

Maduración de proteinas Plegamiento y modificaciones postraduccionales

Carlos Javier Alméciga Díaz, QF, Ph.D.

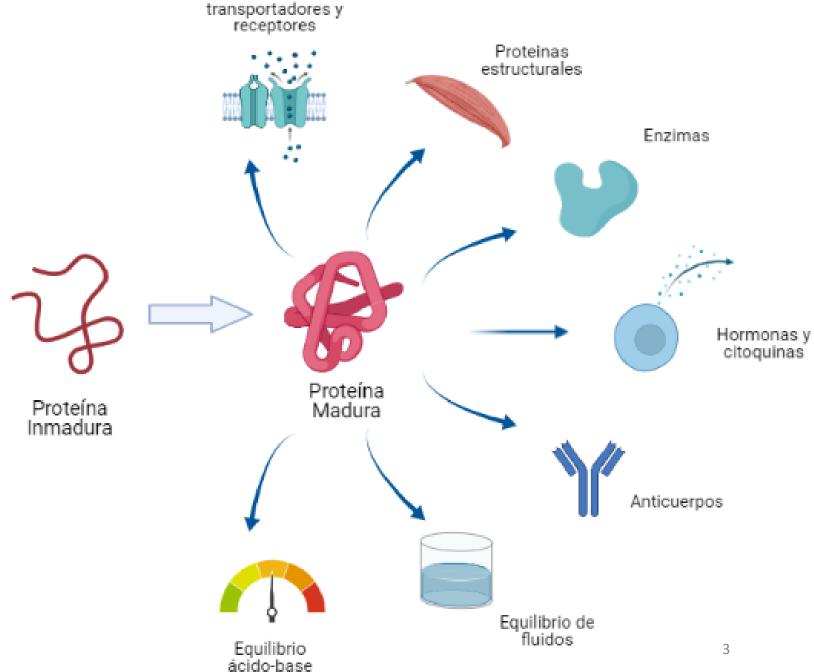








Los procesos de maduración de una proteína son necesarios para desempeñar su función biológica



Canales,





Maduración de proteínas

Modificación de aminoácidos

Adición de moléculas

Plegamiento

Direccionamiento y procesamiento proteolítico

Modificaciones co y postraduccionales





Niveles estructurales de las proteínas

Estructura primaria



Estructura secundaria

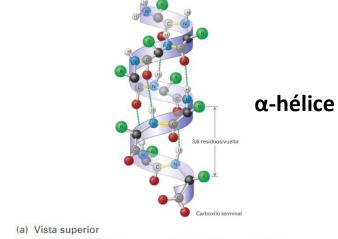
Secuencia de aminoácidos

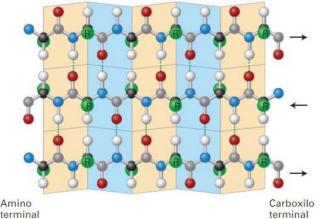
Interacciones entre aminoácidos cercanos

Información:

Plegamiento Localización celular

Formación de puentes de hidrógeno entre las cadenas laterales de aminoácidos





Hoja β-plegada





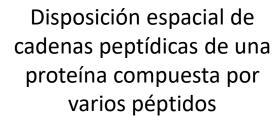
Niveles estructurales de las proteínas

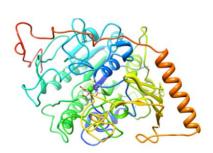
Estructura terciaria

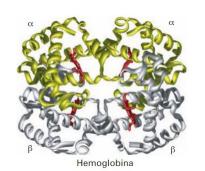


Estructura cuaternaria

Organización de las estructuras secundarias para formar una estructura tridimensional



