

# Projeto prático

## Machine Learning / Disciplina Algoritmos Não-Supervisionados para clusterização [22E4\_2]

Wilson Falcão

[Click aqui para acessar o GitHub do trabalho \(<https://github.com/wilsonfalcão/clusterizacao-trabalho-infnet>\)](https://github.com/wilsonfalcão/clusterizacao-trabalho-infnet)

Importando dependências para uso deste projeto

```
In [1]: import pandas as pd
import seaborn as sns
import matplotlib.pyplot as plt
from sklearn.cluster import KMeans
from sklearn.decomposition import PCA
import scipy.cluster.hierarchy as hier
import numpy as np
from sklearn.cluster import AgglomerativeClustering
from sklearn.cluster import DBSCAN
```

```
In [2]: social_economic_csv = pd.read_csv("Country-data.csv", sep=",", index_col=0)
```

Exibindo as 6 primeiras linhas (validando a leitura dados do csv)

```
In [3]: social_economic_csv.head(6)
```

```
Out[3]:
```

	child_mort	exports	health	imports	income	inflation	life_expec	total_fer	gdpp
country									
Afghanistan	90.2	10.0	7.58	44.9	1610	9.44	56.2	5.82	553
Albania	16.6	28.0	6.55	48.6	9930	4.49	76.3	1.65	4090
Algeria	27.3	38.4	4.17	31.4	12900	16.10	76.5	2.89	4460
Angola	119.0	62.3	2.85	42.9	5900	22.40	60.1	6.16	3530
Antigua and Barbuda	10.3	45.5	6.03	58.9	19100	1.44	76.8	2.13	12200
Argentina	14.5	18.9	8.10	16.0	18700	20.90	75.8	2.37	10300

Quantos países existem no dataset?

```
In [4]: print(len(social_economic_csv.index.unique()))
```

167

## Fase de análise exploratória do dado obtido e pré-processamento

Mostre através de gráficos a faixa dinâmica das variáveis que serão usadas nas tarefas de clusterização. Analise os resultados mostrados. O que deve ser feito com os dados antes da etapa de clusterização?

Chamando a função `describe` com atributo `T` (Transpose), do qual muda o posicionamento das features para exibição do gráfico. Desta forma é visto a média, desvio, mínimo, a faixa de valores com amostras de 25,50,75% para cada coluna. Abaixo verificamos uma informação que traduz bem quais são os tipos de problemas enfrentaremos com essa base,

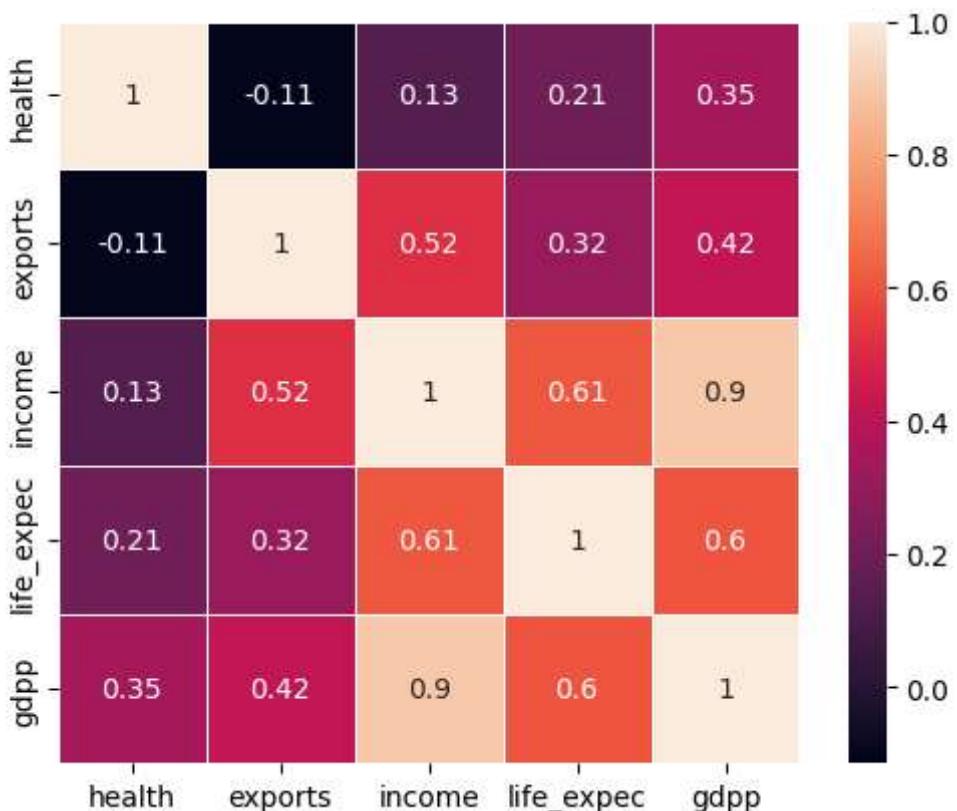
olhando a tabulação, temos as features gdpp, inflation, income e child\_mort apresentando o desvio muito maior que a média.

In [5]: `social_economic_csv.describe().T`

	count	mean	std	min	25%	50%	75%	max
<b>child_mort</b>	167.0	38.270060	40.328931	2.6000	8.250	19.30	62.10	208.00
<b>exports</b>	167.0	41.108976	27.412010	0.1090	23.800	35.00	51.35	200.00
<b>health</b>	167.0	6.815689	2.746837	1.8100	4.920	6.32	8.60	17.90
<b>imports</b>	167.0	46.890215	24.209589	0.0659	30.200	43.30	58.75	174.00
<b>income</b>	167.0	17144.688623	19278.067698	609.0000	3355.000	9960.00	22800.00	125000.00
<b>inflation</b>	167.0	7.781832	10.570704	-4.2100	1.810	5.39	10.75	104.00
<b>life_expec</b>	167.0	70.555689	8.893172	32.1000	65.300	73.10	76.80	82.80
<b>total_fer</b>	167.0	2.947964	1.513848	1.1500	1.795	2.41	3.88	7.49
<b>gdpp</b>	167.0	12964.155689	18328.704809	231.0000	1330.000	4660.00	14050.00	105000.00

Criando a variável de correção e exibindo. O uso da função de correção implica a análise da relação dos valores entre uma ou mais features de uma matriz. Para esse projeto, usaremos na exploração do dado a fim de obter apenas uma estrutura mais coesa para classificação, considerando o Coeficiente de Correlação de Person. Faremos a clusterização considerando as features por coeficiente de correlação entre 0.3 a 1, levando em conta as demais colunas no intuito de diminuir a amplitude e melhorar desempenho. Neste caso apenas consideraremos: export, life\_expec, gdpp, income, health

In [6]: `social_matriz = social_economic_csv # export health income Life_expect  
sm_social_economic = social_matriz[['health','exports','income','life_expec','gdpp']]  
social_matriz_corr = sm_social_economic.corr()  
sns.heatmap(social_matriz_corr, square=True, linewidths=.5, annot=True);`



Obtida a nova estrutura da matriz, onde a feature gdpp possui o coeficiente muito forte com income e forte para life\_expec, daremos início ao pré-processamento do dado na tentativa de descobrir outliers e isolá-los da clusterização

Com uso de uma amostragem de dados menor não foi possível encontrar uma maior correlação e isolamento de outliers. Para este caso, faremos uma condicional que apenas considerará valores de gdpp (Gross Domestic Product Population/PIB) 50% do desvio e abaixo da máxima pela média, desta forma obtendo uma amostragem de 56 em vez de 167.

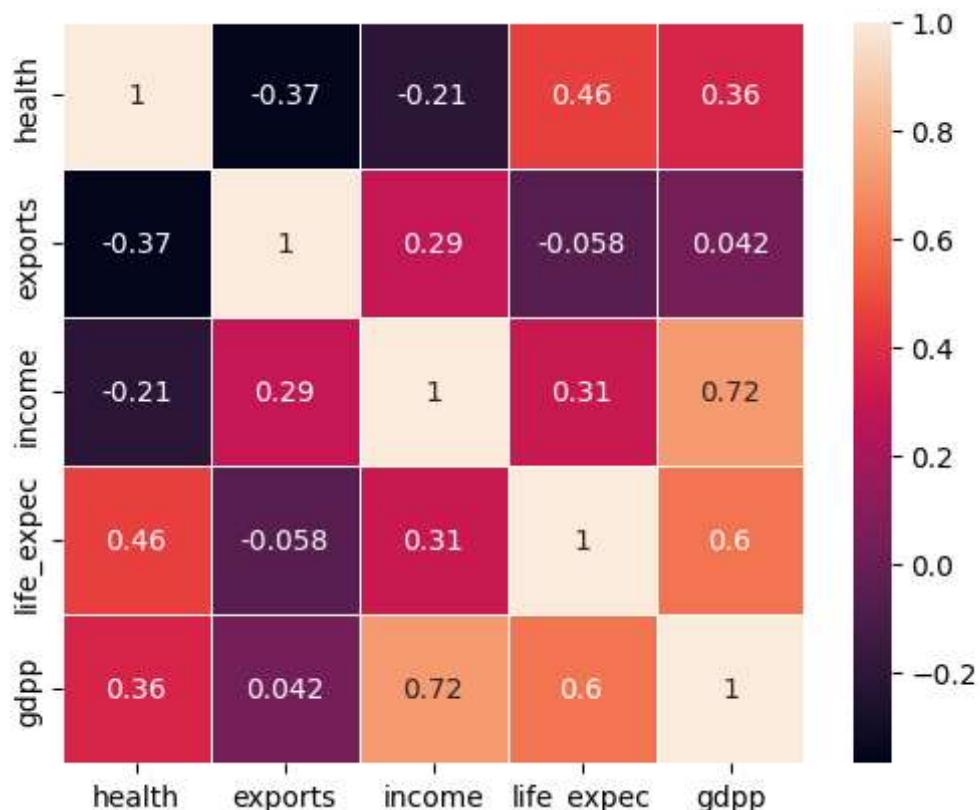
Realize o pré-processamento adequado dos dados.

```
In [7]: # Primeira amostragem de dados com valores abaixo ou igual mean + std  
sm_gdpp_social = sm_social_economic[sm_social_economic["gdpp"].between((sm_social_economic["g  
# Matriz sem o uso de equalização, deixando todos os países.  
sm_gdpp_social_non_equal = sm_social_economic  
sm_gdpp_social.describe().T
```

```
Out[7]:   count      mean       std      min     25%     50%     75%     max  
health    56.0  7.901250  3.015350  1.81  6.015  8.035  9.5625  17.9  
exports   56.0 52.596429 32.881473 10.70 29.175 47.800 66.1750 200.0  
income    56.0 36389.285714 19280.038463 14500.00 22600.000 33100.000 42975.0000 125000.0  
life_expec 56.0 78.033929 3.798960 60.90 76.075 79.300 80.5500 82.8  
gdpp     56.0 30676.785714 18262.738927 10300.00 13500.000 27450.000 44425.0000 87800.0
```

