

Rainbow Version of Dirac's Theorem: An Algorithmic Approach

Nathan Luiz Bezerra Martins
Willian Miura Mori

Orientadora: Yoshiko Wakabayashi

Departamento de Ciência da Computação,
Instituto de Matemática e Estatística, Universidade de São Paulo

Resumo

Dada uma coleção $G = G_1, G_2, \dots, G_n$ de grafos de ordem n , definidos sobre o mesmo conjunto de vértices e que satisfazem a condição de Dirac para cada G_i , existe um G -transversal que forma um circuito hamiltoniano, também conhecido como Circuito Hamiltoniano Rainbow. Neste trabalho, desenvolvemos um algoritmo eficiente que encontra um Circuito Hamiltoniano Rainbow. Fizemos implementações tanto em **C++** quanto em **Python** e realizamos testes de desempenho para comparar as duas versões. Utilizamos a biblioteca **manim** para fazer uma animação gráfica do algoritmo.

Conceitos básicos

Definições principais:

Um grafo simples é um grafo não direcionado sem laços e sem arestas múltiplas.

Um **ciclo hamiltoniano** de G é um ciclo que visita cada vértice de G exatamente uma vez.

$\delta(G)$ é o grau mínimo de um vértice em G .

Teorema de Dirac (1952): Se um grafo simples G com n vértices tem grau mínimo $\delta(G) \geq \frac{n}{2}$, então G contém um ciclo hamiltoniano.

Versões Rainbow de problemas clássicos

Definição

A versão rainbow de um problema na teoria dos grafos é uma variação que adiciona a restrição de "diversidade" ou "colorido" à solução desejada. Nesse contexto, o termo rainbow (arco-íris) refere-se a estruturas em um grafo que utilizam elementos provenientes de diferentes subconjuntos, ou arestas com diferentes rótulos ou cores, garantindo que não haja repetições.

As link-cut trees fornecem a seguinte interface:

- **make_root(u)**: enraíza no vértice u a árvore que o contém
- **link(u, v, w)**: dado que os vértices u e v estão em árvores separadas, transforma v em raiz de sua árvore e o liga como filho de u , colocando peso w na nova aresta criada
- **cut(u, v)**: retira da floresta a aresta com pontas em u e v , quebrando a árvore que continha estes vértices em duas novas árvores
- **is_connected(u, v)**: retorna **verdadeiro** caso u e v pertençam à mesma árvore, **falso** caso contrário
- **maximum_edge(u, v)**: retorna o peso máximo de uma aresta no caminho entre os vértices u e v

Todas essas operações consomem tempo $O(\log n)$ amortizado, onde n é o número de vértices na floresta.

Union-Find retroativo

O union-find é uma estrutura de dados utilizada para manter uma **coleção de conjuntos disjuntos**, isto é, conjuntos que não se intersectam.

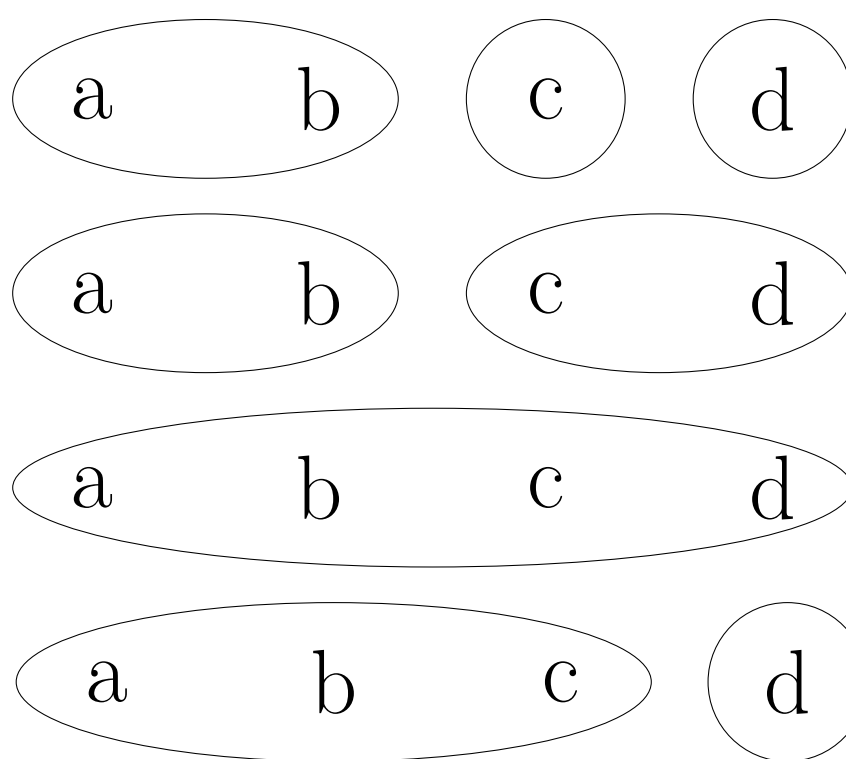


Figura 1: Representação dos conjuntos com os elementos $\{a, b, c, d\}$ após a seguinte sequência de operações: `create_union(a, b, 2)`, `create_union(c, d, 3)`, `create_union(b, c, 4)` e `delete_union(3)`. Cada linha mostra o estado atual da coleção imediatamente após uma operação.