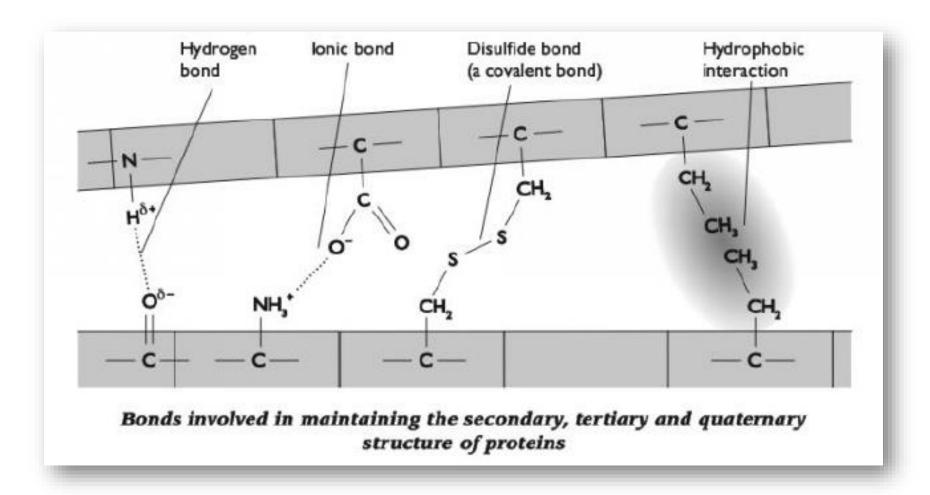




- Homopoliméricas:
 Formadas por varias unidades de un mismo péptido
- Heteropoliméricas:
 Formadas por unidades de péptidos diferentes



Enlaces involucrados en plegamiento

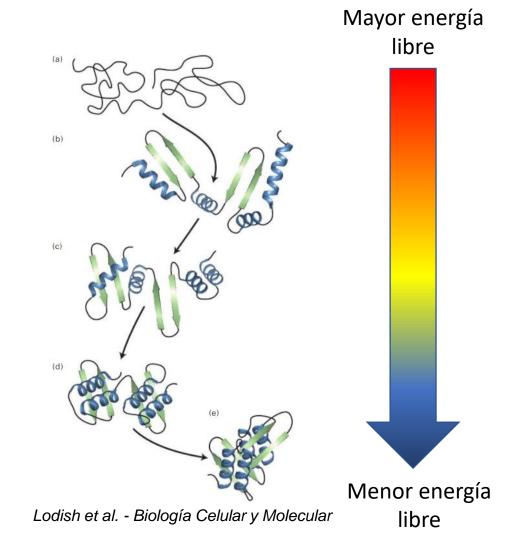






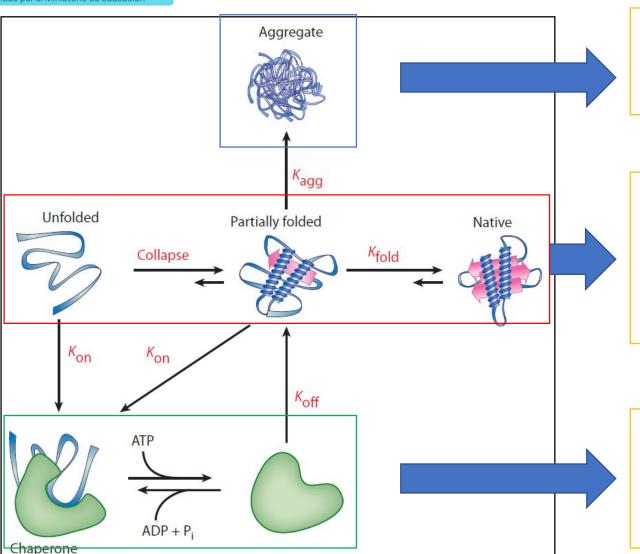
Proceso de plegamiento

- Interacciones entre aminoácidos
- Reducción energía libre
- Interacciones débiles y no covalentes
- Regiones hidrofóbicas en interior de la proteína
- micro a milisegundos





PROGRAMAS DE PREGRADO FACULTAD DE CIENCIAS PONTIFICIA UNIVERSIDAD JAVERIANA Vigilado por el Ministerio de educación



Sin correcto plegamiento la proteína se agrega

Algunas proteínas adquieren su conformación funcional sin ayuda de otras proteínas