Através da função corr() é exibido a tabulação de correlação de cada feature, onde 1 é apenas a referência de correlação da feature por ela mesma. Desta forma, a informação acima demonstra que a tentativa de eliminar outliers da matriz pela fórmula ((mean - std) e (max - std)). Daremos progresso a próxima etapa através desse dado base.

```
In [8]: #sm_gdpp_social = sm_social_economic # Obtendo o valor padrão da planilha  
sns.heatmap(sm_gdpp_social.corr(), square=True, linewidths=.5, annot=True);
```

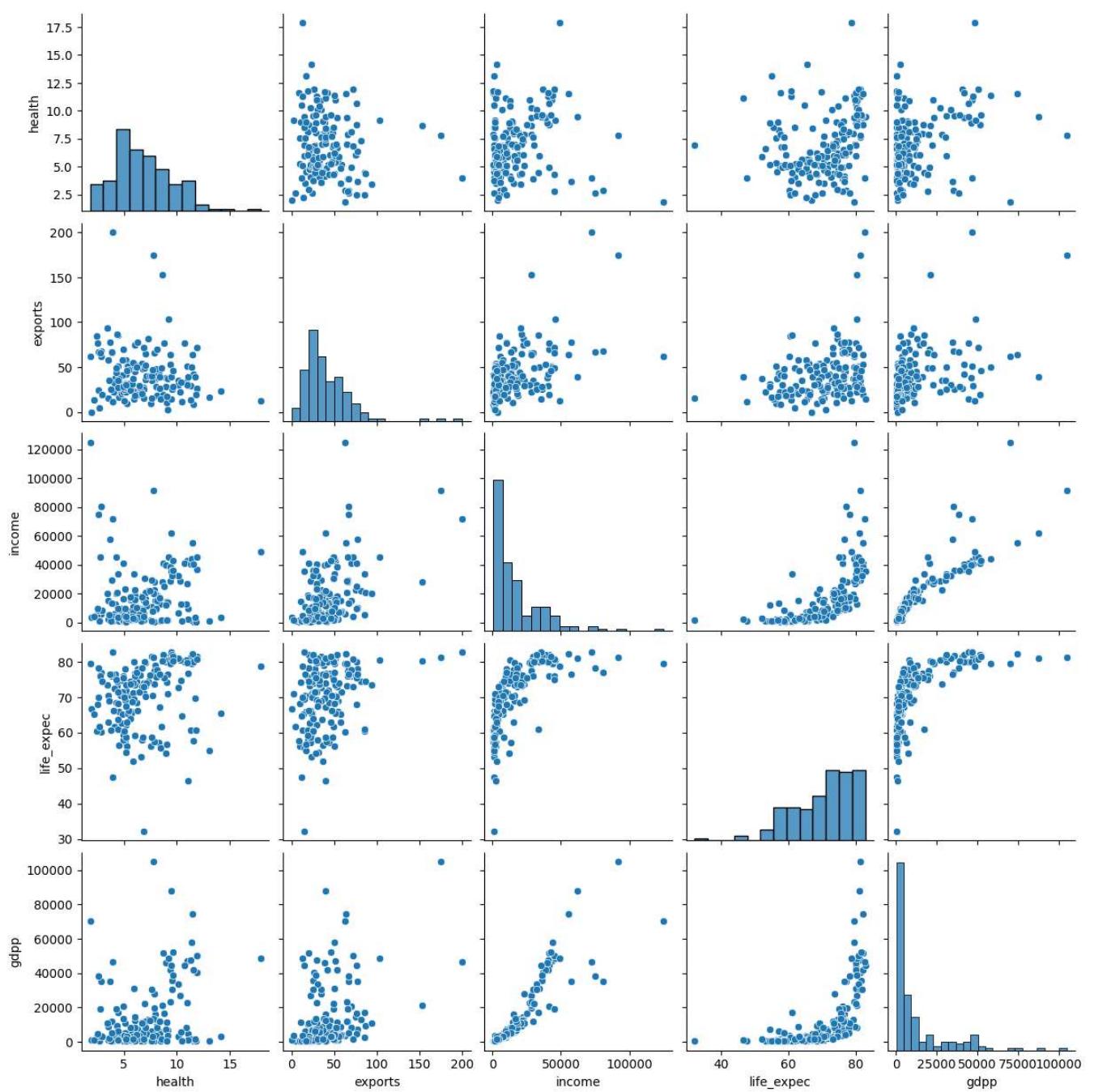


O objetivo desse projeto será responder a questões do enunciado sobre a perspectiva dos dados com correlação fraco a alto do GDPP(PIB). Neste ponto de vista, faremos a clusterização onde pontos centroids indicam similaridade dos 43 países.

Outra forma de verificar correlação é uso da função pairplot, do qual é possível verificar relação distribuída do dataset. Abaixo é possível verificar a diferença entre o dataset antes do pré-processamento e após dele, é notável que, os dados pré-processados (figura 02) são melhores distribuídos do que matriz base (figura 01).

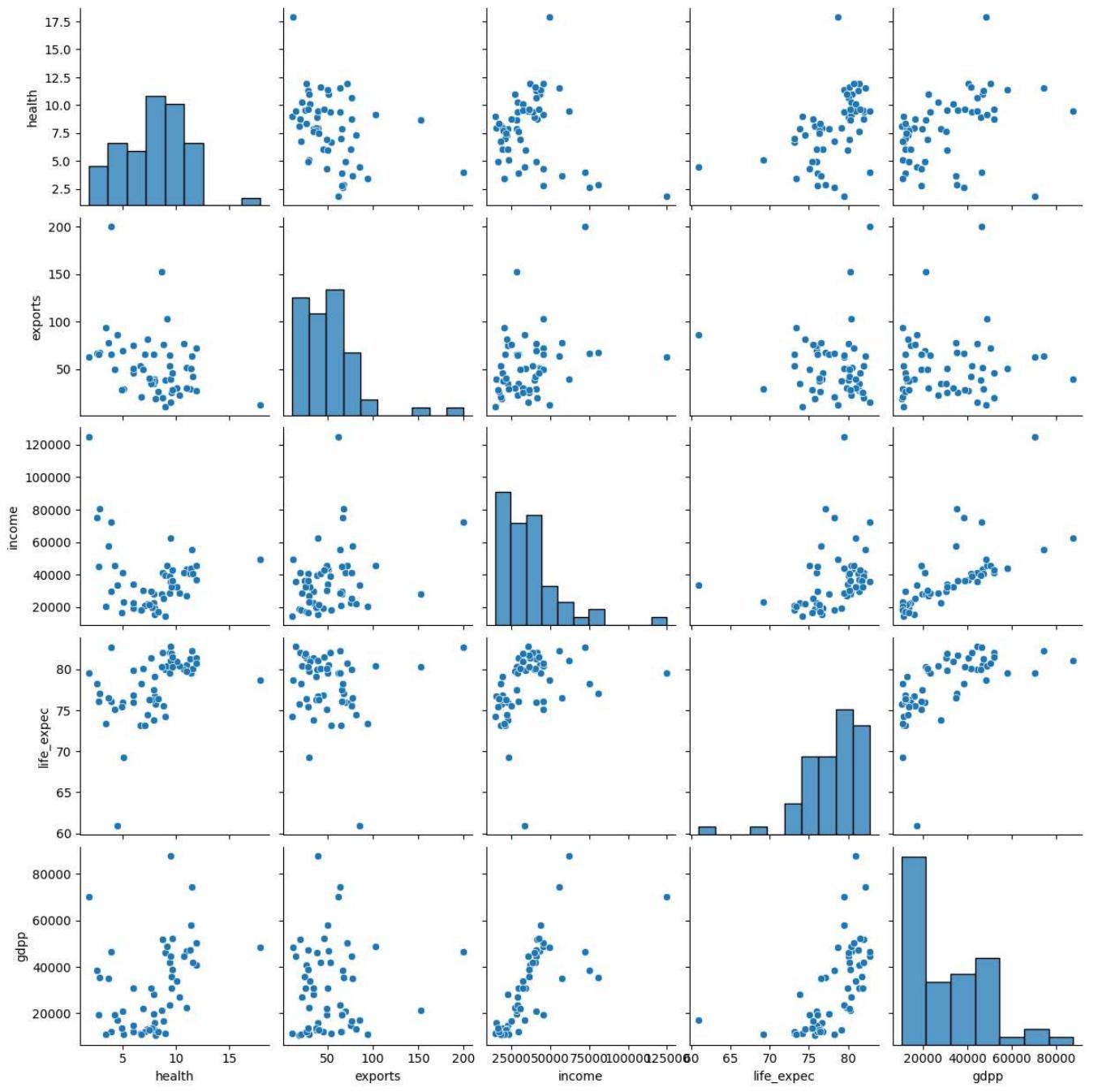
```
In [9]: # Figura 01  
sns.pairplot(sm_social_economic)
```

