cdot 1 + 5 \cdot 3 \end{pmatrix} = \begin{pmatrix} 18 \\ 7 \\ 22 \end{pmatrix} = \vec{\mathbf{w}}$$



• dyadisches (äusseres) Produkt $\vec{\mathbf{v}} \cdot \vec{\mathbf{w}}^T$

$$\vec{\mathbf{v}} \cdot \vec{\mathbf{w}}^T = \begin{pmatrix} v_{x_1} \\ v_{x_2} \\ \vdots \\ v_{x_m} \end{pmatrix} \cdot \begin{pmatrix} w_{x_1} & w_{x_2} & \cdots & w_{x_n} \end{pmatrix} = \begin{pmatrix} v_{x_1} \cdot w_{x_1} & v_{x_1} \cdot w_{x_2} & \cdots & v_{x_1} \cdot w_{x_n} \\ v_{x_2} \cdot w_{x_1} & v_{x_2} \cdot w_{x_2} & \cdots & v_{x_2} \cdot w_{x_n} \\ \vdots & \vdots & \ddots & \vdots \\ v_{x_m} \cdot w_{x_1} & v_{x_m} \cdot w_{x_2} & \cdots & v_{x_m} \cdot w_{x_n} \end{pmatrix} = \mathbf{A}$$

 $|m \times n|$

• Beispiel:
$$\vec{\mathbf{v}} = \begin{pmatrix} 3 \\ 1 \\ 2 \end{pmatrix}$$
, $\vec{\mathbf{w}} = \begin{pmatrix} 4 \\ 0 \\ 3 \end{pmatrix}$

$$\vec{\mathbf{v}} \cdot \vec{\mathbf{w}}^T = \begin{pmatrix} 3 \\ 1 \\ 2 \end{pmatrix} \cdot \begin{pmatrix} 4 & 0 & 3 \end{pmatrix} = \begin{pmatrix} 3 \cdot 4 & 3 \cdot 0 & 3 \cdot 3 \\ 1 \cdot 4 & 1 \cdot 0 & 1 \cdot 3 \\ 2 \cdot 4 & 2 \cdot 0 & 2 \cdot 3 \end{pmatrix} = \begin{pmatrix} 12 & 0 & 9 \\ 4 & 0 & 3 \\ 8 & 0 & 6 \end{pmatrix}$$

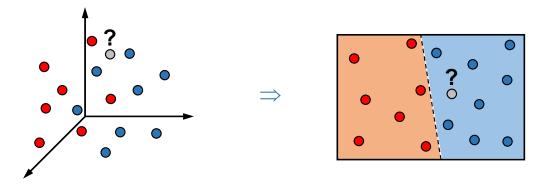
Richtig trennen – aber in welche Tonne...?

- Diskriminanzanalyse ein vielseitiges Werkzeug für die
 - Dimensionsreduktion
 - robuste Klassifizierung (d.h. selbe Ergebnisse mit oder ohne Normalisierung der Daten)
- prominente Anwendungsbeispiele
 - Konkursversagen mit 80–90% Genauigkeit (E. Altman, 1968) basierend auf 31 Jahren Daten
 - Unterscheidung von verschiedener Krankheitsstufen in biomedizinischen Anwendungen
 - Gesichtserkennung (George Orwell lässt grossen ☺)
- warum also noch ein Algorithmus...?
 - funktioniert sehr gut nicht nur im Fall binärer Daten (→ multivariate Analyse)
 - Vorverarbeitung von Daten zur Reduktion von (Berechnungs)Kosten
 - ...



Richtig trennen – aber in welche Tonne...?

- Idee
 - Methode des überwachten Lernens
 - Ausgangspunkt: klassifizierte Daten mit d Merkmalen in k Klassen
 - Diskriminanzfunktion teilt (Sub)Raum in *k* zugehörige disjunkte Regionen
 - einfache Klassifikation: prüfe, in welcher Region das Datum liegt
 - Beispiel (*d* = 3, *k* = 2)





Richtig trennen – aber in welche Tonne…?