Otras proteínas requieren ayuda para lograr su correcto plegamiento





Chaperonas Moleculares

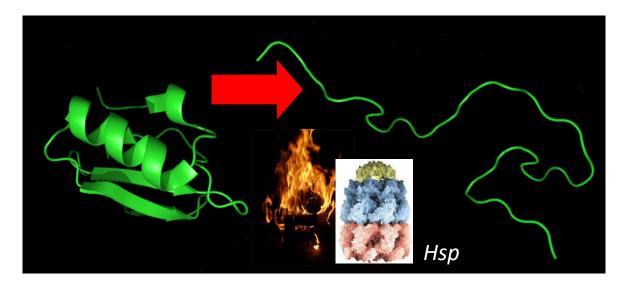
- Proteínas que facilitan el correcto plegamiento y tráfico de otras proteínas
- Funciones
 - Plegamiento de proteínas nacientes
 - Estabilización de proteínas no plegadas
 - Prevención de <u>plegamiento erroneo</u>
 - Prevención de interacciones incorrectas entre proteínas
 - Prevención de agregación
 - Desplegamiento de proteínas para su translocación a través de membranas
 - Colaboración en <u>sistemas de calidad</u> para degradación de proteínas mal plegadas





Chaperonas Moleculares

- Proteínas similares a proteínas de choque térmico heat-shock proteins (HSP)
- HSP aumentan su expresión/función en condiciones de altas temperaturas

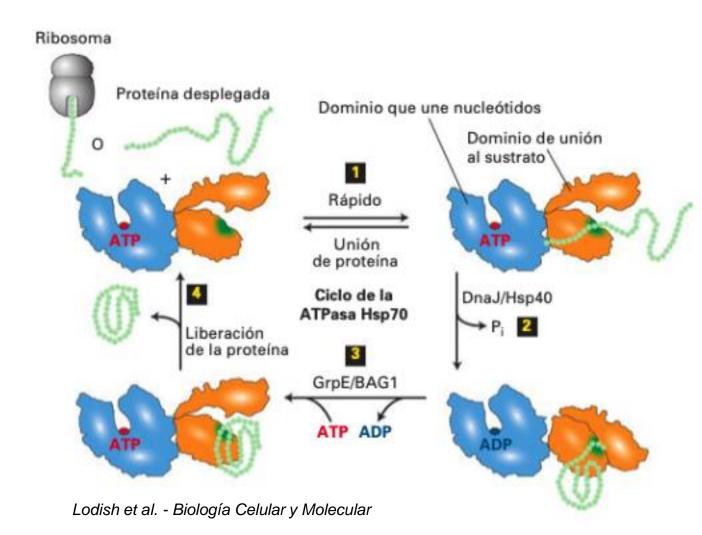






HSP – Familia HSP 70

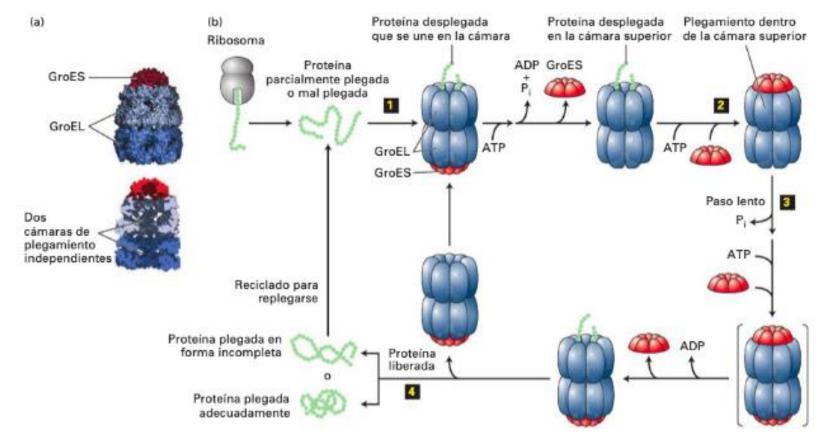
- Actúa durante síntesis de la proteína.
- Estabiliza proteínas no plegadas Mantiene proteína en forma extendida.
- Impiden agregación o interacciones inespecíficas
- Participa en procesos de tráfico de la proteína





HSP – Familia HSP 60 (chaperoninas)

- Terminan plegamiento de nuevas proteínas
- Facilitan plegamiento de proteínas mal plegadas
- Resultado: <u>Proteína</u>
 <u>correctamente plegada</u>.