Out[9]: <seaborn.axisgrid.PairGrid at 0x19a0d3e1d50>



In [10]: # Figura 02  
sns.pairplot(sm\_gdpp\_social)

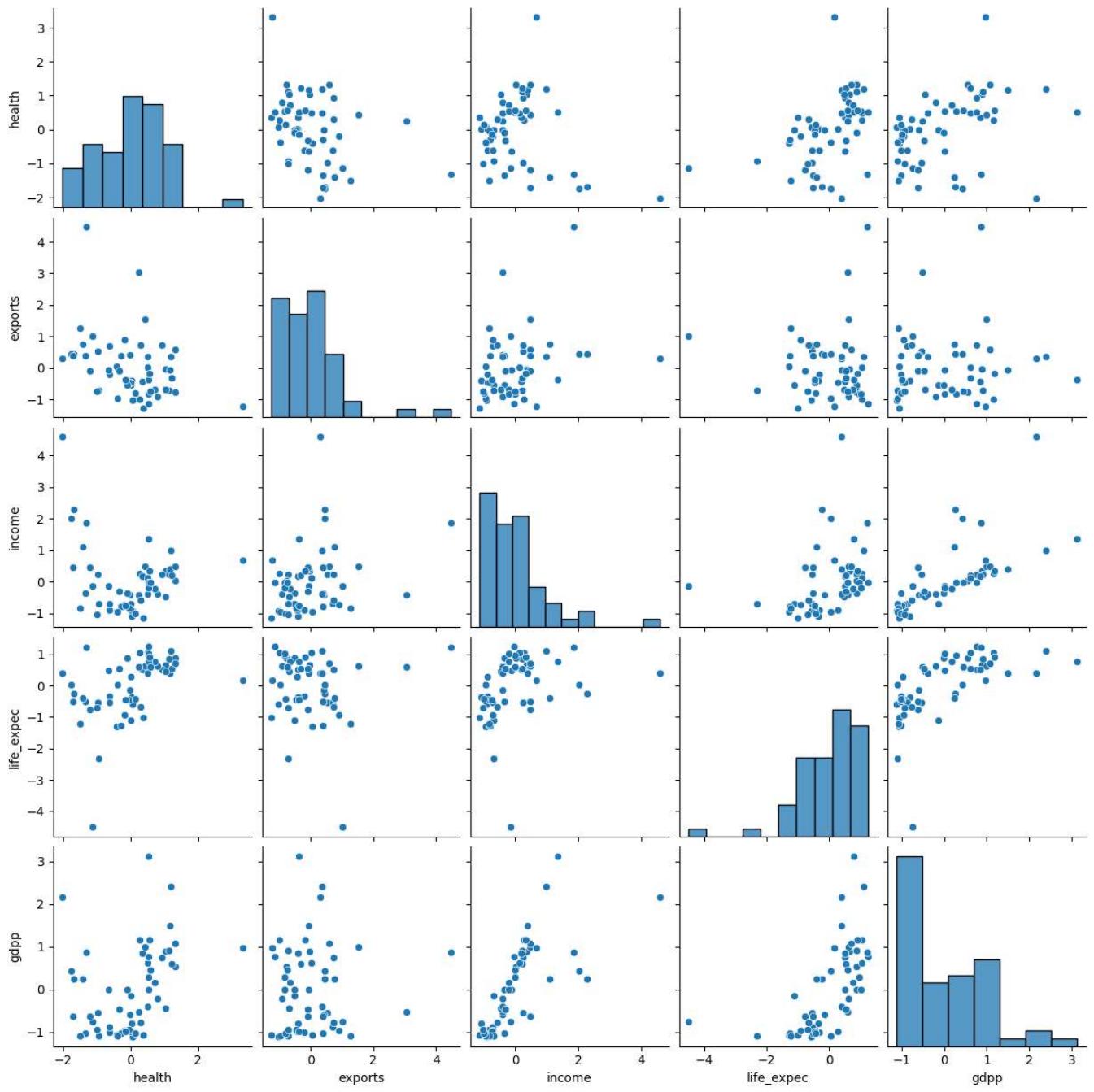
Out[10]: <seaborn.axisgrid.PairGrid at 0x19a11174cd0>



Com tudo, através do gráfico acima, ainda podemos visualizar a distribuição de alguns valores/plots distantes do baricentro. Faremos a normalização do dataset na tentativa de diminuir a distância euclidiana entre os pontos. Desta vez, usaremos a fórmula (subtrair pela média e dividir pelo desvio) e não a função scale do scikitlearning.

```
In [11]: # A normalização será dada pelo valor real menos a média, dividido pelo desvio.
sm_social_normalized = (sm_gdpp_social-sm_gdpp_social.mean())/sm_gdpp_social.std()
sm_social_normalized_non_equal = (sm_gdpp_social_non_equal-sm_gdpp_social_non_equal.mean())/sm_gdpp_social_non_equal.std()
sns.pairplot(sm_social_normalized)
```

```
Out[11]: <seaborn.axisgrid.PairGrid at 0x19a138f1190>
```



Função fornecida em ambiente virtual para plotar/descobrir o melhor N para clusterização através da interpretação do gráfico de cotovel.

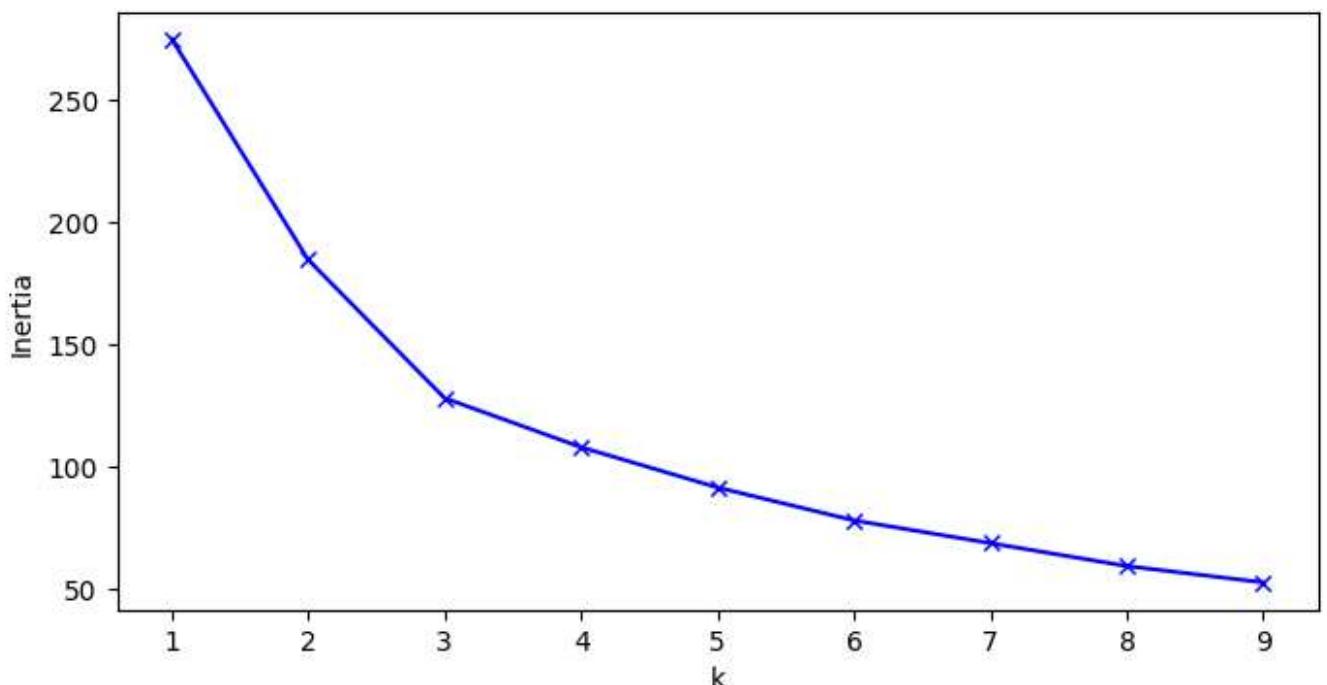
In [12]: `def plot_inertia(df, kmin=1, kmax=10, figsize=(8, 4)):`

```

    _range = range(kmin, kmax)
    inertias = []
    for k in _range:
        kmeans = KMeans(n_clusters=k)
        kmeans.fit(df)
        inertias.append(kmeans.inertia_)

    plt.figure(figsize=figsize)
    plt.plot(_range, inertias, 'bx-')
    plt.xlabel('k')
    plt.ylabel('Inertia')
    plt.show()

plot_inertia(sm_social_normalized)
```



Através da interpretação do gráfico é obtido o valor de  $k = 3$ . Desta forma, o gráfico de cotovelo talvez poderia entregar o número de clusters próximo de um cenário requerido

## Daremos início a fase de clusterização do dataset

Realizar o agrupamento dos países em 3 grupos distintos. Para tal, use: K-Médias e Clusterização Hierárquica

```
In [13]: kmeans = KMeans(n_clusters=3)
k_social_life_expect = kmeans.fit(sm_social_normalized)
sm_social_economic_clusters = sm_gdpp_social.copy()
sm_social_economic_clusters["k_clusters"] = k_social_life_expect.labels_
sm_social_economic_clusters_colors = list(map(lambda x: '#3b4cc0' if x == 1 else '#b40426', s
sm_social_economic_clusters
```

