Exemplo: GEE e Modelo Misto

José Luiz Padilha da Silva
05 de setembro de 2018

Exemplo: Dados de Crescimento

Vamos revisitar os dados de crescimento de Potthoff & Roy (1964). No exemplo, são apresentadas medidas de crescimento de 11 meninas e 16 meninos. As medidas referem-se à distância entre dois marcos faciais (do centro da pituitária à fissura do maxilar) em quatro idades (8, 10, 12 e 14 anos). O objetivo era descrever e comparar o crescimento de meninos e meninas.

Análise Exploratória

Os dados estão disponíveis no R no pacote mice e podem ser acessados como:

```
library(mice); library(plyr); library(ggplot2); library(gridExtra); library(nlme)
data(potthoffroy)
```

Resumo dos dados por sexo:

```
with(potthoffroy,by(potthoffroy[,-c(1,2)],sex,summary,digits=3))
```

```
## sex: F
##
          d8
                          d10
                                          d12
                                                          d14
    Min.
            :16.5
                    Min.
                            :19.0
                                    Min.
                                            :19.0
                                                    Min.
                                                            :19.5
##
    1st Qu.:20.2
                    1st Qu.:21.0
                                    1st Qu.:21.8
                                                     1st Qu.:22.8
##
    Median :21.0
                    Median:22.5
                                    Median:23.0
                                                    Median:24.0
##
    Mean
            :21.2
                    Mean
                            :22.2
                                    Mean
                                            :23.1
                                                    Mean
                                                            :24.1
##
    3rd Qu.:22.2
                    3rd Qu.:23.5
                                    3rd Qu.:24.2
                                                     3rd Qu.:25.8
##
    Max.
            :24.5
                    Max.
                            :25.0
                                    Max.
                                            :28.0
                                                    Max.
                                                            :28.0
##
## sex: M
##
                                                          d14
          d8
                          d10
                                          d12
                            :20.5
                                            :22.5
                                                            :25.0
##
    Min.
            :17.0
                    Min.
                                    Min.
                                                    Min.
##
    1st Qu.:21.9
                    1st Qu.:22.4
                                    1st Qu.:23.9
                                                     1st Qu.:26.0
    Median:23.0
                    Median:23.5
                                    Median:25.0
                                                    Median:26.8
                                                            :27.5
            :22.9
##
    Mean
                    Mean
                            :23.8
                                    Mean
                                            :25.7
                                                     Mean
    3rd Qu.:24.1
                    3rd Qu.:25.1
                                    3rd Qu.:26.6
                                                     3rd Qu.:28.8
    Max.
            :27.5
                            :28.0
                                            :31.0
                                                            :31.5
                    Max.
                                    Max.
                                                     Max.
```

Correlações marginais:

```
cor(potthoffroy[,-c(1:2)])
```

```
## d8 d10 d12 d14
## d8 1.000000 0.6255833 0.7108079 0.5998338
## d10 0.6255833 1.0000000 0.6348775 0.7593268
## d12 0.7108079 0.6348775 1.0000000 0.7949980
## d14 0.5998338 0.7593268 0.7949980 1.0000000
```

Correlações por sexo:

```
with(potthoffroy,by(potthoffroy[,-c(1,2)],sex,cor))
## sex: F
##
              d8
                        d10
                                             d14
                                  d12
## d8 1.0000000 0.8300900 0.8623146 0.8413558
## d10 0.8300900 1.0000000 0.8954156 0.8794236
## d12 0.8623146 0.8954156 1.0000000 0.9484070
## d14 0.8413558 0.8794236 0.9484070 1.0000000
## sex: M
                       d10
##
              d8
                                  d12
## d8 1.0000000 0.4373932 0.5579310 0.3152311
## d10 0.4373932 1.0000000 0.3872909 0.6309234
## d12 0.5579310 0.3872909 1.0000000 0.5859866
## d14 0.3152311 0.6309234 0.5859866 1.0000000
Transformação dos dados para o formato longo:
dados=reshape(data=potthoffroy,direction="long", idvar="id", v.names="resp",
              varying = list(names(potthoffroy)[3:6]), time= c(8,10,12,14), timevar="tempo")
dados=arrange(dados, id) #Ordenamos os dados por ID, função do pacote plyr
Gráficos de perfis:
p1=ggplot(dados, aes(x=tempo, y=resp, color=sex)) + theme_bw() +
   geom_line(aes(group=id)) + theme(legend.position="top") +
   scale_x_continuous(breaks=unique(dados$tempo))
p2 = p1 + geom_smooth(method="loess", se=FALSE, size=2)
grid.arrange(p1,p2,ncol=2)
                 sex — F — M
                                                                sex = F
   32
                                                  32
   28
                                                  28
 ds<sub>24</sub>
                                                ds<sub>24</sub>
   20
                                                  20
   16
                                                  16
                   10
                               12
                                                                  10
                                                                              12
                                                                                         14
                       tempo
                                                                     tempo
```

O modelo a ajustado é dado pela expressão a seguir:

$$E(Y_{ij}) = \beta_0 + \beta_1 \times sexo_i + \beta_2 \times tempo_j + \beta_3 \times tempo_j \times sexo_i$$
.