Alteraciones en el sistema de plegamiento



Consecuencias del mal plegamiento

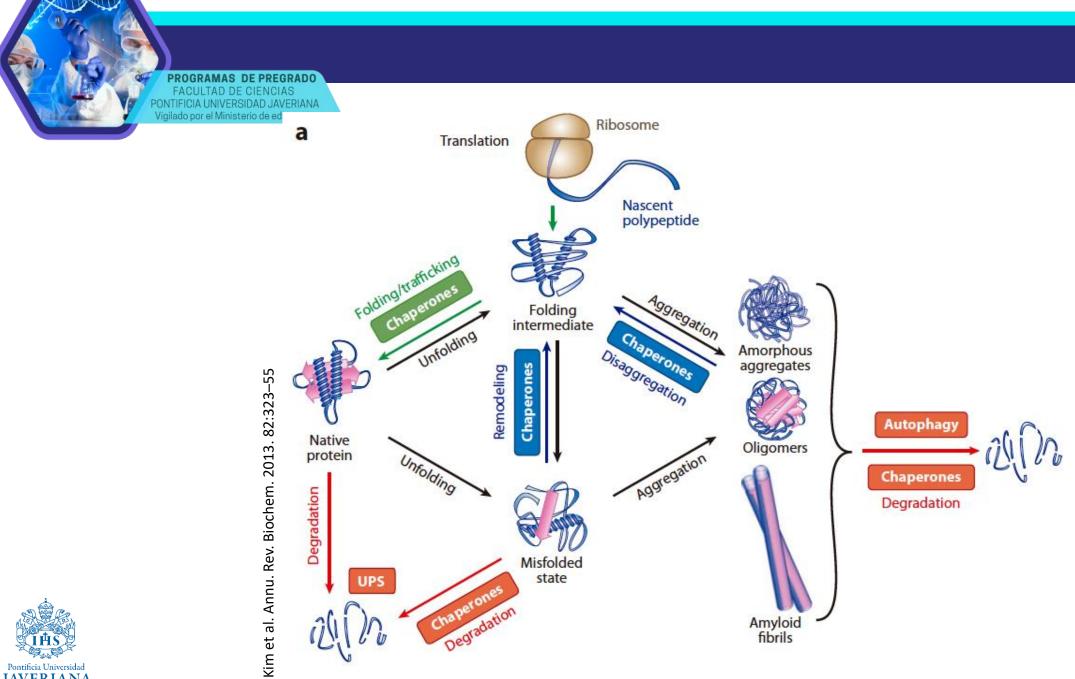


Mutaciones en la proteína

Pérdida de función

Agregación

- Cuerpos de inclusión
- Proteína inactiva
- Parkinson Alzheimer
- Enfermedades autoinmunes





Maduración de proteínas Procesamiento, tráfico y modificaciones postraduccionales de proteínas





Maduración de proteínas

Direccionamiento y procesamiento proteolítico

Modificación de aminoácidos

Adición de moléculas

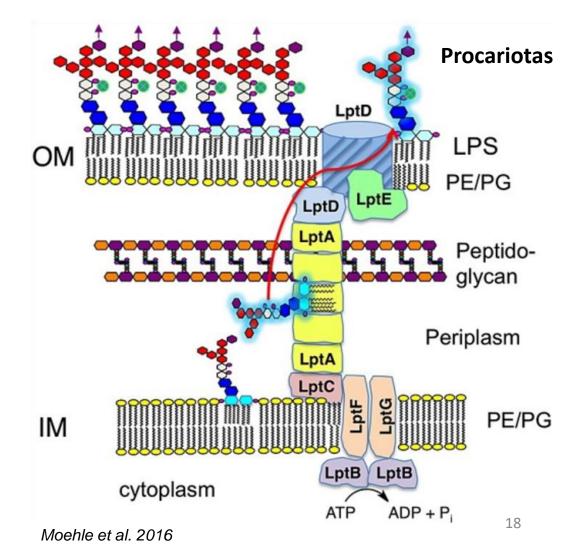


PROGRAMAS DE PREGRADO FACULTAD DE CIENCIAS PONTIFICIA UNIVERSIDAD JAVERIANA Vigilado por el Ministerio de educación