- ...noch ein paar Gedanken
 - Diskriminanzanalyse setzt Normalverteilung der Daten voraus
 - allgemeiner Fall: Diskriminanzanalyse nach Ronald A. FISHER
 - britischer Statistiker (1890–1962)
 - berühmte Beiträge: Maximum-Likelihood-Prinzip, Varianzanalyse (ANOVA), F-Verteilung



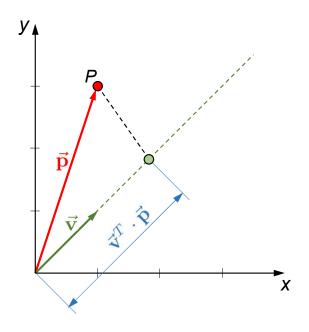
Quelle: bibmath.net

- simple Annahme: n Beobachtungen (mit d Merkmalen), die sich alle mindestens einer von k
 Klassen zuordnen lassen
- geometrisches Verfahren: Beobachtungsraum wird durch eine Reihe von Hyperebenen derart partitioniert, dass diese die Grenzen zwischen jeweils zwei Klassen darstellen
- im weiteren: Diskussion für d = 2, später dann Verallgemeinerung auf d > 2



Richtig trennen – aber in welche Tonne…?

Vorbereitung: Projektion von Punkten auf eine Gerade (d.h. vom 2D auf 1D)



Beispiel:

$$P = (1, 3), \vec{\mathbf{p}} = \begin{pmatrix} 1 \\ 3 \end{pmatrix}, \vec{\mathbf{v}} = \begin{pmatrix} 1 \\ 1 \end{pmatrix}$$

$$\vec{\mathbf{v}}^T \vec{\mathbf{p}} = (1 \ 1) \cdot \begin{pmatrix} 1 \\ 3 \end{pmatrix} = 1 \cdot 1 + 1 \cdot 3 = 4$$

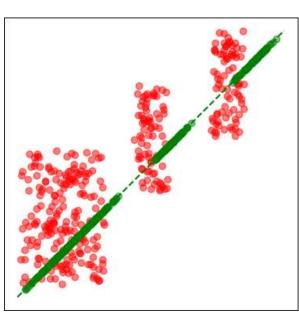
• nach Projektion \Rightarrow jeder Punkt hat Abstand (auf der Geraden durch \vec{v}) vom Ursprung

Richtig trennen – aber in welche Tonne...?

- kleine Fingerübung (mal wieder Datei 'clicks.dat')
 - zunächst das Skalarprodukt händisch (np.dot()) ausrechnen ©

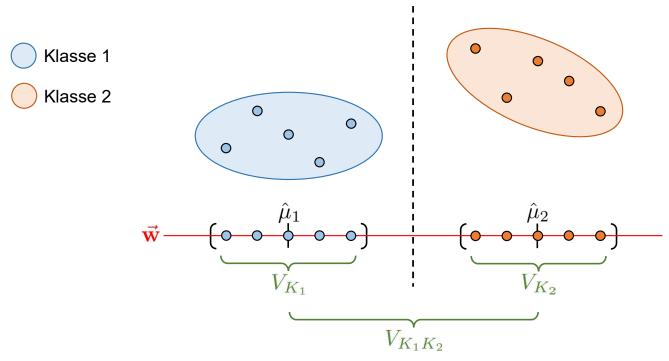
```
data = np.loadtxt('clicks.dat', delimiter=',')
v = np.array([1., 1.])
data_p = []
for p in data:
```

```
for p in data:
   data_p.append(np.dot(v, p))
plt.plot(data_p, data_p, 'ro')
plt.show()
```



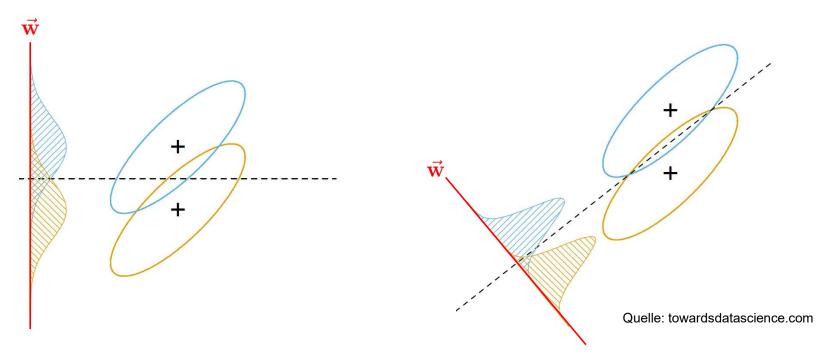


- multivariate Diskriminanzanalyse nach R. Fisher (1936)
 - Idee: Projektion d-dimensionaler Daten in einen Unterraum (< d), sodass Variabilität zwischen den Klassen maximal und Variabilität innerhalb einer Klasse minimal wird





