

中山大学计算机学院 人工智能

本科生实验报告

(2022 学年春季学期)

课程名称: Artificial Intelligence

教学班级	计科 2 班	专业(方向)	计算机科学与技术
学号	22336126	姓名	李漾

一、 实验题目

遗传算法解决 TSP 问题

二、 实验内容

1. 算法原理

1. 初始化种群

- 从问题的解空间中随机生成一组个体,构成初始种群。
- 每个个体表示为染色体,染色体上的基因代表问题的一个解。

2. 评估适应度

- 对种群中的每个个体计算适应度(fitness),即问题的目标函数值。
- 适应度函数评估个体在问题空间中的性能。

3. 选择操作

- 通过选择操作,从当前种群中选择适应度较高的个体作为父代。
- 常用的选择方法包括轮盘赌选择、竞标赛选择等。

4. 交叉操作

- 选取父代个体,并进行交叉操作,产生子代。
- 交叉操作模拟了生物学中的基因重组,将父代的染色体片段进行组合。

5. 变异操作

- 对子代进行一定概率的变异操作,引入新的遗传信息。
- 变异操作增加了种群的多样性,有助于避免陷入局部最优解。



6. 替换操作

- 将子代替换掉部分父代,形成新的种群。
- 保留适应度高的个体,淘汰适应度低的个体。

7. 迭代优化

- 重复执行选择、交叉、变异和替换等操作,直到满足终止条件。
- 终止条件可以是达到最大迭代次数、找到满意的解或达到预定的收敛条件等。

8. 输出结果

- 输出最终优化得到的个体,即问题的最优解或近似解。
- 输出结果可能是最优个体的染色体表示,或者是个体对应的目标函数值。

2. 伪代码

function distance(a, b):

```
class GeneticAlgorithm:
   function __init__(file_path, population_size=20, mutation_rate=0.6,
max_iterations=100):
       // 初始化遗传算法对象
       map_ = load_map(file_path) // 加载城市坐标
       self.population_size = population_size // 种群大小
       self.mutation rate = mutation rate // 变异概率
       self.max_iterations = max_iterations // 最大迭代次数
       self.population = initialize population() // 初始化种群
   function load map(file path):
       // 加载城市坐标文件,返回城市坐标列表
       city_coords = []
       for each line in file_path:
          fields = split line by whitespace
           city coords.append((fields[0], fields[1], fields[2]))
       return city_coords
   function initialize_population():
       // 初始化种群, 随机生成路径
       population = []
       for i in range(population_size):
           random_path = random.sample(range(1, len(map_)+1), len(map_))
           population.append(random_path)
       return population
```



```
// 计算城市 a 和城市 b 之间的距离
   return sqrt((a.x - b.x) ^ 2 + (a.y - b.y) ^ 2)
function evaluate(path):
   // 计算路径的总距离,即适应度
   total distance = 0
   for i in range(len(path) - 1):
       total_distance += distance(path[i], path[i+1])
   total_distance += distance(path[-1], path[0]) // 回到起点
   return total_distance
function reproduce_ox(p1, p2):
   // 使用 OX 交叉法进行交叉
   sta, end = sorted(random.sample(range(1, length), 2))
   child = p1[sta:end]
   c1, c2 = [], []
   for i in range(0, length):
       if p2[i] not in child:
           if i < sta:</pre>
               c1.append(p2[i])
           else:
               c2.append(p2[i])
   return c1 + child + c2
function neighbour3(path):
   // 对路径进行三种变异操作之一
   charge = random.random()
   if charge < 0.4:</pre>
       a1, a2, a3 = sorted(random.sample(range(1, length-1), 3))
       tmp = path[0:a1] + path[a2:a3] + path[a1:a2] + path[a3:length]
   elif charge < 0.6:
       i = random.randint(1, length-2)
       j = random.randint(2, length-1)
       if i != j:
           path[i], path[j] = path[j], path[i]
           tmp = path[:]
           path[i], path[j] = path[j], path[i]
       else:
           tmp = path[:]
   else:
       k1, k2 = sorted(random.sample(range(1, length-1), 2))
       tmp = path[0:k1] + path[k1:k2][::-1] + path[k2:length]
   return tmp
```



```
function select_parent(population):
       // 从种群中选择父代
       the weight = [1 / evaluate(individual) for individual in population]
       ch1 = random.choices(population, the_weight, k=1)
       ch2 = random.choices(population, the_weight, k=1)
       return ch1[0], ch2[0]
   function iterate():
       // 迭代过程
       best_distance = infinity
       best_individual = None
       for iteration in range(max iterations):
           new_population = []
           for count in range(population_size // 2):
               ch1, ch2 = select_parent(population)
               child1 = reproduce_ox(ch1, ch2)
               child2 = reproduce_ox(ch2, ch1)
               if random.random() < mutation_rate:</pre>
                   child1 = neighbour3(child1)
                   child2 = neighbour3(child2)
               if child1 == child2:
                   child1 = neighbour3(child1)
                   child2 = neighbour3(child2)
               new population.append(child1)
               new population.append(child2)
           population = new_population[:]
           best_individual = min(population, key=evaluate)
           best_distance = min(best_distance, evaluate(best_individual))
           print(iteration, best_distance)
       return best_individual, best_distance
def main():
   tsp = GeneticAlgorithm("temp2.txt")
   best_tour, best_distance = tsp.iterate()
   print("Best tour found:", best_tour)
   print("Best distance:", best_distance)
if __name__ == "__main__":
   main()
```