Membrana **Eucariotas** nuclear externa Núcleo nuclear interna Poro nuclear Secuencia de señalización RE Proteina citosólica Reticulo endoplásmico direccionadora Peroxisoma Espacio intermembranoso Membrana externa Membrana interna Tilacoides Estroma Membrana interna Mitocondria Membrana externa Cloroplasto Membrana Lisosoma plasmática **VÍA SECRETORA**

Lodish et al. - Biología Celular y Molecular

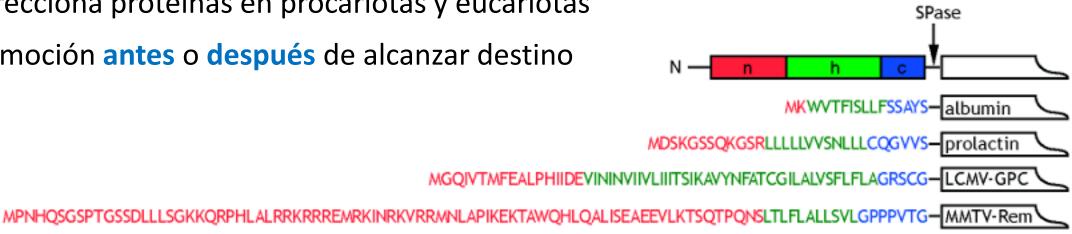
Direccionamiento celular





- Secuencia corta de aminoácidos (20 30)
- Presente en extremo N-terminal
- Secuencia hidrofóbica
- Direcciona proteínas en procariotas y eucariotas
- Remoción antes o después de alcanzar destino

El péptido señal

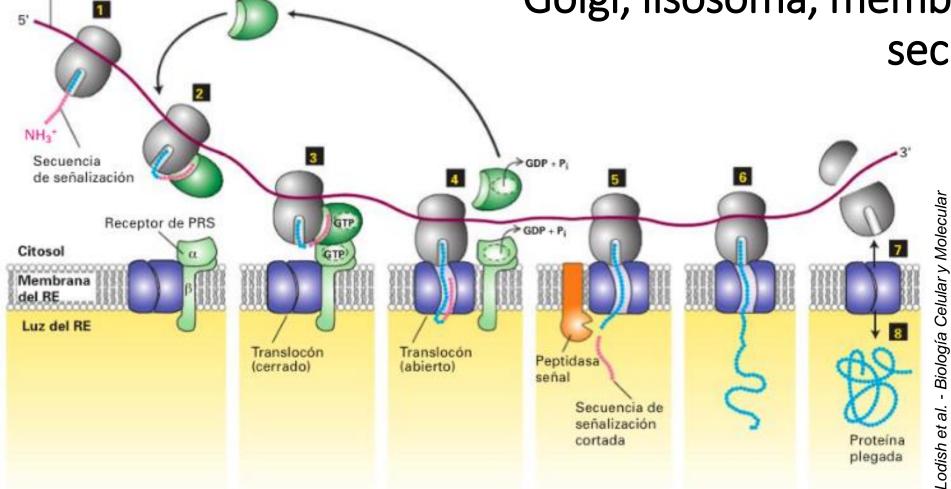




PROGRAMAS DE PREGRADO FACULTAD DE CIENCIAS PONTIFICIA UNIVERSIDAD JAVERIANA Vigilado por el Ministerio de educación

mRNA

Retículo endoplasmático, aparato de Golgi, lisosoma, membrana y secreción







Transit peptide Hsp90 Matrix Stroma Mitochondrion Chloroplast

Mitocondría y cloroplastos

- 1. Unión a chaperona a péptido señal.
- Complejo proteína-chaperona direccionado al organelo
- 3. Translocación de la proteína
- 4. Plegamiento de la proteína
- 5. Remoción del péptido señal