- multivariate Diskriminanzanalyse nach R. Fisher (1936)
 - ullet etwas anschaulicher: finde optimales $\vec{\mathbf{w}}$, sodass V_{K_1} , V_{K_2} minimal und $V_{K_1K_2}$ maximal





- multivariate Diskriminanzanalyse nach R. Fisher (1936)
 - kurze Auffrischung Statistik ©

$$\mu_x = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^n x_i \qquad \qquad \sigma_x^2 = \frac{1}{n-1} \sum_{i=1}^n (x_i - \mu_x)^2 \qquad \qquad \sigma_{x,y} = \frac{1}{n-1} \sum_{i=1}^n (x_i - \mu_x)(y_i - \mu_y)$$
 (Mittelwert) (Varianz)

- Preisfrage: was ist Unterschied zwischen Kovarianz und Korrelation...?
- Anmerkung: Cov(X, X) = Var(X) $\Leftrightarrow \sigma_{x,x} = \sigma_x^2$



- multivariate Diskriminanzanalyse nach R. Fisher (1936)
 - Vorhang auf für die Kovarianzmatrix Σ...

$$\Sigma_{(1D)} = \begin{pmatrix} \sigma_x^2 & \sigma_{x,y} \\ \sigma_{y,x} & \sigma_y^2 \end{pmatrix} \qquad \Sigma_{(3D)} = \begin{pmatrix} \sigma_x^2 & \sigma_{x,y} & \sigma_{x,z} \\ \sigma_{y,x} & \sigma_y^2 & \sigma_{y,z} \\ \sigma_{z,x} & \sigma_{z,y} & \sigma_z^2 \end{pmatrix} \qquad \Sigma_{(nD)} = \dots$$

- unnützes Wissen: Σ ist symmetrisch (da $\sigma_{x,y}=\sigma_{y,x}$) \Rightarrow Vorteile für die Berechnung der LDA
- damit Berechnung des optimalen w möglich





- multivariate Diskriminanzanalyse nach R. Fisher (1936)
 - Ziel: maximale Variabilität zwischen Klassen bei minimaler Variabilität innerhalb jeder Klasse

$$\max \frac{V_{K_1 K_2}^2}{V_{K_1}^2 + V_{K_2}^2} = \max \frac{(\hat{\mu}_1 - \hat{\mu}_2)^2}{V_{K_1}^2 + V_{K_2}^2}$$

Betrachtung Zähler

$$(\hat{\mu}_1 - \hat{\mu}_2)^2 = (\vec{\mathbf{w}}^T \mu_1 - \vec{\mathbf{w}}^T \mu_2)(\vec{\mathbf{w}}^T \mu_1 - \vec{\mathbf{w}}^T \mu_2)^T = \vec{\mathbf{w}}^T (\mu_1 - \mu_2)(\mu_1 - \mu_2)^T \vec{\mathbf{w}} =: \vec{\mathbf{w}}^T S_B \vec{\mathbf{w}}$$

• Betrachtung Nenner ($\hat{x}_i = \vec{\mathbf{w}}^T x_i$)

$$V_K^2 = \sum (\hat{x}_i - \hat{\mu})(\hat{x}_i - \hat{\mu})^T = \sum (\vec{\mathbf{w}}^T x_i - \vec{\mathbf{w}}^T \mu)(\vec{\mathbf{w}}^T x_i - \vec{\mathbf{w}}^T \mu)^T = \sum \vec{\mathbf{w}}^T (x_i - \mu)(x_i - \mu)^T \vec{\mathbf{w}} =: \vec{\mathbf{w}}^T \sum \vec{\mathbf{w}} \vec{\mathbf{w}}$$

$$\Rightarrow V_{K_1}^2 + V_{K_2}^2 = \vec{\mathbf{w}}^T \sum_1 \vec{\mathbf{w}} + \vec{\mathbf{w}}^T \sum_2 \vec{\mathbf{w}} = \vec{\mathbf{w}}^T (\sum_1 + \sum_2) \vec{\mathbf{w}} =: \vec{\mathbf{w}}^T S_W \vec{\mathbf{w}}$$