Out[13]:

	health	exports	income	life_expec	gdpp	k_clusters
country						
<b>Antigua and Barbuda</b>	6.03	45.5	19100	76.8	12200	2
<b>Argentina</b>	8.10	18.9	18700	75.8	10300	2
<b>Australia</b>	8.73	19.8	41400	82.0	51900	1
<b>Austria</b>	11.00	51.3	43200	80.5	46900	1
<b>Bahamas</b>	7.89	35.0	22900	73.8	28000	2
<b>Bahrain</b>	4.97	69.5	41100	76.0	20700	2
<b>Barbados</b>	7.97	39.5	15300	76.7	16000	2
<b>Belgium</b>	10.70	76.4	41100	80.0	44400	1
<b>Brazil</b>	9.01	10.7	14500	74.2	11200	2
<b>Brunei</b>	2.84	67.4	80600	77.1	35300	0
<b>Canada</b>	11.30	29.1	40700	81.3	47400	1
<b>Chile</b>	7.96	37.7	19400	79.1	12900	2
<b>Croatia</b>	7.76	37.6	20100	76.3	13500	2
<b>Cyprus</b>	5.97	50.2	33900	79.9	30800	2
<b>Czech Republic</b>	7.88	66.0	28300	77.5	19800	2
<b>Denmark</b>	11.40	50.5	44000	79.5	58000	1
<b>Equatorial Guinea</b>	4.48	85.8	33700	60.9	17100	2
<b>Estonia</b>	6.03	75.1	22700	76.0	14600	2
<b>Finland</b>	8.95	38.7	39800	80.0	46200	1
<b>France</b>	11.90	26.8	36900	81.4	40600	1
<b>Germany</b>	11.60	42.3	40400	80.1	41800	1
<b>Greece</b>	10.30	22.1	28700	80.4	26900	1
<b>Hungary</b>	7.33	81.8	22300	74.5	13100	2
<b>Iceland</b>	9.40	53.4	38800	82.0	41900	1
<b>Ireland</b>	9.19	103.0	45700	80.4	48700	1
<b>Israel</b>	7.63	35.0	29600	81.4	30600	1
<b>Italy</b>	9.53	25.2	36200	81.7	35800	1
<b>Japan</b>	9.49	15.0	35800	82.8	44500	1
<b>Kuwait</b>	2.63	66.7	75200	78.2	38500	0
<b>Latvia</b>	6.68	53.7	18300	73.1	11300	2
<b>Libya</b>	3.88	65.6	29600	76.1	12100	2
<b>Lithuania</b>	7.04	65.3	21100	73.2	12000	2
<b>Malta</b>	8.65	153.0	28300	80.3	21100	2
<b>Netherlands</b>	11.90	72.0	45500	80.7	50300	1
<b>New Zealand</b>	10.10	30.3	32300	80.9	33700	1
<b>Norway</b>	9.48	39.7	62300	81.0	87800	1
<b>Oman</b>	2.77	65.7	45300	76.1	19300	2
<b>Poland</b>	7.46	40.1	21800	76.3	12600	2

country	health	exports	income	life_expec	gdpp	k_clusters
Portugal	11.00	29.9	27200	79.8	22500	1
Qatar	1.81	62.3	125000	79.5	70300	0
Russia	5.08	29.2	23100	69.2	10700	2
Saudi Arabia	4.29	49.6	45400	75.1	19300	2
Seychelles	3.40	93.8	20400	73.4	10800	2
Singapore	3.96	200.0	72100	82.7	46600	0
Slovak Republic	8.79	76.3	25200	75.5	16600	2
Slovenia	9.41	64.3	28700	79.5	23400	2
South Korea	6.93	49.4	30400	80.1	22100	2
Spain	9.54	25.5	32500	81.9	30700	1
Sweden	9.63	46.2	42900	81.5	52100	1
Switzerland	11.50	64.0	55500	82.2	74600	1
Turkey	6.74	20.4	18000	78.2	10700	2
United Arab Emirates	3.66	77.7	57600	76.5	35000	0
United Kingdom	9.64	28.2	36200	80.3	38900	1
United States	17.90	12.4	49400	78.7	48400	1
Uruguay	8.35	26.3	17100	76.4	11900	2
Venezuela	4.91	28.5	16500	75.4	13500	2

Acima a relação de cada país pelo seu agrupamento, dela podemos observar que Brasil, Argentina e Venezuela (países emergentes) foram classificadas no mesmo grupo, seguindo pelas superpotências Estados Unidos, Reino Unido e Alemanha

In [14]: `sm_social_economic_clusters.groupby("k_clusters").mean()`

Out[14]:

k_clusters	health	exports	income	life_expec	gdpp
0	2.980000	94.820000	82100.000000	78.800000	45140.000000
1	10.513478	40.730435	40265.217391	80.891304	45417.391304
2	6.634286	54.803571	25042.857143	75.550000	15985.714286

Acima vemos que após a clusterização, foi classificado cada país com a seguinte ordenação (média): No cluster 0, os países com a menor concentração de PIB e expectativa de vida e o segundo maior em média com despesas com saúde. No cluster 1, os países com maior concentração de PIB, o primeiro com a maior média de expectativa de vida e gastos com saúde. No cluster 2, os países que representam a maior média de exportação e renda per capita, segundo maior PIB e expectativa de vida com a menor média com despesa em saúde.

In [15]: `centroids = k_social_life_expect.cluster_centers_
sm_social_economic_clusters["k_clusters"].value_counts()`

Out[15]:

2	28
1	23
0	5
Name: k_clusters, dtype: int64	

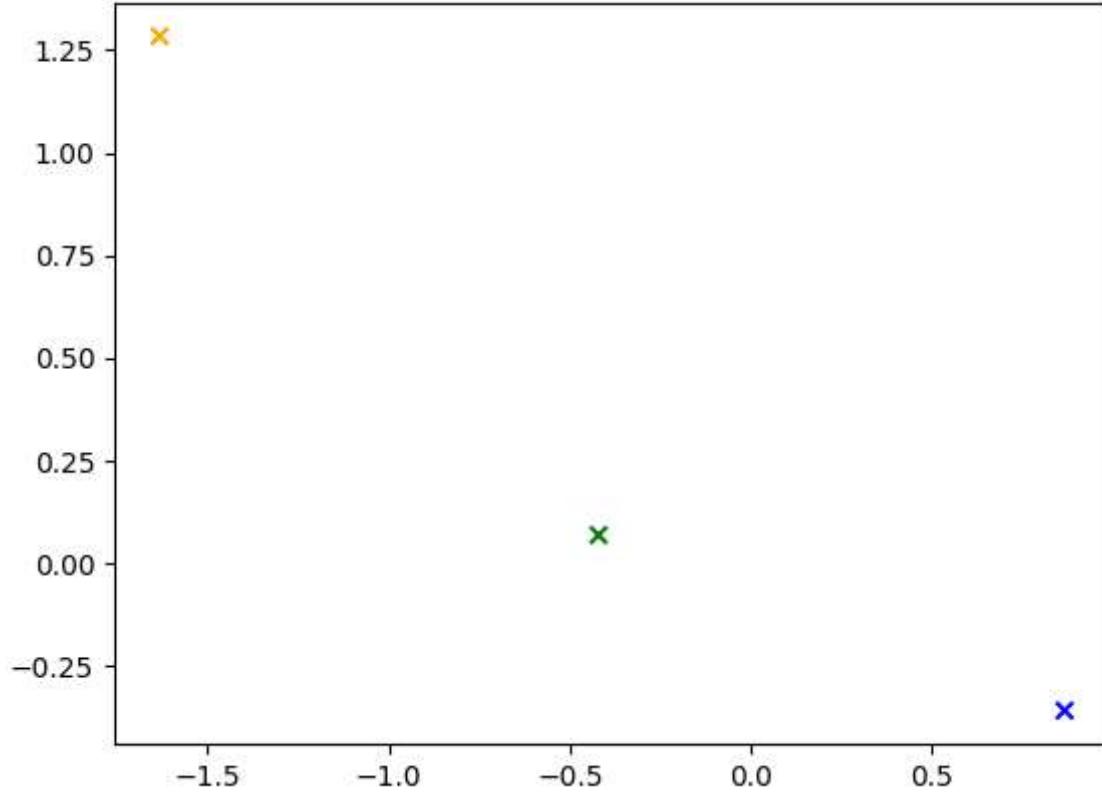
In [16]: `centroids`

```
Out[16]: array([[-1.63206601,  1.28411436,  2.37088294,  0.20165291,  0.79195209],
   [ 0.86631017, -0.36087172,  0.2010334 ,  0.75214675,  0.80714101],
   [-0.42017157,  0.06712421, -0.58850653, -0.65384428, -0.80442871]])
```

Foram classificados: 23 países para o cluster 0, 28 países para o cluster 1 e 5 para o cluster 2

```
In [17]: plt.scatter(centroids[:,0],centroids[:,1],marker = "x",c=[ 'orange', 'blue','green'])
```

```
Out[17]: <matplotlib.collections.PathCollection at 0x19a15156bd0>
```



```
In [18]: sm_social_normalized[sm_social_normalized["gdpp"] >= 0.8]
```

```
Out[18]:      health    exports    income  life_expec      gdpp
```