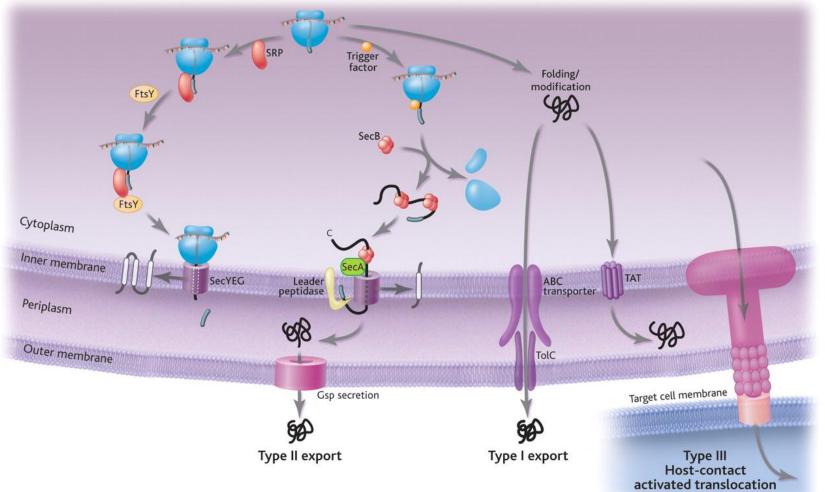
Carga Importina Ran-GTP Complejo Lodish et al. - Biología Celular y Molecular Citoplasma CPN CPN . Nucleoplasma Nucleoporinas FG

Núcleo

- 1. NLS = señal de localización nuclear
- 2. No se elimina
- 3. NLS localizada en cualquier posición de la proteína.
- 4. Movimiento depende de hidrólisis de GTP



Direccionamiento en bacterias





Adición de

moléculas

Glicosilaciones

Fosforilación

Acetilación

Acilación y Alquilación

Ubiquitinación

Adición de cadenas de carbohidratos Direccionamiento, estabilidad, interacción célula-celula, sistema inmune

Adición de grupos **fosfatos** Cambios en **conformación** de la proteína Modulan **actividad** de la proteína

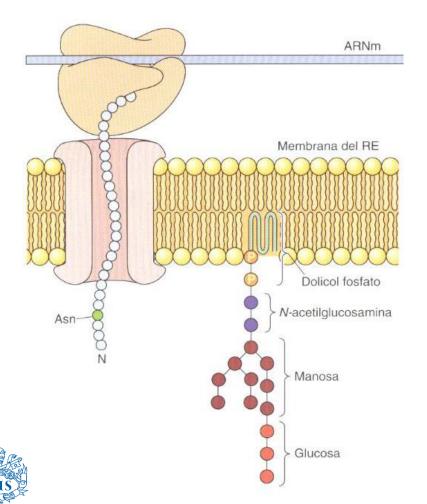
Adición de grupo acetilo Alteración de la distribución de cargas

Adición de cadenas de carbonos entre C14-C20 Direccionamiento a membranas

Adición de péptido **ubiquitina**Control de expresión génica postraduccional







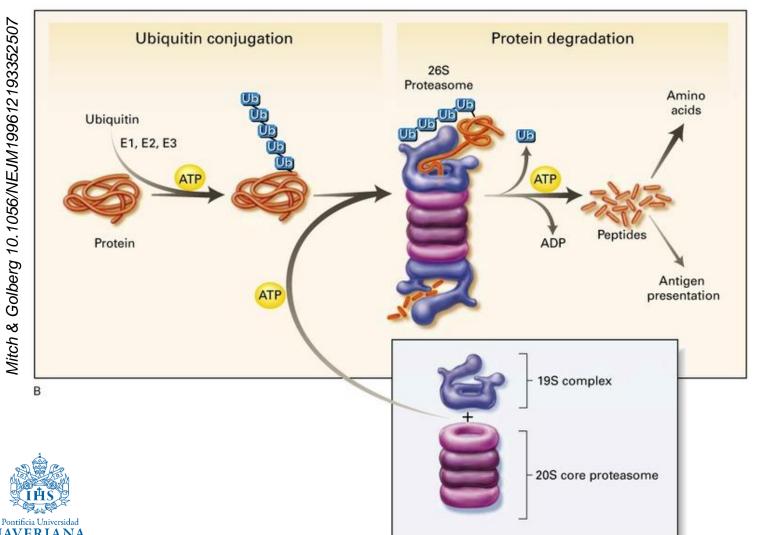
Adición de moléculas Glicosilación

- Adición de cadenas de carbohidratos
- Principalmente en células eucariotas
- Dos tipos de glicosilaciones:
 - N-glicosilación: carbohidrato se une al nitrógeno de la asparagina.
 - O-glicosilación: carbohidrato se une al oxígeno de serina o treonina