- multivariate Diskriminanzanalyse nach R. Fisher (1936)
 - damit folgt schliesslich ein Optimierungsproblem (⇒ fit())

$$\vec{\mathbf{w}} := \arg\max \frac{\vec{\mathbf{w}}^T S_B \vec{\mathbf{w}}}{\vec{\mathbf{w}}^T S_W \vec{\mathbf{w}}}$$

mit

$$S_B = (\mu_1 - \mu_2)(\mu_1 - \mu_2)^T$$

 $S_W = \Sigma_1 + \Sigma_2$

unnützes Wissen: Lösung des Optimierungsproblems mithilfe eines Lagrange-Multiplikators

$$\mathcal{L} = \vec{\mathbf{w}}^T S_B \vec{\mathbf{w}} - \lambda (\vec{\mathbf{w}}^T S_W \vec{\mathbf{w}} - 1) \quad \text{mit} \quad \frac{\partial \mathcal{L}}{\partial \vec{\mathbf{w}}} = 0$$



- multivariate Diskriminanzanalyse nach R. Fisher (1936)
 - was bei mehr als zwei Klassen...?
 - für k Klassen sei $N = n_1 + n_2 + ... + n_k$ die Gesamtanzahl aller Datenpunkte

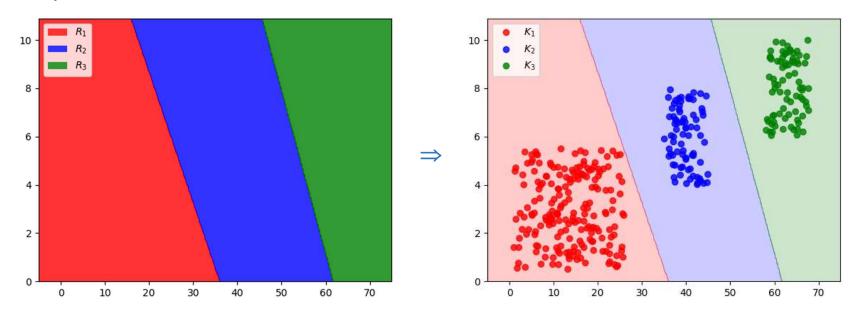
$$\text{aus} \qquad \mu_k = \frac{1}{n_k} \sum_{x_i \in K_k} x_i \qquad \text{mit} \qquad \mu = \frac{1}{N} \sum_{i=1}^N x_i \qquad \text{ folgt} \qquad S_B = \frac{1}{N} \sum_{i=1}^k n_i (\mu_i - \mu) (\mu_i - \mu)^T$$

$$S_W = \Sigma_1 + \Sigma_2 + \ldots + \Sigma_k$$

• und damit $\vec{\mathbf{w}} = eig(S_W^{-1}S_B)$



- multivariate Diskriminanzanalyse nach R. Fisher (1936)
 - mit optimaler Projektionsebene (aufgespannt durch \vec{w}) ist auch Diskriminanzfunktion bekannt \rightarrow Klassifikation durch Zuordnung: Punkt x gehört zu Klasse K_i falls x in Region R_i
 - Beispiel: Datei 'clicks.dat'





- Beispiel: Datensatz wine aus Paket sklearn.datasets
 - Datensatz enthält 178 Samples in 13 Dimensionen mit 3 Klassen



```
wine = datasets.load_wine()
x = wine.data
y_true = wine.target
```

