CE075 - Análise de Dados Longitudinais

Silva, J.L.P.

23 de setembro, 2019

Formulação em Dois Estágios

Formulação em dois Estágios do Modelo Linear Misto

No primeiro estágio as medidas longitudinais no i-ésimo indivíduo são modeladas como:

$$Y_i = Z_i \beta_i + \varepsilon_i,$$

em que Z_i covariáveis intra-indivíduo (ou tempo dependente) e $\varepsilon_i \sim N(0, \sigma^2 I_{n_i})$.

No segundo estágio, temos β_i aleatório (variando de indivíduo para indivíduo) tal que:

$$E(\beta_i) = A_i \beta$$
,

Formulação em dois Estágios do Modelo Linear Misto

em que A_i $(q \times p)$ contém somente covariáveis que variam entre indivíduos (não dependente do tempo) e

$$Var(\beta_i) = D.$$

Desta forma,

$$Y_i = Z_i(A_i\beta + b_i) + \varepsilon_i$$

= $X_i\beta + Z_ib_i + \varepsilon_i$

Ou seja, sob a restrição que

$$X_i = Z_i A_i$$

obtém-se o modelo de efeitos aleatórios.

Inferência Para o Modelo Misto

Inferência Para o Modelo Misto

Considere o modelo

$$Y_i = X_i \beta + Z_i b_i + \varepsilon_i,$$

em que, $b_i \sim N_q(0, D(\alpha))$ e $\varepsilon_{ij} \sim N(0, \sigma^2)$, b_i e ε_{ij} independentes.

Tem-se: p efeitos fixos e $\frac{q(q+1)}{2} + 1$ efeitos aleatórios.

Inferência Estatística para $\theta = (\beta, \alpha, \sigma^2)$:

- Máxima Verossimilhança.
- Máxima Verossimilhança Restrita.

Função de Verossimilhança

A função de verossimilhança é dada por:

$$L(\theta|y) = \prod_{i=1}^{N} p(y_i|\theta)$$

$$= \prod_{i=1}^{N} \int p(y_i, b_i|\theta) db_i$$

$$= \prod_{i=1}^{N} \int p(y_i|b_i, \theta) p(b_i|\theta) db_i$$

em que, $p(y_i|b_i,\theta) \sim N_{n_i}(X_i\beta + Z_ib_i,\sigma^2I_{n_i})$ e $p(b_i|\theta) \sim N_q(0,D)$.

Observações

- O EMV É obtido usando verossimilhança perfilada e iterações via algoritmo EM e/ou Newton-Raphson. Detalhes numéricos podem ser encontrados em Pinheiro e Bates (2000), Cap. 2.
- O EMVR também pode ser obtido através de

$$I^*(\theta) = I(\theta) + termo.$$

- A função 1me do R fornece EMVR e EMV usando um enfoque híbrido (EM + Newton-Raphson). Esta função é de autoria de Pinheiro e Bates.
- 4 EMV e EMVR têm assintoticamente as propriedades usuais de um estimador de máxima verossimilhança (consistência e normalidade).

Avaliação dos Componentes de Variância

- ① Número de componentes é igual a $\frac{q(q+1)}{2} + 1$ em que q é o número de efeitos aleatórios no modelo.
- 2 Muitas situações envolvem q=2 (intercepto e inclinação aleatórios) e portanto:

$$\frac{2(2+1)}{2}+1=4,$$

- que permite termos heterogeneidade de variâncias e covariâncias pois ficam em função do tempo.
- A escolha da "melhor" estrutura de variância-covariância pode ser realizada utilizando o teste da RMVR. Estes testes, usualmente, são na fronteira do espaço de parâmetros. Neste caso, a estatística da RMVR não tem, sob H₀, uma distribuição qui-quadrado.

Dist. da Estatística da RMVR sob H_0

1 A distribuição neste caso é uma mistura (50:50) de dist. qui-quadrado. Ou seja, por exemplo, para $H_0: \sigma_{\beta_1} = 0$

$$RMVR \sim 0.5\chi_q + 0.5\chi_{q+1}$$

② Exemplo Modelo completo: q=2 (intercepto e inclinação aleatórios) Modelo restrito: q=1 (somente intercepto aleatório) Teste usual (errado): nível de significância: 5,99 Teste correto:

$$RMVR \sim 0,5\chi_1+0,5\chi_2$$

nível é 5,14 (Tabela, Apend. C, Fitzmaurice et al, 2004).

3 Proposta ad hoc: para testar a 0,05, use o nível de 0,10.

Predição e Interpretação dos Efeitos Aleatórios

Objetivo: predizer perfis individuais ou identificar indivíduos acima ou abaixo do perfil médio.

Obs.: não dizemos estimar os efeitos pois os mesmos são aleatórios. Dizemos predizer os efeitos aleatórios.

Deseja-se:

$$\hat{Y}_i = \hat{E}(Y_i|b_i) = X_i\hat{\beta} + Z_i\hat{b}_i$$

e para tal necessita-se de \hat{b}_i , o chamado Estimador BLUP ("Best Linear Unbiased Predictor") de b_i .

No modelo linear misto,

- Y_i e b_i tem uma distribuição conjunta normal multivariada.
- Usando conhecidas propriedades da normal multivariada, temos que

$$E(b_i|Y_i,\widehat{\beta}) = DZ_i'Var(Y_i)^{-1}(Y_i - X_i\widehat{\beta})$$

Usando os estimadores MVR dos componentes de variância,

$$\widehat{b}_i = \widehat{D}Z_i'\widehat{Var}(Y_i)^{-1}(Y_i - X_i\widehat{\beta})$$

o BLUP de b_i.

Desta forma obtemos:

$$\widehat{Y}_{i} = X_{i}\widehat{\beta} + Z_{i}\widehat{b}_{i}
= X_{i}\widehat{\beta} + Z_{i}\widehat{D}Z'_{i}\widehat{Var}(Y_{i})^{-1}(Y_{i} - X_{i}\widehat{\beta})
= X_{i}\widehat{\beta} + (Z_{i}\widehat{D}Z'_{i} + \widehat{R}_{i} - \widehat{R}_{i})\widehat{Var}(Y_{i})^{-1}(Y_{i} - X_{i}\widehat{\beta})
= (\widehat{R}_{i}\widehat{Var}(Y_{i})^{-1})X_{i}\widehat{\beta} + (I_{n_{i}} - \widehat{R}_{i}\widehat{Var}(Y_{i})^{-1})Y_{i}$$

em que $R_i = Var(Y_i|b_i) = Var(\varepsilon)$.

Interpretação: média ponderada entre a média populacional $X_i\widehat{\beta}$ e o *i*-ésimo perfil observado. Isto significa que o perfil predito é "encolhido" na direção da média populacional.

A quantidade de "encolhimento" depende da magnitude de R_i e $Var(Y_i)$.

- R_i: variação intra-indivíduo:
- $Var(Y_i)$: variação total (entre e intra-indivíduo).

Quando R_i é relativamente grande, e a variabilidade intra indivíduo é maior que a variabilidade entre indivíduo, mais peso é atribuído a $X_i\hat{\beta}$, a média populacional estimada, do que à resposta individual observada.

Por outro lado, quando a variabilidade entre indivíduos é grande em relação à variabilidade intra indivíduos, mais peso é dado à resposta observada Y_i .

Finalmente, o grau de "encolhimento" em direção à média populacional também depende de n_i .

Em geral, há maior encolhimento em direção à curva media populacional quando n_i é pequeno.

Intuitivamente, isso faz sentido já que menos peso deve ser dado à trajetória observada do indivíduo quando menos dados estão disponíveis.