• Función:

Direccionamiento – Estabilidad – interacción célula-celula – sistema inmune

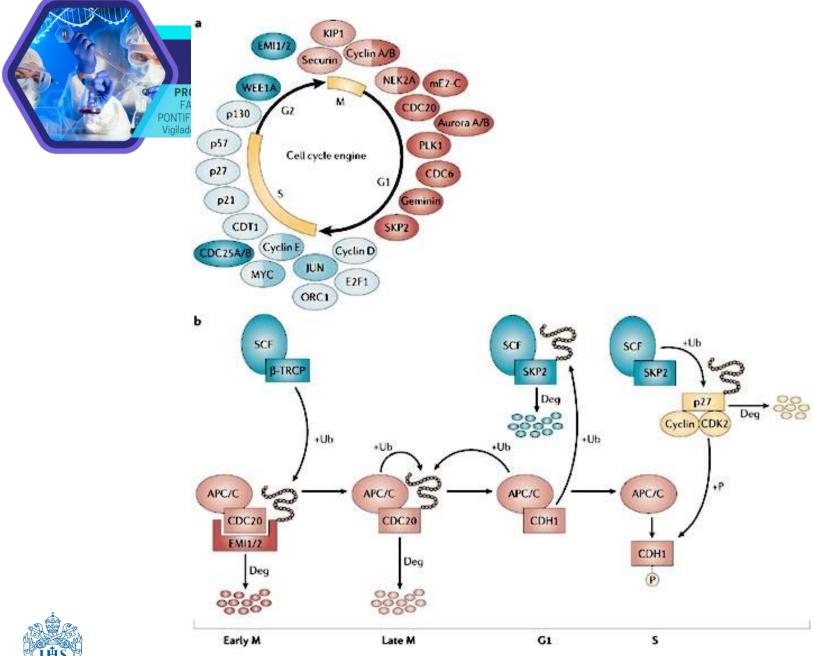
PROGRAMAS DE PREGRADO FACULTAD DE CIENCIAS PONTIFICIA UNIVERSIDAD JAVERIANA Vigilado por el Ministerio de educación



Ubiquitinación

Genera patrones de modificación que son reconocidos por proteínas que controlan degradación y direccionamiento

Regulación postraduccional



Modificaciones postraduccionales y Regulación postraduccional

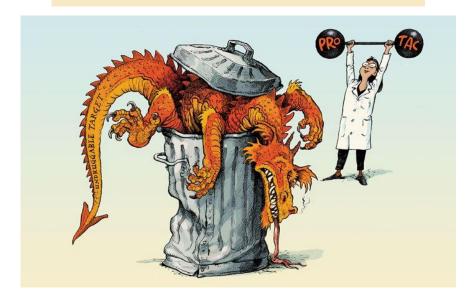




THE PROTEIN SLAYERS

An emerging class of drug could send some of medicine's most troublesome protein targets to the cellular rubbish bin.

BY MEGAN SCUDELLARI

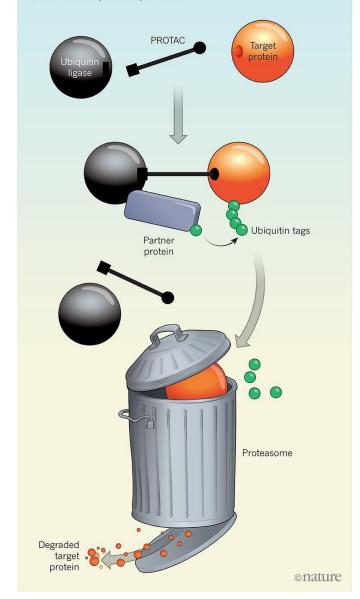




298 | NATURE | VOL 567 | 21 MARCH 2019

MARKED FOR DESTRUCTION

Targeted protein degradation uses a drug such as a proteolysistargeting chimaera (PROTAC) to bring together a ubiquitin ligase — and its associated proteins — with a target protein. After this tethering occurs, the ligase attaches ubiquitin tags to the target protein, marking it for degradation.