Na sua versão retroativa, implementamos as seguintes operações:

- **create_union(a, b, t)**: adiciona a união dos conjuntos que contém a e b no instante de tempo t
- **same_set(a, b, t)**: consulta se dois elementos pertenciam ao mesmo conjunto no instante t
- **delete_union(t)**: desfaz a união realizada em t

Por exemplo, a Figura 2 mostra o estado de uma coleção de conjuntos disjuntos após quatro operações serem aplicadas. Antes da operação `delete_union(3)`, as consultas `same_set(a, b, 3)` e `same_set(c, d, 3)` retornam **verdadeiro**. Por outro lado `same_set(a, d, 3)` e `same_set(c, d, 3)` retornam **falso** após a chamada da função `delete_union(3)`.

Ideia: Fazer com que os elementos dos conjuntos sejam vértices na floresta mantida por uma link-cut tree, onde cada aresta representa uma operação de **union**. Assim, uma chamada `create_union(a, b, 3)` cria uma aresta de valor 3 entre os vértices a e b . Da mesma forma, uma chamada `delete_union(t)` simplesmente exclui a aresta criada no instante t . Para conferir se dois elementos a e b , no instante de tempo t , estão em um mesmo conjunto, basta conferir se eles estão em uma mesma árvore e se o valor da maior aresta no caminho entre eles é menor ou igual a t , o que significa que todas as uniões já foram realizadas no instante consultado.

Floresta geradora mínima retroativa

Como passo inicial temos que introduzir a **floresta geradora mínima incremental**, uma estrutura que utiliza as link-cut trees para fornecer uma maneira eficiente de consulta acerca da floresta geradora mínima de um grafo que está sempre crescendo, isto é, que está sofrendo a inserção de novas arestas.

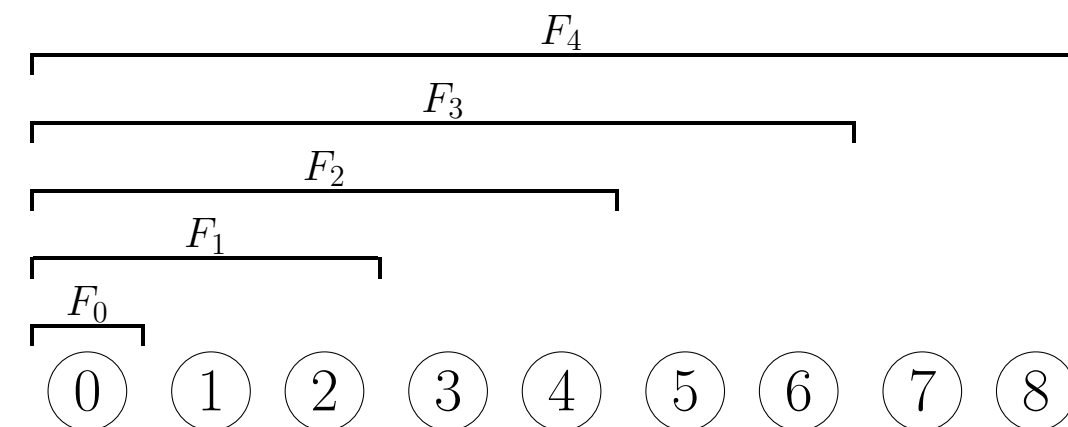


Figura 2: Representação da lista de 8 arestas inseridas. Neste caso, cada bloco tem tamanho 2. Assim, por exemplo, a estrutura F_3 contém todas as arestas adicionadas desde o instante 1 até o instante 6.

A **floresta geradora mínima retroativa** tem a seguinte interface:

- **add_edge(u, v, w, t)**: adiciona no grafo, no instante t , uma aresta com pontas u e v e peso w
- **get_msf(t)**: retorna a lista com todas as arestas que compõem uma floresta maximal de peso mínimo do grafo no instante t
- **get_msf_weight(t)**: retorna o custo de uma floresta maximal de peso mínimo no instante t

Ideia: Organizar cada operação retroativa de inserção numa lista ordenada pelo instante de tempo em que a aresta foi inserida. Em seguida, utilizar a técnica de **square-root decomposition** para dividir essa lista em \sqrt{m} blocos, onde m é o número total de operações na lista. Essa divisão — ou como chamamos, reconstrução — vai sendo refeita conforme novas operações de inserção vão sendo adicionadas, a fim de manter o tamanho dos blocos aproximadamente constante. Por último, é necessário distribuir as operações de cada bloco em diferentes florestas geradoras mínimas incrementais, fazendo com que uma consulta acerca do instante de tempo t possa ser realizada de maneira eficiente por uma estrutura que contenha um grafo com um estado próximo ao instante t .

Por último, além da ideia inicial ?] para a floresta geradora mínima retroativa, foi necessário adaptar a ideia apresentada por ?] para transformar estruturas parcialmente retroativas em estruturas totalmente retroativas. Em particular, realizamos uma melhoria na etapa de reconstrução da estrutura, permitindo que ela seja realizada em tempo $O(m \log n)$, onde n é o número de vértices na floresta. Adicionalmente, escrevemos um artigo descrevendo essa melhoria, visando a sua publicação em algum veículo da área teórica de ciência da computação.

Informações e contato

Para mais informações, acesse a página do trabalho: <https://linux.ime.usp.br/~felipen/mac0499>

Endereço para contato:
felipe.castro.noronha@usp.br

Referências