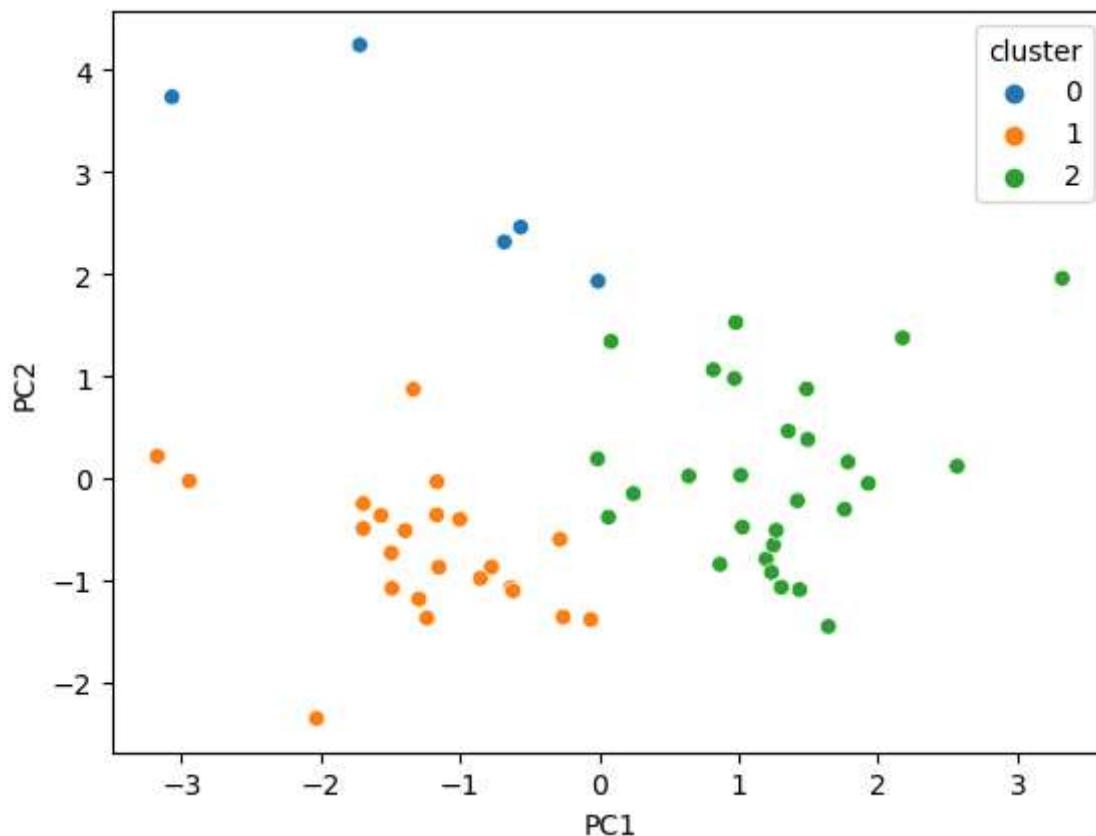
country	health	exports	income	life_expec	gdpp
<b>Australia</b>	0.274844	-0.997414	0.259891	1.043989	1.162105
<b>Austria</b>	1.027659	-0.039427	0.353252	0.649144	0.888323
<b>Canada</b>	1.127149	-0.714580	0.223584	0.859728	0.915701
<b>Denmark</b>	1.160313	-0.063757	0.394746	0.385914	1.496118
<b>Finland</b>	0.347804	-0.422622	0.176904	0.517529	0.849994
<b>Ireland</b>	0.427397	1.532887	0.482920	0.622821	0.986885
<b>Netherlands</b>	1.326131	0.590107	0.472546	0.701790	1.074495
<b>Norway</b>	0.523571	-0.392210	1.343914	0.780759	3.127856
<b>Qatar</b>	-2.020081	0.295108	4.595982	0.385914	2.169621
<b>Singapore</b>	-1.307062	4.482876	1.852212	1.228250	0.871896
<b>Sweden</b>	0.573317	-0.194530	0.337692	0.912374	1.173056
<b>Switzerland</b>	1.193477	0.346808	0.991218	1.096635	2.405073
<b>United States</b>	3.315950	-1.222464	0.674828	0.175330	0.970458

Observando os valores dos pontos centroids para o cluster 2, vemos que os países que melhor representam esse centroid possuem o valor mais próximo da média é Singapura e Qatar.

```
In [19]: # Função de plot de distribuição para algoritimos do Kmeans
def plot_cluster_points(df, kmeans):
    pca = PCA(2)
    pca_data = pd.DataFrame(pca.fit_transform(df), columns=['PC1', 'PC2'])
    pca_data['cluster'] = pd.Categorical(kmeans.labels_)
    sns.scatterplot(x="PC1", y="PC2", hue="cluster", data=pca_data)

# Função de plot de distribuição para algoritimos do dbScan
def plot_dbScan_points(df, dbscan):
    pca = PCA(2)
    pca_data = pd.DataFrame(pca.fit_transform(df), columns=['PC1', 'PC2'])
    pca_data['cors'] = pd.Categorical(dbscan.labels_)
    sns.scatterplot(x="PC1", y="PC2", hue="cors", data=pca_data)
```

```
In [20]: plot_cluster_points(sm_social_normalized, kmeans)
```

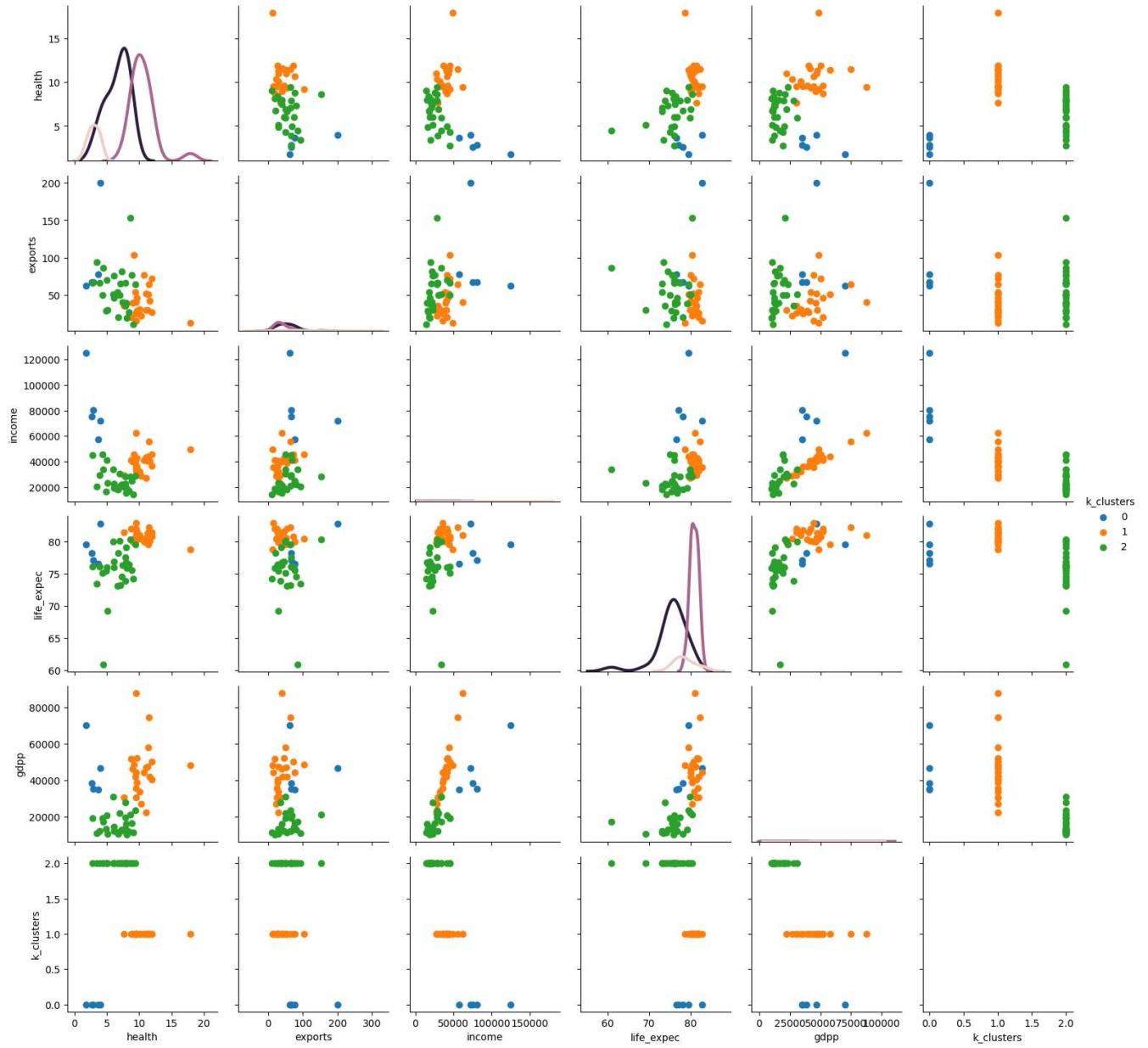


Através do gráfico de distribuição podemos verificar que apenas o cluster 0 possui uma aglomeração mais homogênea e o cluster 2 uma inconformidade de distâncias.

```
In [21]: g = sns.PairGrid(sm_social_economic_clusters, vars=sm_social_economic_clusters.columns.values)
g.map_diag(sns.kdeplot, lw=3)
g.map_offdiag(plt.scatter)
#g.map(plt.scatter) todas as celulas serao scatter.
g.add_legend()
```

```
c:\Users\Viana e Moura\Desktop\Trabalho para entrega\projeto\env\Lib\site-packages\seaborn\axisgrid.py:1507: UserWarning: Dataset has 0 variance; skipping density estimate. Pass `warn_singular=False` to disable this warning.
  func(x=vector, **plot_kwargs)
```

```
Out[21]: <seaborn.axisgrid.PairGrid at 0x19a178e52d0>
```



Com gráfico Pair Grid temos a distribuição correlacionada, onde podemos afirmar uma distribuição quase linear do PIB (GDPP) com expectativa de vida (life\_expect) entre todos os clusters. É correto afirmar que o clusters 2, onde apresenta a minoria dos países e maior amplitude de valores do dataset possui uma melhor divisão quando a correlação é com a feature Renda per capita (income).