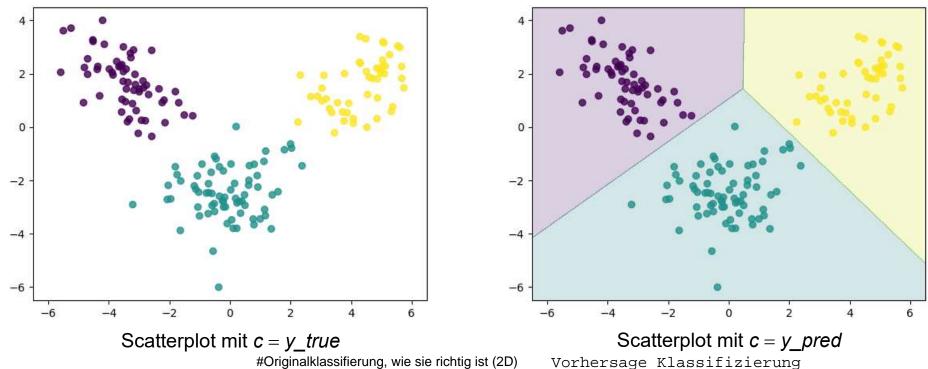
Diskriminanzanalyse mit Projektion (transform) & Klassifikation (predict) der Daten

```
from sklearn.discriminant_analysis import LinearDiscriminantAnalysis
model = LinearDiscriminantAnalysis(n_components=2)
model.fit(x, y_true)
x_proj = model.transform(x)
y pred = model.predict(x)
```



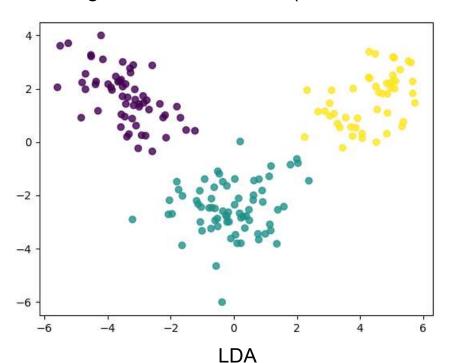
- Beispiel: Datensatz wine aus Paket sklearn.datasets
 - Darstellung des projizierten Datensatzes (2D)

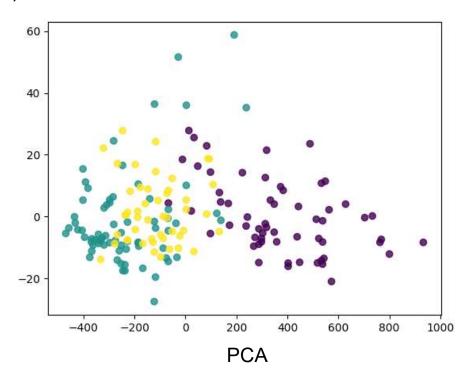






- Beispiel: Datensatz wine aus Paket sklearn.datasets
 - Vergleich LDA und PCA (in zwei Dimensionen)







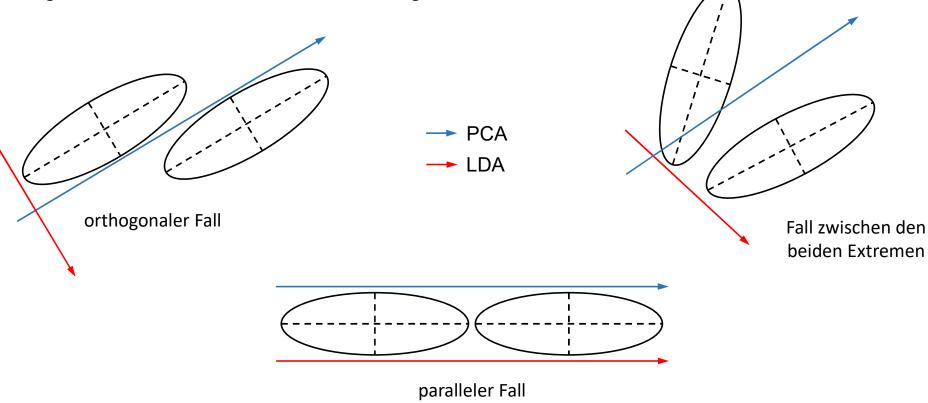
R.-P. Mundani, Methods & Algorithms, FS 2023 Varianz / Streuung minimieren

aus Originaldaten nur Klassen in dimensionalen Raum möglich getrennt

Varianz zu erhalten (Streuung erhalten)

Originaldaten möglichst behalten in einem reduzierten Raum

• Frage: weshalb liefert die PCA andere Ergebnisse...?