3. 关键代码展示(带注释)

load map 方法:

功能:加载城市坐标文件。

参数:

• file_path (str): 城市坐标文件路径。

描述:

- 该方法从文件中读取城市坐标数据。文件中每一行包含一个城市的编号、横坐标和纵坐标。
- 返回的城市坐标列表中,每个元素是一个包含城市编号、横坐标和纵坐标的元组。

```
def load_map(self, file_path):

"""

加载城市坐标文件

城市数据我选取了放在 temp 里

参数:

file_path (str): 城市坐标文件路径

返回:

list: 城市坐标列表,每个元素为(city_id, x, y)

"""

city_coords = []

with open(file_path, "r") as file:

for line in file:

fields = line.strip().split()

city_coords.append((int(fields[0]), float(fields[1]),
float(fields[2])))
```

initialize_population方法:

return city_coords

功能:初始化种群。

描述:

- 该方法创建一个种群,种群中的每个个体都是一个城市编号列表, 代表了一条可能的旅行路径。
- 每个个体都由不同的城市编号组成,且不重复。

```
def initialize_population(self):
```

..

初始化种群

返回:

list: 种群列表,每个个体为城市编号列表

....



```
population = []
    for _ in range(self.population_size):
        random_path = random.sample(range(1, len(self.map_)+1),
len(self.map_))
        population.append(random_path)
    return population
```

distance 方法:

功能: 计算两个城市之间的距离。

参数:

a (int): 城市 A 的编号。b (int): 城市 B 的编号。

描述:

根据给定的城市编号,从城市坐标列表中获取对应的横纵坐标, 并使用欧式距离公式计算两个城市之间的距离。

```
def distance(self, a, b):
```

0.00

计算两个城市之间的距离

参数:

a (int): 城市 A 的编号 b (int): 城市 B 的编号

返回:

float:城市A到城市B的距离

...

```
ax, ay = self.map_[a-1][1], self.map_[a-1][2]
bx, by = self.map_[b-1][1], self.map_[b-1][2]
return math.sqrt((ax - bx) ** 2 + (ay - by) ** 2)
```

evaluate 方法:

功能: 计算路径的总距离。

参数:

• path (list):城市编号列表,表示一条路径。

描述:

- 该方法计算给定路径的总距离,包括访问所有城市后回到起点的 距离。
- 通过调用 distance 方法计算相邻城市之间的距离,并将其累加得到总距离。

```
def evaluate(self, path):
```



c1, c2 = [], []

for i in range(0, length):
 if p2[i] not in child:

....

```
计算路径的总距离
      参数:
         path (list):城市编号列表,表示一条路径
      返回:
         float: 路径的总距离
      total_distance = 0
      for i in range(len(path) - 1):
         total_distance += self.distance(path[i], path[i+1])
      total_distance += self.distance(path[-1], path[0]) # 回到起点
      return total_distance
reproduce_ox 方法:
          功能: 使用 OX 交叉法进行交叉。
          参数:
                p1 (list): 父代1的城市编号列表。
                p2 (list): 父代 2 的城市编号列表。
          描述:
                该方法实现了 OX (Ordered Crossover) 交叉法, 用于生成子代
          个体。
                首先从父代个体中随机选择一个子序列,然后按照另一个父代的
          顺序填充子代,保留另一个父代中未在子序列中出现的城市。
def reproduce_ox(self, p1, p2):
      使用 OX 交叉法进行交叉
      参数:
         p1 (list): 父代 1 的城市编号列表
         p2 (list): 父代 2 的城市编号列表
      返回:
         list: 子代的城市编号列表
      0.00
      length = len(p1)
      sta, end = sorted(random.sample(range(1, length), 2))
      child = p1[sta:end]
```



neighbour3 方法:

功能:对路径进行三种变异操作之一。

参数:

• path (list):城市编号列表,表示一条路径。

描述:

- 该方法实现了三种不同的变异操作:部分随机交换、部分逆转和部分插入。
- 根据随机概率选择其中一种变异操作,并在给定路径上执行该操作。

```
def neighbour3(self, path):
```

0.00

对路径进行三种变异操作之一

- **1.**部分随机交换:随机选择三个不同位置的城市,然后将这三个位置上的城市进行交换。
 - 2. 部分逆转: 随机选择两个不同位置的城市, 然后将这两个位置之间的城市顺序逆转。
- **3.**部分插入: 随机选择两个不同位置的城市, 然后将这两个位置之间的城市插入到另一个位置之后。

参数:

```
path (list):城市编号列表,表示一条路径
```

返回:

```
list: 变异后的路径
"""

length = len(path)
charge = random.random()
if charge < 0.4:
    a1, a2, a3 = sorted(random.sample(range(1, length-1), 3))
    tmp = path[0:a1] + path[a2:a3] + path[a1:a2] + path[a3:length]
elif charge < 0.6:
    i = random.randint(1, length-2)
    j = random.randint(2, length-1)
    if i != j:
        path[i], path[j] = path[j], path[i]
        tmp = path[:]
        path[i], path[j] = path[j], path[i]
else:
        tmp = path[:]
```



else:

```
k1, k2 = sorted(random.sample(range(1, length-1), 2))
  tmp = path[0:k1] + path[k1:k2][::-1] + path[k2:length]
return tmp
```

select_parent 方法:

功能: 从种群中选择父代。

参数:

• population (list):种群列表,每个个体为城市编号列表。

描述:

• 该方法根据个体的适应度,也就是路径长度的倒数,以一定概率 从种群中选择两个父代个体。

```
def select_parent(self, population):
```

. . . .

从种群中选择父代

参数:

population (list):种群列表,每个个体为城市编号列表

返回:

tuple: 选中的两个父代

....

the_weight = [1000000 / self.evaluate(individual) for individual in
population]

```
ch1 = random.choices(population, the_weight, k=1)
ch2 = random.choices(population, the_weight, k=1)
return ch1[0], ch2[0]
```

iterate 方法:

功能: 执行遗传算法的迭代过程。

描述:

- 该方法是遗传算法的主要执行过程,其中包含生成新种群、交叉、变异、选择父代、更新种群、计算最优个体和最短距离等步骤。
- 在每一代迭代中,更新种群并计算最优个体和最短距离。同时记录每一代的最优路径,用于后续动画和最短距离的变化过程的绘制。

def iterate(self):

0.00

迭代函数, 执行遗传算法

返回:



tuple: 最优路径和对应的最短距离

.... ims = [] # 用于存储动画帧 dis change = [] # 存储迭代过程中的最短距离 iteration = 0 # 迭代次数计数器 best distance = float('inf') # 最短距离初始值 best_individual = None # 最优路径初始值 # 开始迭代 while iteration < self.max_iterations:</pre> new population = [] # 新种群 # 生成新种群 for count in range(self.population_size // 2): ch1, ch2 = self.select parent(self.population) child1 = self.reproduce_ox(ch1, ch2) child2 = self.reproduce_ox(ch2, ch1) # 变异 if random.random() < self.mutation rate:</pre> child1 = self.neighbour3(child1) child2 = self.neighbour3(child2) # 防止两个子代相同 if child1 == child2: child1 = self.neighbour3(child1) child2 = self.neighbour3(child2) new_population.append(child1) new population.append(child2) # 更新种群 self.population = new_population[:] # 计算最优个体和最短距离 best individual = min(self.population, key=self.evaluate) best_distance = min(best_distance, self.evaluate(best_individual)) print(iteration, best_distance) dis_change.append(best_distance) # 每隔一定次数记录一次动画帧 if iteration % 10 == 0: x1, y1 = zip(*[self.map_[idx-1][1:] for idx in best_individual]) x1 += (self.map_[best_individual[0]-1][1],)