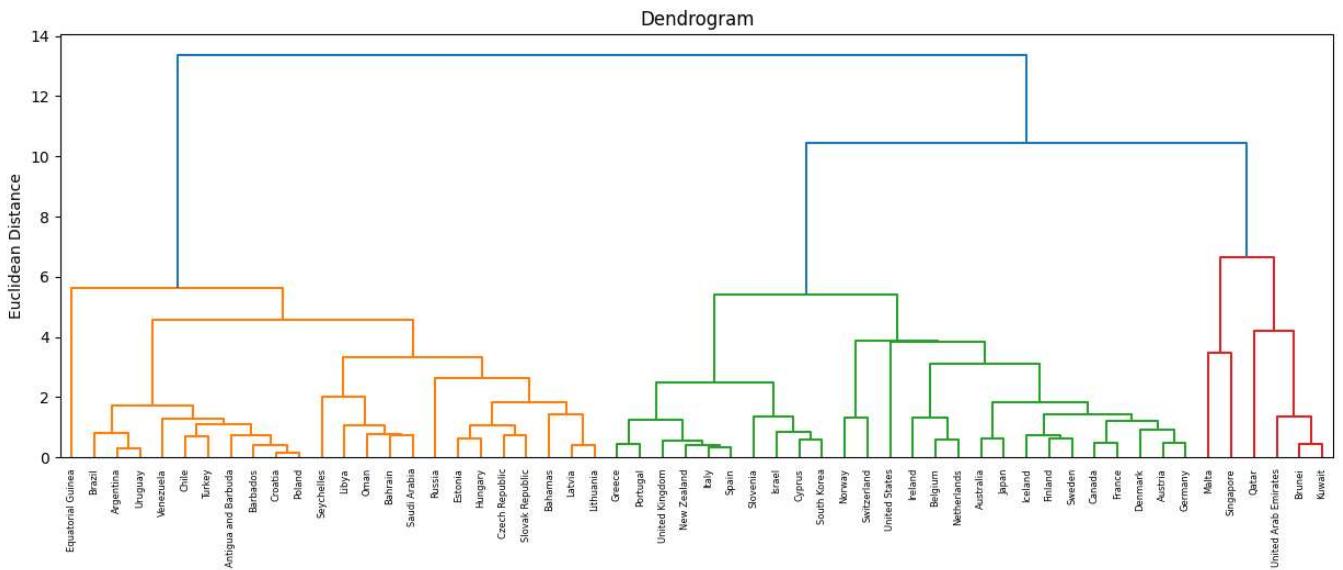
Para os resultados da Clusterização Hierárquica, apresente o dendrograma e interprete os resultados

In [22]:

```
plt.figure(figsize=(15, 5))
plt.grid(False)
dendrogram = hier.dendrogram(hier.linkage(sm_social_normalized, method='ward'), labels=sm_soc
plt.title('Dendrogram')
plt.ylabel('Euclidean Distance')
```

Out[22]:

Text(0, 0.5, 'Euclidean Distance')



Acima podemos visualizar o Dendograma hierárquico de clusterização, esse diagrama apresenta outra abordagem de clusterização que permite analisar cada dado e classificá-los por método quantitativo, desforma criando um conjunto de classes agrupadas e ordenadas de forma hierárquica. A partir do plot do Dendograma acima, podemos dizer as seguintes observações:

- De mesma forma do qual foi clusterizado pelo Kmeans do scikit-learning, foram divididos em três classes no modelo hierárquico. O que podemos dizer que atualmente a classe 3 possui a menor quantidade de países (no total de 6) e maior amplitude de valor (algo já visto no Kmeans), mas não com os mesmos países.
- A faixa de valores da classe 3 é visivelmente maior do que as demais classes, colocando-a distante dos outros conjuntos.
- Na classe 2 tem o maior número de países semelhantes (com a mesma faixa de valor).
- É correto afirmar que para todas as classes, a perna esquerda de cada conjunto possui uma faixa de valor menor em relação à sua direita.
- Há regiões de confusão em todas as classes, sendo maior a distância na classe 03.

In [23]:

```
def plot_dendrogram(model, **kwargs):
    # Children of hierarchical clustering
    children = model.children_

    # Distances between each pair of children
    # Since we don't have this information, we can use a uniform one for plotting
    distance = np.arange(children.shape[0])

    # The number of observations contained in each cluster level
    no_of_observations = np.arange(2, children.shape[0]+2)

    # Create linkage matrix and then plot the dendrogram
    linkage_matrix = np.column_stack([children, distance, no_of_observations]).astype(float)

    # Plot the corresponding dendrogram
    hier.dendrogram(linkage_matrix, **kwargs)

# from sklearn.cluster import AgglomerativeClustering
sm_gdpp_h_ch = AgglomerativeClustering(n_clusters=3)
sm_gdpp_h_ch.fit(sm_social_normalized)
sm_social_economic_clusters["hier_clusters"] = sm_gdpp_h_ch.labels_
sm_social_economic_clusters
```

Out[23]:

	health	exports	income	life_expec	gdpp	k_clusters	hier_clusters
country							
<b>Antigua and Barbuda</b>	6.03	45.5	19100	76.8	12200	2	1
<b>Argentina</b>	8.10	18.9	18700	75.8	10300	2	1
<b>Australia</b>	8.73	19.8	41400	82.0	51900	1	2
<b>Austria</b>	11.00	51.3	43200	80.5	46900	1	2
<b>Bahamas</b>	7.89	35.0	22900	73.8	28000	2	1
<b>Bahrain</b>	4.97	69.5	41100	76.0	20700	2	1
<b>Barbados</b>	7.97	39.5	15300	76.7	16000	2	1
<b>Belgium</b>	10.70	76.4	41100	80.0	44400	1	2
<b>Brazil</b>	9.01	10.7	14500	74.2	11200	2	1
<b>Brunei</b>	2.84	67.4	80600	77.1	35300	0	0
<b>Canada</b>	11.30	29.1	40700	81.3	47400	1	2
<b>Chile</b>	7.96	37.7	19400	79.1	12900	2	1
<b>Croatia</b>	7.76	37.6	20100	76.3	13500	2	1
<b>Cyprus</b>	5.97	50.2	33900	79.9	30800	2	2
<b>Czech Republic</b>	7.88	66.0	28300	77.5	19800	2	1
<b>Denmark</b>	11.40	50.5	44000	79.5	58000	1	2
<b>Equatorial Guinea</b>	4.48	85.8	33700	60.9	17100	2	1
<b>Estonia</b>	6.03	75.1	22700	76.0	14600	2	1
<b>Finland</b>	8.95	38.7	39800	80.0	46200	1	2
<b>France</b>	11.90	26.8	36900	81.4	40600	1	2
<b>Germany</b>	11.60	42.3	40400	80.1	41800	1	2
<b>Greece</b>	10.30	22.1	28700	80.4	26900	1	2
<b>Hungary</b>	7.33	81.8	22300	74.5	13100	2	1
<b>Iceland</b>	9.40	53.4	38800	82.0	41900	1	2
<b>Ireland</b>	9.19	103.0	45700	80.4	48700	1	2
<b>Israel</b>	7.63	35.0	29600	81.4	30600	1	2
<b>Italy</b>	9.53	25.2	36200	81.7	35800	1	2
<b>Japan</b>	9.49	15.0	35800	82.8	44500	1	2
<b>Kuwait</b>	2.63	66.7	75200	78.2	38500	0	0
<b>Latvia</b>	6.68	53.7	18300	73.1	11300	2	1
<b>Libya</b>	3.88	65.6	29600	76.1	12100	2	1
<b>Lithuania</b>	7.04	65.3	21100	73.2	12000	2	1
<b>Malta</b>	8.65	153.0	28300	80.3	21100	2	0
<b>Netherlands</b>	11.90	72.0	45500	80.7	50300	1	2
<b>New Zealand</b>	10.10	30.3	32300	80.9	33700	1	2
<b>Norway</b>	9.48	39.7	62300	81.0	87800	1	2
<b>Oman</b>	2.77	65.7	45300	76.1	19300	2	1
<b>Poland</b>	7.46	40.1	21800	76.3	12600	2	1

	health	exports	income	life_expec	gdpp	k_clusters	hier_clusters
country							
<b>Portugal</b>	11.00	29.9	27200	79.8	22500	1	2
<b>Qatar</b>	1.81	62.3	125000	79.5	70300	0	0
<b>Russia</b>	5.08	29.2	23100	69.2	10700	2	1
<b>Saudi Arabia</b>	4.29	49.6	45400	75.1	19300	2	1
<b>Seychelles</b>	3.40	93.8	20400	73.4	10800	2	1
<b>Singapore</b>	3.96	200.0	72100	82.7	46600	0	0
<b>Slovak Republic</b>	8.79	76.3	25200	75.5	16600	2	1
<b>Slovenia</b>	9.41	64.3	28700	79.5	23400	2	2
<b>South Korea</b>	6.93	49.4	30400	80.1	22100	2	2
<b>Spain</b>	9.54	25.5	32500	81.9	30700	1	2
<b>Sweden</b>	9.63	46.2	42900	81.5	52100	1	2
<b>Switzerland</b>	11.50	64.0	55500	82.2	74600	1	2
<b>Turkey</b>	6.74	20.4	18000	78.2	10700	2	1
<b>United Arab Emirates</b>	3.66	77.7	57600	76.5	35000	0	0
<b>United Kingdom</b>	9.64	28.2	36200	80.3	38900	1	2
<b>United States</b>	17.90	12.4	49400	78.7	48400	1	2
<b>Uruguay</b>	8.35	26.3	17100	76.4	11900	2	1
<b>Venezuela</b>	4.91	28.5	16500	75.4	13500	2	1

Compare os dois resultados, aponte as semelhanças e diferenças e interprete.