Estimador GEE

Considere os quatro ajustes GEE realizados.

```
library(geepack)
gee2.ind<-geeglm(resp ~ sex*tempo, id=id, corstr="independence", data=dados) #Independente</pre>
gee2.exch<-geeglm(resp ~ sex*tempo, id=id, corstr="exchangeable", data=dados) #Simetria composta
gee2.ar1<-geeglm(resp ~ sex*tempo, id=id, corstr="ar1", data=dados) #AR(1)</pre>
gee2.unst<-geeglm(resp ~ sex*tempo, id=id, corstr="unstructured", data=dados) #Não estruturada
Resultados:
# Independente
round(coef(summary(gee2.ind)),3)
##
               Estimate Std.err
                                    Wald Pr(>|W|)
## (Intercept)
                           0.725 573.869
                 17.373
                                            0.000
## sexM
                  -1.032
                           1.378
                                   0.561
                                            0.454
                                            0.000
## tempo
                  0.480
                           0.063 57.697
## sexM:tempo
                  0.305
                           0.117
                                   6.803
                                            0.009
# Simetria composta
round(coef(summary(gee2.exch)),3)
##
               Estimate Std.err
                                    Wald Pr(>|W|)
                                            0.000
## (Intercept)
                 17.373
                           0.725 573.869
## sexM
                 -1.032
                           1.378
                                   0.561
                                            0.454
## tempo
                  0.480
                                  57.697
                                            0.000
                           0.063
## sexM:tempo
                  0.305
                           0.117
                                   6.803
                                            0.009
# AR(1)
round(coef(summary(gee2.ar1)),3)
##
               Estimate Std.err
                                    Wald Pr(>|W|)
## (Intercept)
                 17.312
                           0.792 477.573
                                            0.000
## sexM
                 -0.659
                           1.526
                                   0.186
                                            0.666
## tempo
                  0.484
                           0.063
                                  58.979
                                            0.000
                                            0.022
## sexM:tempo
                  0.283
                           0.124
                                   5.216
# Não estruturada
round(coef(summary(gee2.unst)),3)
               Estimate Std.err
##
                                    Wald Pr(>|W|)
## (Intercept)
                 17.397
                           0.724 576.702
                                            0.000
                  -1.074
                                   0.609
                                            0.435
## sexM
                           1.376
## tempo
                  0.478
                           0.064
                                  56.023
                                            0.000
## sexM:tempo
                  0.310
                                   6.997
                                            0.008
                           0.117
```

- Conclusões:
 - As estimativas de erro padrão dos coeficientes são similares entre as diferentes estruturas, o que mostra a robustez do método GEE à má especificação da estrutura de dependência entre as medidas repetidas.
 - O efeito de interação é significativo em todas as análises.
 - Podemos concluir que meninos e meninas crescem em ritmos distintos.

Modelo Misto

Vamos agora repetir a análise, mas considerando o modelo misto. Ajustaremos dois modelos, um com intercepto aleatório apenas, e outro com intercepto e inclinação aleatórios.

Modelo com intercepto aleatório:

```
E(Y_{ij}|b_i) = \beta_0 + b_{0i} + \beta_1 \times sexo_i + \beta_2 \times tempo_j + \beta_3 \times tempo_j \times sexo_i.
```

Modelo com intercepto e inclinação aleatórios:

```
E(Y_{ij}|b_i) = \beta_0 + b_{0i} + \beta_{1i} \times sexo_i + \beta_2 \times tempo_j + b_{1i} \times tempo_j + \beta_3 \times tempo_j \times sexo_i.
```

```
lme1 <-lme(resp~sex*tempo, random= ~1|id,data=dados)
lme2 <-lme(resp~sex*tempo, random= ~tempo|id,data=dados)</pre>
```

Para o primeiro modelo, obtemos:

```
summary(lme1)
```

```
## Linear mixed-effects model fit by REML
##
    Data: dados
##
          AIC
                   BIC
                           logLik
##
     445.7572 461.6236 -216.8786
##
## Random effects:
##
    Formula: ~1 | id
##
           (Intercept) Residual
## StdDev:
              1.816214 1.386382
##
## Fixed effects: resp ~ sex * tempo
##
                   Value Std.Error DF
                                         t-value p-value
## (Intercept) 17.372727 1.1835071 79 14.679023 0.0000
               -1.032102 1.5374208 25 -0.671321
                                                  0.5082
## sexM
## tempo
                0.479545 0.0934698 79
                                        5.130483
                                                  0.0000
                0.304830 0.1214209 79
## sexM:tempo
                                        2.510520 0.0141
##
    Correlation:
##
              (Intr) sexM
                             tempo
              -0.770
## sexM
## tempo
              -0.869 0.669
## sexM:tempo 0.669 -0.869 -0.770
##
## Standardized Within-Group Residuals:
##
                        Q1
           Min
                                    Med
                                                 Q3
                                                             Max
## -3.59804400 -0.45461690 0.01578365 0.50244658 3.68620792
##
## Number of Observations: 108
## Number of Groups: 27
Para o segundo modelo, obtemos:
```