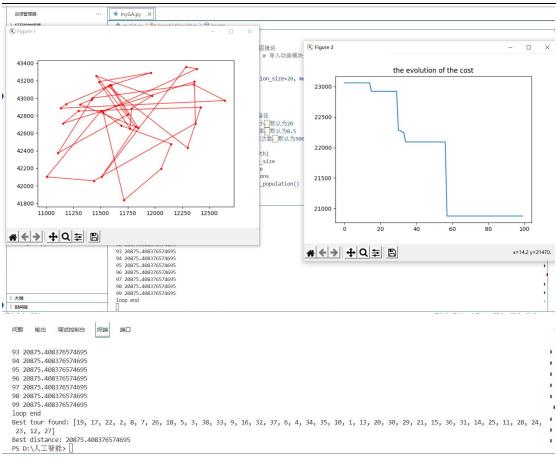
```
y1 += (self.map_[best_individual[0]-1][2],)
               im = plt.plot(x1, y1, marker='.', color='red', linewidth=1)
               ims.append(im)
           iteration += 1
       print("loop end")
       # 绘制最优路径
       x1, y1 = zip(*[self.map_[idx-1][1:] for idx in best_individual])
       x1 += (self.map_[best_individual[0]-1][1],)
       y1 += (self.map_[best_individual[0]-1][2],)
       plt.plot(x1, y1, marker='.', color='red', linewidth=1)
       # 保存动画
       ani = animation.ArtistAnimation(plt.figure(1), ims, interval=200,
repeat_delay=1000)
       ani.save("GA.gif", writer='pillow')
       # 绘制最短距离的变化过程
       plt.figure(2)
       plt.title('the evolution of the cost')
       x_ = [i for i in range(len(dis_change))]
       plt.plot(x_, dis_change)
       plt.show()
       return best_individual, best_distance
```

三、 实验结果及分析

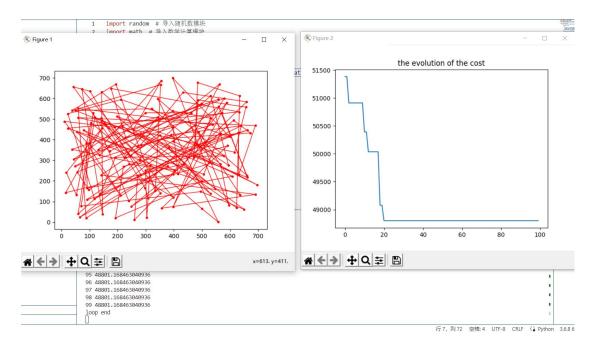
1. 实验结果展示示例(可图可表可文字,尽量可视化)

1.数据集为 dj38 采取了 100 次迭代





2. 数据集为 ch150, 采取 100 次迭代





| 198 | 輸出 | 環域比射台 | 軽減 | 減口 | 196 | 48801.168463040936 | 18801.168463040936 | 18801.168463040936 | 18801.168463040936 | 18801.168463040936 | 194 | 18801.168463040936 | 194 | 18801.168463040936 | 194 | 18801.168463040936 | 194 | 18801.168463040936 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 | 194 |

2. 评测指标展示及分析(机器学习实验必须有此项,其它可分析运行时间等)

最短路径长度:

代码通过调用 evaluate()方法计算路径的总距离,然后找到最短路径。 迭代过程中通过 best_distance 记录了最短距离,并在每次迭代中更新它。 通过打印输出和绘制收敛曲线,观察到算法是否收敛到最优解,并且得到最 短路径长度。

收敛速度:

通过观察收敛曲线,我发现我的算法在处理较大数据集时收敛速度较快,而数据集较少时出现的平峰较多。且进行测试后发现迭代数若为10000则会出现很多次无用的迭代,迭代为500-1000时耗时较少且不会产生太多次无用迭代

稳定性:

代码使用了随机性,包括初始化种群、选择父代和变异操作等。

通过多次运行代码,每次运行得到的最优解虽然有差别,但是基本接近。变 异概率在 0.5-0.6 时得到的较好