Analisando os dois resultados por tipos de clusterização obtém 32 países clusterizado em clusters diferentes e 24 em clusters iguais, o que podemos afirmar que a média de valores das features foram maiores nas diferenças do que da similaridade. Significa dizer que os algoritmos classificaram os dados de forma igual quando a faixa de valor era menor e diferente quando maior. Extraindo as diferenças de cada cluster é visto que as alocações entre o Kmeans e o Hierárquico foram entre os clusters 0 e 2, sendo possível associar essa troca porque possuem os mesmos países apontados, com a diferença de Malta sendo melhor classificado no modelo Kmeans, isto pelo enquadramento do país entre aqueles que fazem parte do cluster 1. Também é visto através do gráfico Pair Grid que as regiões de confusões entre os cluster 0 e 2 foram maiores quando correlacionados com life\_expec, income e GDPP.

```
In [24]: sm_clusters_df = sm_social_economic_clusters[sm_social_economic_clusters["k_clusters"] != sm_
sm_clusters_eq = sm_social_economic_clusters[sm_social_economic_clusters["k_clusters"] == sm_
sm_social_economic_clusters[sm_social_economic_clusters["hier_clusters"] == 0]
```

Out[24]:

	health	exports	income	life_expec	gdpp	k_clusters	hier_clusters
country							
<b>Brunei</b>	2.84	67.4	80600	77.1	35300	0	0
<b>Kuwait</b>	2.63	66.7	75200	78.2	38500	0	0
<b>Malta</b>	8.65	153.0	28300	80.3	21100	2	0
<b>Qatar</b>	1.81	62.3	125000	79.5	70300	0	0
<b>Singapore</b>	3.96	200.0	72100	82.7	46600	0	0
<b>United Arab Emirates</b>	3.66	77.7	57600	76.5	35000	0	0

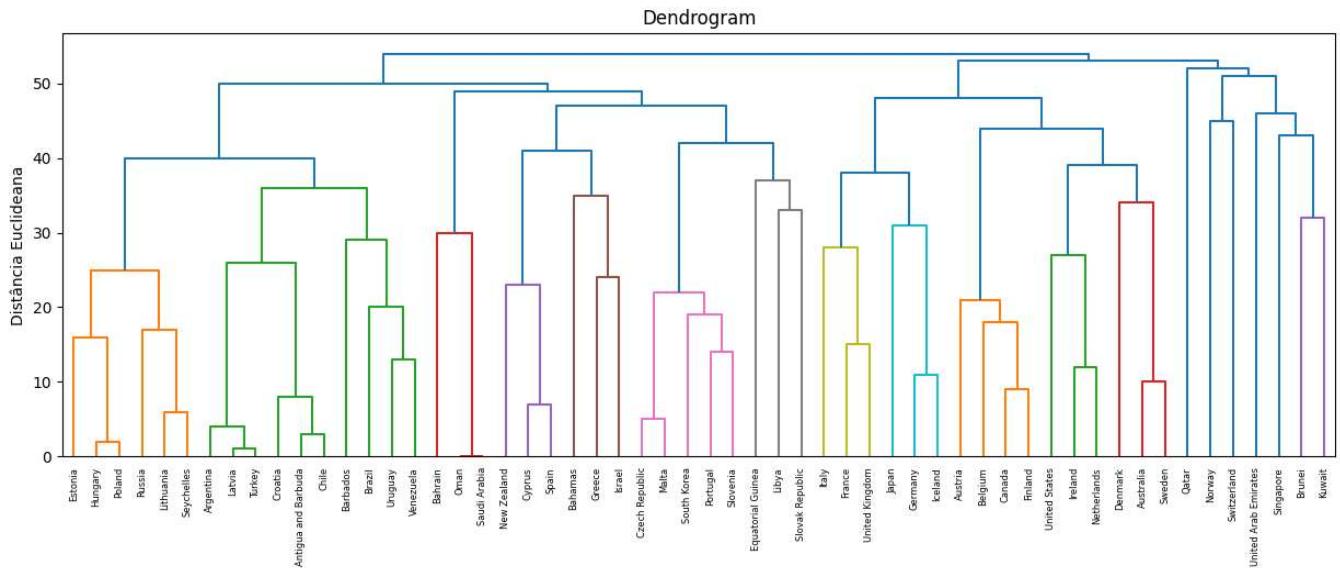
```
In [25]: sm_clusters_df.mean()
```

```
Out[25]: health           8.442917
          exports         48.070833
          income        31964.583333
          life_expec     77.841667
          gdpp          29497.916667
          k_clusters      1.520833
          hier_clusters   1.458333
          dtype: float64
```

```
In [26]: sm_gdpp_h_ch_pred = sm_gdpp_h_ch.fit_predict(sm_gdpp_social)
```

```
plt.figure(figsize=(15, 5))
plt.grid(False)
plot_dendrogram(sm_gdpp_h_ch, labels=sm_gdpp_social.index)
plt.title('Dendrogram')
plt.ylabel('Distância Euclideana')
```

```
Out[26]: Text(0, 0.5, 'Distância Euclideana')
```



## Implementando a clusterização por DBScan

```
In [27]: epsilon = 1
min_samples = 10

db = DBSCAN(eps=epsilon, min_samples=min_samples).fit(sm_social_normalized)
labels = db.labels_
```

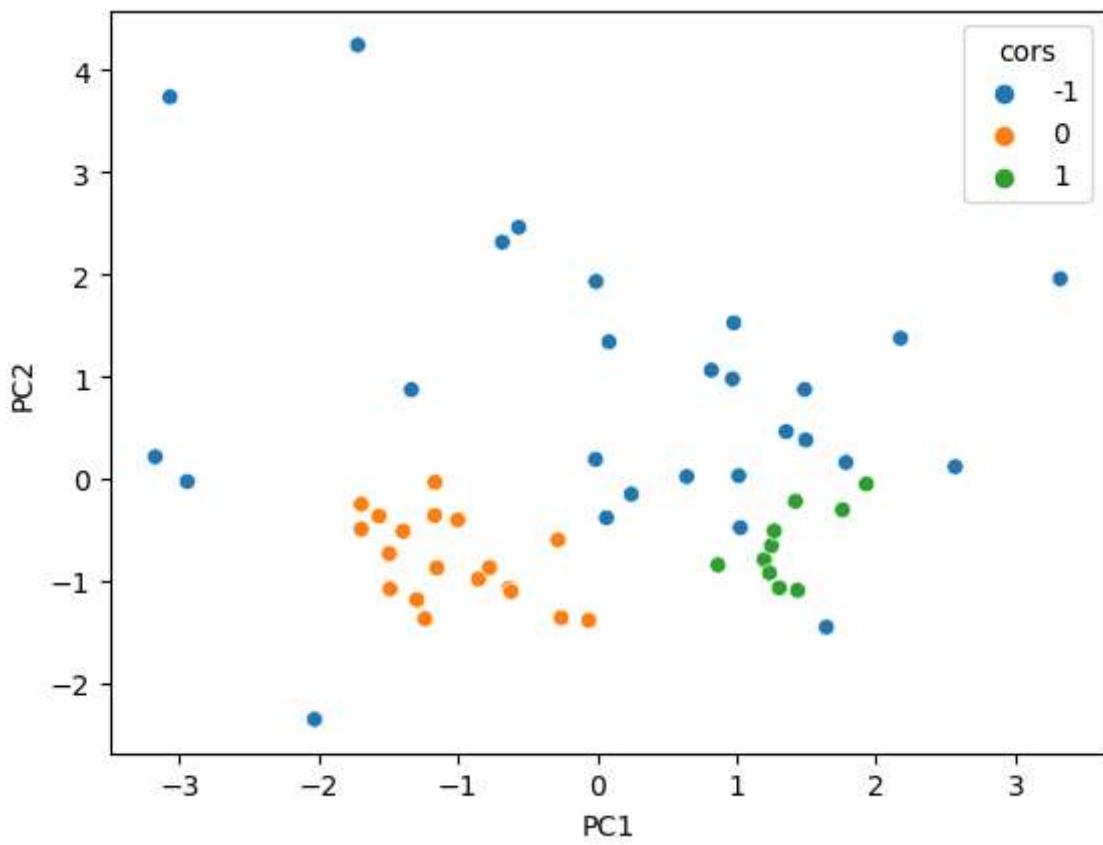
```
In [28]: no_clusters = len(np.unique(labels) )
no_noise = np.sum(np.array(labels) == -1, axis=0)

print('Estimated no. of clusters: %d' % no_clusters)
print('Estimated no. of noise points: %d' % no_noise)
```

```
Estimated no. of clusters: 3
Estimated no. of noise points: 27
```

```
In [29]: colors = list(map(lambda x: '#3b4cc0' if x == 1 else '#b40426', db.labels_))

plot_dbScan_points(sm_social_normalized, db)
```



Por que o algoritmo de DBScan é mais robusto à presença de outliers?

Tendo em vista o principal problema de todos os algoritmos de clusterização (a amplitude e faixa de valor), o DBSCAN acaba sendo uma das formas para detecção de anomalias de valores. Além de, uso do algoritmo em vez da forma matemática na análise de similaridade por densidade (cors, epsilon, noise) e classificação, não faz necessário o parâmetro de N de clusters, permitindo um melhor entendimento do dataset quanto a descoberta arbitrária de "classes". Exemplificando melhor essa vantagem do DBSCAN, faremos abaixo o mesmo uso (visto em cima) deste algoritmo, eliminando a etapa de pré-processamento (do qual tentei equalizar a faixa de valor tentando excluir os países que estavam em fronteira). Vejamos:

Como o DBScan funciona?