summary(lme2)

```
## Linear mixed-effects model fit by REML
## Data: dados
## AIC BIC logLik
## 448.5817 469.7368 -216.2908
```

```
##
## Random effects:
   Formula: ~tempo | id
   Structure: General positive-definite, Log-Cholesky parametrization
##
##
               StdDev
                         Corr
## (Intercept) 2.4055009 (Intr)
## tempo
               0.1803455 -0.668
## Residual
               1.3100396
##
## Fixed effects: resp ~ sex * tempo
                   Value Std.Error DF
                                        t-value p-value
## (Intercept) 17.372727 1.2283958 79 14.142614 0.0000
## sexM
               -1.032102 1.5957329 25 -0.646789
                                                 0.5237
## tempo
                0.479545 0.1037193 79
                                      4.623492
                                                 0.0000
## sexM:tempo
                0.304830 0.1347353 79 2.262432 0.0264
##
   Correlation:
##
              (Intr) sexM
                            tempo
## sexM
              -0.770
              -0.880 0.678
## tempo
## sexM:tempo 0.678 -0.880 -0.770
##
## Standardized Within-Group Residuals:
##
                          Q1
           Min
                                                    QЗ
                                                                 Max
                                      Med
## -3.168077732 -0.385939009 0.007104087 0.445154545 3.849463576
##
## Number of Observations: 108
## Number of Groups: 27
```

Os dois modelos permitem conclusões semelhantes com relação aos efeitos fixos. Os efeitos aleatórios podem ser acessados via:

ranef(lme1)

```
##
      (Intercept)
## 1
     -1.11090166
## 2
       0.30748171
## 3
       0.96212019
## 4
       1.94407791
## 5
     -0.01983753
## 6
     -1.32911449
## 7
       0.30748171
       0.63480095
## 8
## 9
     -1.32911449
## 10 -3.62034916
## 11 3.25335486
## 12 2.42761769
## 13 -1.39110677
## 14 -0.62736188
## 15 1.44565997
## 16 -1.71842601
## 17
       1.22744715
## 18 -1.06378753
## 19 -0.95468112
## 20 0.13638302
## 21 3.95510748
```

```
## 22 -1.17289394
## 23 -0.62736188
## 24 -0.62736188
## 25 -0.08182981
       0.79102150
## 27 -1.71842601
ranef(lme2)
##
      (Intercept)
                          tempo
## 1
     -0.64132024 -0.044754845
## 2
      -0.66020223
                   0.090293750
## 3
     -0.24892689
                   0.113565208
## 4
       1.66111350
                  0.028212826
## 5
       0.57096833 -0.054963721
      -0.82630563 -0.048057940
       0.05820188 0.023482879
## 7
       1.41328613 -0.071778786
## 9
      -0.53894398 -0.074782288
## 10 -2.98417340 -0.062697171
       2.19630252 0.101480090
       1.58201968 0.081009128
## 13 -1.15234167 -0.023562635
## 14 -0.43305242 -0.018682891
       2.97663819 -0.140968498
## 16 -1.64534099 -0.008474015
## 17
       1.35484459 -0.010649850
## 18 -0.94670401 -0.011926906
       0.36707567 -0.123853840
## 20 -0.43216727 0.053007723
## 21
       3.45164067
                   0.050682093
## 22 0.32577111 -0.140519109
## 23 -1.15145653
                   0.048127980
## 24 -3.88139215
                   0.302009290
       0.67597475 -0.070554939
## 26 -0.30825358 0.103003530
## 27 -0.78325605 -0.088647061
A comparação entre os dois modelos é realizada a seguir. O teste usual da razão de verossimilhança retorna:
anova(lme1,lme2)
##
        Model df
                       AIC
                                BIC
                                                Test L.Ratio p-value
                                       logLik
## lme1
               6 445.7572 461.6236 -216.8786
               8 448.5817 469.7368 -216.2908 1 vs 2 1.175588 0.5556
## 1me2
Como a hipótese testada está no limite do espaço paramétrico, um teste com melhores propriedades é dado
chisq=2*(lme2$logLik-lme1$logLik);chisq
## [1] 1.175588
0.5*pchisq(chisq, 1, lower.tail = FALSE) + 0.5*pchisq(chisq, 2, lower.tail = FALSE)
```

A hipótese nula não é rejeitada: devemos ficar com o modelo que possui apenas intercepto aleatório.

[1] 0.4169038

Conclusões gerais:

- Modelos mistos, aqui considerando que cada indivíduo tenha um intercepto aleatório, permitem que os dados sejam modelados de forma flexível.
- Pelos valores-p obtidos podemos responder às questões iniciais do estudo dizendo que existe diferença estatisticamente significativas entre as medidas ao longo do tempo.
- Podemos dizer que os sexos diferem com relação à resposta, sendo que os meninos apresentam as maiores medidas.
- O efeito da interação indica que essa diferença entre os sexos não pode ser considerada marginalmente, mas que depende do tempo em que é avaliada.