Control de calidad

- Proceso de plegamiento y modificaciones postraduccionales no es 100% eficiente
- Mecanismos de control de calidad
 - Reconocimiento de plegamientos incorrectos
 - Errores en enlaces disulfuro (Cys-Cys)
 - Exposición de regiones hidrofóbicas
- En caso de errores:
 - Detener proceso de traducción
 - Aumento de chaperonas
 - Degradación de proteínas mal plegadas





Efecto de las mutaciones sobre la maduración

- Efectos sobre el plegamiento
 - Pérdida de puentes de hidrógeno
 - Pérdida de enlaces disulfuro
 - Reducen actividad o estabilidad
- Efectos sobre aminoácidos involucrados en modificación postraducionales
 - Pérdida de sitios de glicosilación, acilación/aquilación o afecta direccionamiento

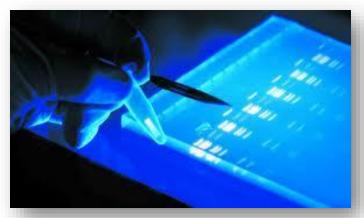


La técnica de la semana

Electroforesis de proteínas y western-blot



Electroforesis

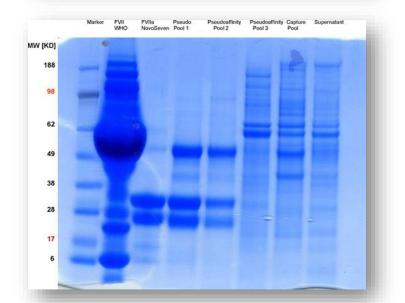


Gel Agarosa

Ácidos Nucleicos

Carga (-)

Pocas conformaciones



Gel Poliacrilamida (PAGE)

Proteínas

Carga (-), (+), neutra Múltiples conformaciones



Dodecilsulfato de sodio - PAGE (SDS-PAGE)

SDS (dodecilsulfato de sodio)

Denatura las proteínas (estructura primaria/secundaria)

Se une fuertemente a proteínas

Proteína asume carga negativa

Permite separación de las proteínas exclusivamente en función del tamaño

Ventajas del SDS

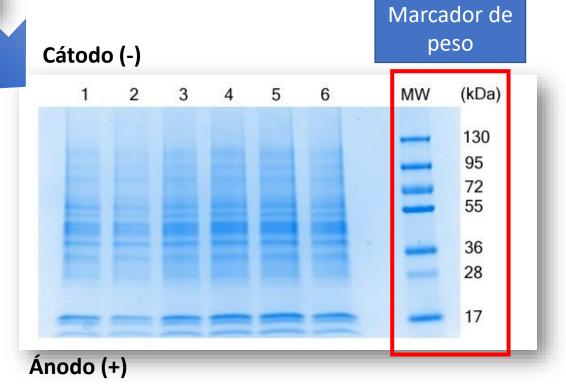
Alta densidad de cargas negativas permite una mayor movilidad electroforética

Todas las proteínas migran en el mismo sentido

Las proteínas se unen con mayor facilidad a colorantes

PROGRAMAS DE PREGRADO FACULTAD DE CIENCIAS DONTIEIDIA LIMIVEDGIDAD JAVEDIAMA SDS O-StONA AND O-STONA AND

SDS-PAGE



Mayor masa molecular

Separación en función del tamaño

Menor masa molecular



Western-blot

- Técnica para detectar la presencia de una proteína específica en una muestra con base en su interacción con un anticuerpo
- Tres pasos básicos:
 - 1. Separación de la muestra por electroforesis
 - 2. Transferencia a soporte sólido (membrana)
 - 3. Detección con anticuerpo