O DBScan tem uma abordagem de agrupamento baseado na densidade de pontos, onde uma determinada região é responsável pela formação dos clusters. Caso um determinado ponto não obedeça critérios de densidade(vizinhos mínimos) ou critérios dos limites de distância (epson), este não pode ser definido como um ponto COR.

```
In [30]: epsilon = 1 #Distância mínima entre pontos
min_samples = 10 #Dencidade mínima de vizinhos

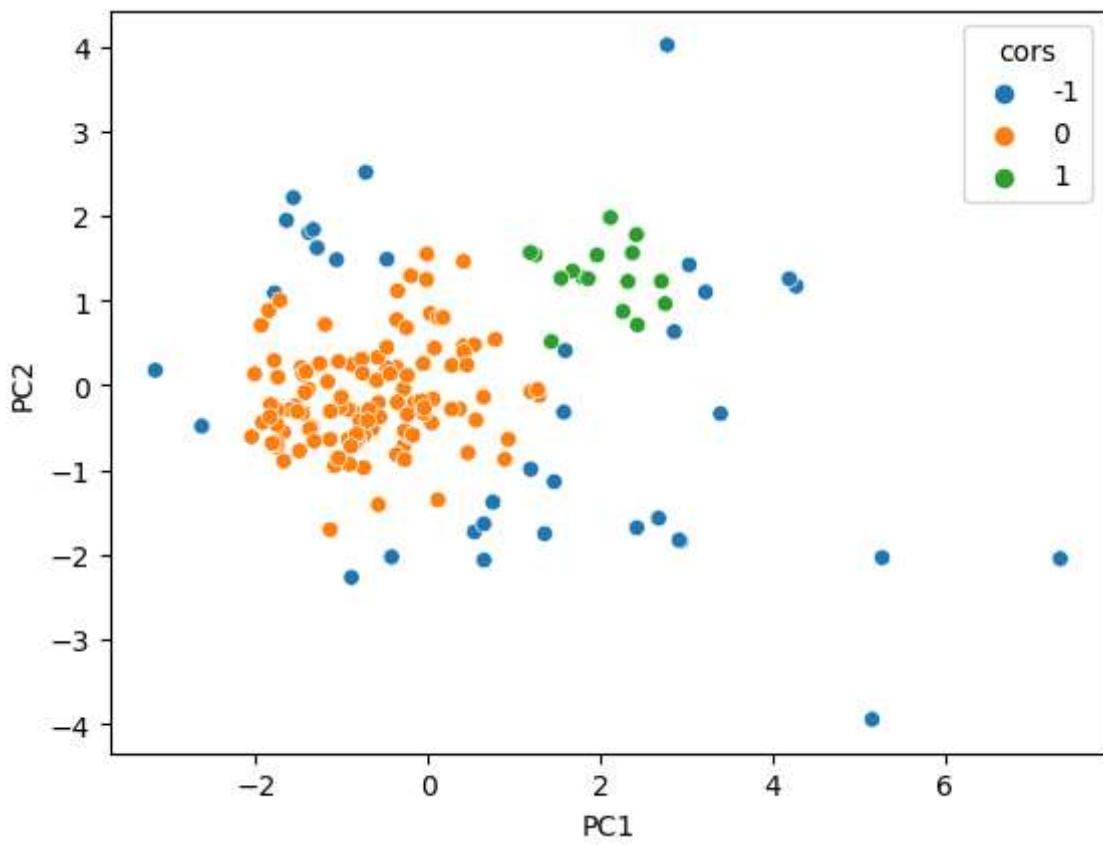
db2 = DBSCAN(eps=1, min_samples=10).fit(sm_social_normalized_non_equal) # Instanciando o DBScan
# A função fit realiza a clusterização obtendo Labels dessa ação de classificação dos dados.
```

```
In [31]: labels2 = db2.labels_
no_clusters = len(np.unique(db2.labels_))
no_noise = np.sum(np.array(db2.labels_) == -1, axis=0)

print('Estimated no. of clusters: %d' % no_clusters)
print('Estimated no. of noise points: %d' % no_noise)
```

Estimated no. of clusters: 3  
Estimated no. of noise points: 36

```
In [32]: plot_dbScan_points(sm_social_normalized_non_equal, db2)
```



```
In [33]: sm_social_economic_cluster_db = sm_social_economic.copy()
sm_social_economic_cluster_db["cluster"] = labels2
sm_social_economic_cluster_db[sm_social_economic_cluster_db["cluster"] == -1].describe().T
```

	count	mean	std	min	25%	50%	75%	max
<b>health</b>	36.0	7.700556	4.160728	1.81	3.940	8.21	11.325	17.9
<b>exports</b>	36.0	61.511667	45.085548	2.20	22.400	64.15	76.725	200.0
<b>income</b>	36.0	33554.500000	30694.767079	700.00	3100.000	31650.00	46625.000	125000.0
<b>life_expec</b>	36.0	70.805556	11.964374	32.10	63.675	76.05	79.600	82.7
<b>gdpp</b>	36.0	26309.111111	27690.162994	231.00	2462.500	19300.00	44950.000	105000.0
<b>cluster</b>	36.0	-1.000000	0.000000	-1.00	-1.000	-1.00	-1.000	-1.0

Mesmo diminuindo a quantidade de países através do pré-processamento, o número de ruídos no dataset foi de 27/36 e o gráfico ainda demonstra uma região distante dos clusters reconhecidos. Acima fica ainda mais explícito que a etapa de pré-processamento foi inválida pelo que o DBSCAN conseguiu descobrir de ruídos, deixando nítido que a região de ruído são países que possuem valores de faixa extremos e distantes.

O algoritmo de K-médias é sensível a outliers nos dados. Explique.

Sim, mesmo quando há etapas de pré-processamento, as labels obtidas após a clusterização não podem evidenciar registros/pontos que realmente fazem parte do conjunto. Isso é tão evidente quanto qualquer algoritmo que faça uso de fórmula matemática euclidiana. Abaixo deixo um exemplo de Kmeans usando o DBSCAN como pré-processamento de dados, vejamos o quão distante foi do primeiro exemplo.

```
In [34]: social_kmeans_dbScan_normalize = sm_social_normalized_non_equal.copy()
social_kmeans_dbScan_normalize["cluster"] = labels2
exemplo_kmeans_dbScan = social_kmeans_dbScan_normalize[social_kmeans_dbScan_normalize["cluste"]
exemplo_kmeans_dbScan
```

Out[34]:

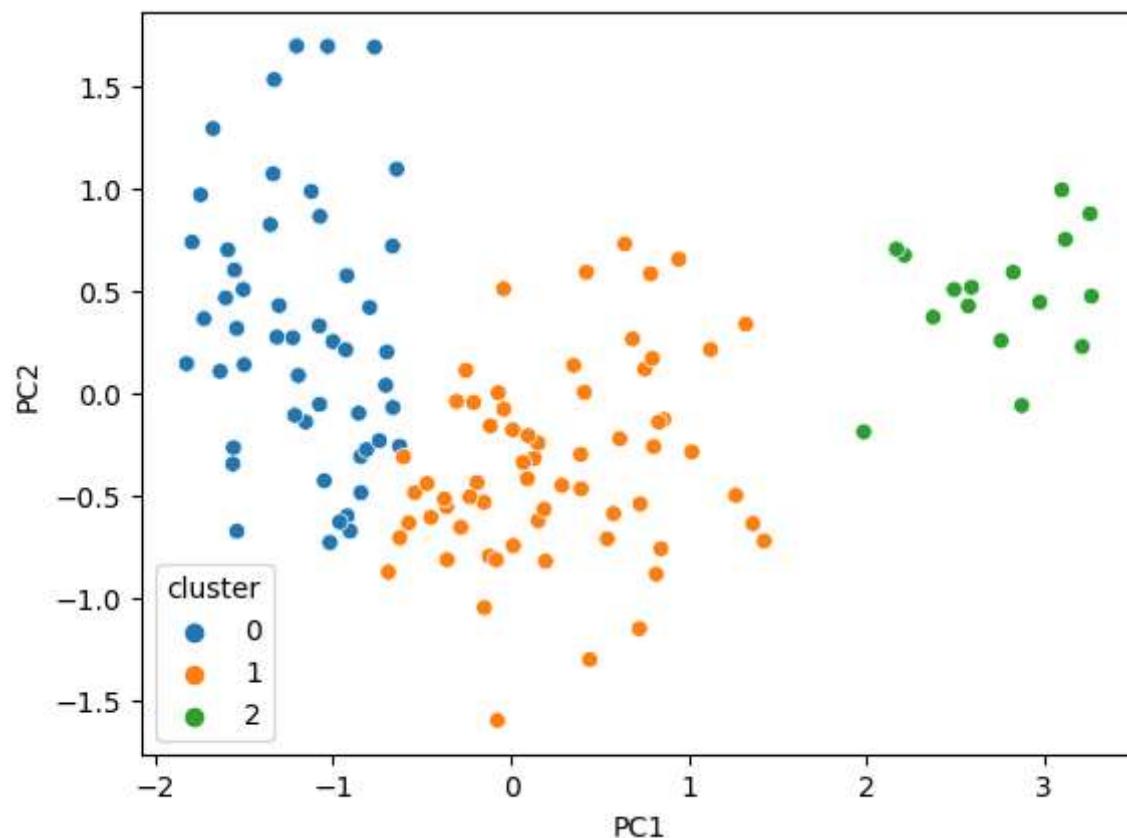
	health	exports	income	life_expec	gdpp	cluster
country						
Afghanistan	0.278251	-1.134867	-0.805822	-1.614237	-0.677143	0
Albania	-0.096725	-0.478220	-0.374243	0.645924	-0.484167	0
Algeria	-0.963176	-0.098824	-0.220182	0.668413	-0.463980	0
Angola	-1.443729	0.773056	-0.583289	-1.175698	-0.514720	0
Antigua and Barbuda	-0.286034	0.160186	0.101427	0.702147	-0.041692	0
...	...	...	...	...	...	...
Vanuatu	-0.569997	0.200315	-0.736313	-0.849606	-0.545273	0
Venezuela	-0.693776	-0.459980	-0.033442	0.544723	0.029235	0
Vietnam	0.008851	1.126916	-0.656429	0.286097	-0.635842	0
Yemen	-0.595481	-0.405259	-0.656948	-0.343599	-0.635842	0
Zambia	-0.337002	-0.149897	-0.719195	-2.086510	-0.627658	0

131 rows × 6 columns

Faço o mesmo processo de clusterização e depois retido os ruídos

In [35]:

```
kmeans = KMeans(n_clusters=3)
k_social_dbSCAN = kmeans.fit(exemplo_kmeans_dbScan.drop("cluster", axis="columns"))
plot_cluster_points(exemplo_kmeans_dbScan, k_social_dbSCAN)
```



Na imagem acima, instancio o kmeans novamente e passo o mesmo dataset normalizado e sem o ruído. No final obtendo o gráfico de distribuição mais bem classificado