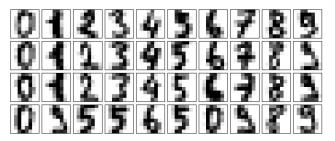




- Datensatz: handschriftlicher Ziffern (Paket sklearn)
 - Datensatz enthält 1797 Bilder mit Auflösung 8×8

```
digits = datasets.load_digits()
x = digits.data
y_true = digits.target
```





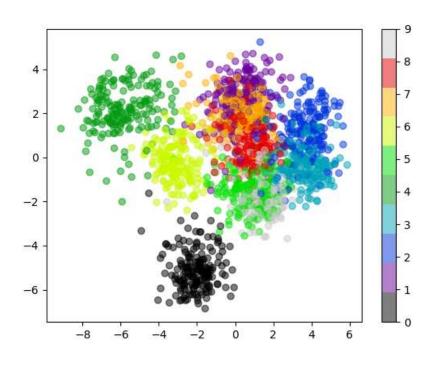
Diskriminanzanalyse (Projektion auf 2D/3D)

```
model = LinearDiscriminantAnalysis(n_components=2|3)
model.fit(x, y_true)
proj = model.transform(x)
y_pred = model.predict(x)
```

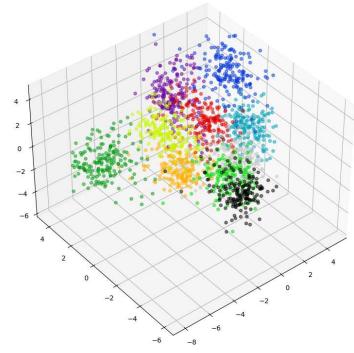


Datensatz: handschriftlicher Ziffern (Paket sklearn)





n_components = 2



n_components = 3



- Gesichtserkennung: Olivetti-Datensatz (Paket sklearn)
 - Bilder (Grösse 64×64) von 40 Personen mit jeweils 10 Gesichtsausdrücken



```
faces = datasets.fetch_olivetti_faces()
x = faces.data
y_true = faces.target
```

Bilder anzeigen (Datei plot.py)

from plot import plot_faces
plot faces(faces.images, 4, 6)













































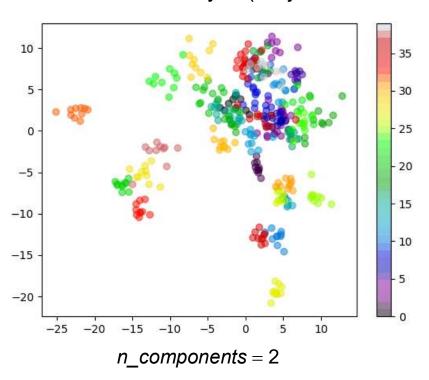


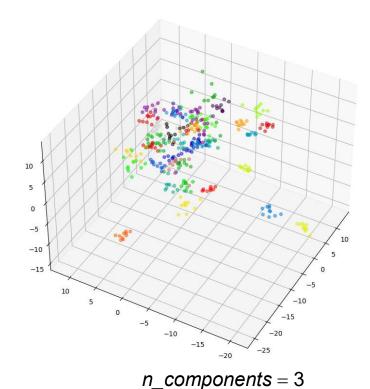




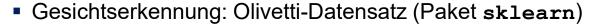
Gesichtserkennung: Olivetti-Datensatz (Paket sklearn)

Diskriminanzanalyse (Projektion auf 2D/3D)





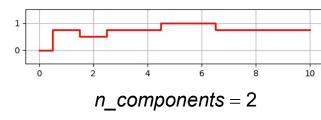


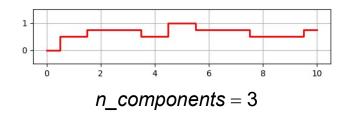


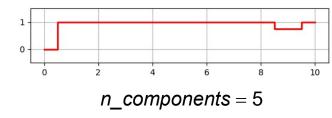


- Aufgabe
 - Aufteilung von x und y true in Training- und Testdaten (4 Bilder → 1%)
 - fit(n_components = 2, 3, 5) und transform() der Trainingsdaten mittels LDA
 - transform() der Testdaten mittels LDA
 - Anlernen (fit()) eines k-NN auf den projizierten Trainingsdaten für $k \in [1,10]$ sowie Klassifikation (predict()) mittels projizierter Testdaten
 - Bestimmung und Ausgabe der Treffsicherheit (accuracy score ())

Ergebnis









- Gesichtserkennung: Olivetti-Datensatz (Paket sklearn)
 - Rücktransformation der projizierten Trainingsdaten (sogenannte Fisherfaces)







Fragen...?

