algograf

Lab 2: Maksymalne przepływy

W ramach laboratorium należy zaimplementować algorytm Forda-Fulkersona, a następnie użyć go jako składnika algorytmu wyznaczania spójności krawędziowej grafów.

Zadanie 1

Dany jest graf skierowany *G = (V,E)*, funkcja *c: E -> N* dająca wagi krawędziom, oraz wyróżnione wieżchołki *s* i *t*. Należy znaleźć maksymalny *przepływ* w grafie *G* pomiędzy *s* i *t*, tzn. funkcję *f: E -> N* spełniającą warunki definicji przepływu, zapewniającą największą przepustowość.

Do rozwiązania zadania należy wykorzystać algorytm Forda-Fulkersona, porównując dwie strategie znajdowania ścieżek powiększających:

- przy użyciu przeszukiwania metodą DFS
- przy użyciu przeszukiwania metodą BFS (algorytm Edmondsa-Karpa)

Zadanie 2 [dodatkowe – temu tematowi poświęcimy laboratorium 3]

Dany jest graf nieskierowany *G = (V,E)*. *Spójnością krawędziową* grafu *G* nazywamy minimalną liczbę krawędzi, po których usunięciu graf traci spójność. Przykładowo:

- spójność krawędziowa drzewa = 1
- spójność krawędziowa cyklu = 2
- spójność krawędziowa *n*-kliki = *n-1*

Opracuj i zaimplementuj algorytm obliczający spójność krawędziową zadanego grafu *G*, wykorzystując algorytm Forda-Fulkersona oraz następujący fakt:

(*Tw. Mengera*) Minimalna ilość krawędzi które należy usunąć by zadane wierzchołki *s*, *t* znalazły się w różnych komponentach spójnych jest równa ilości krawędziowo rozłącznych ścieżek pomiędzy *s* i *t*

Wskazówka: jak można zinterpretować ilość krawędziowo rozłącznych ścieżek jako problem maksymalnego przepływu?

Proponowana kolejność prac

- wczytaj graf korzystając z funkcji `loadDirectedWeightedGraph` z biblioteki dimacs (funkcja działa tak samo jak `loadWeightedGraph` z poprzedniego laboratorium, ale zwraca graf skierowany, czyli listę trójek `(u,v,w)` oznaczających krawędź z wierzchołka `u` do `v` o wadze `w`).
- zaimplementuj konwersję grafu na strukturę, która pozwoli na wygodną implementację algorytmu Forda-Fulkersona - w szczególności potrzebny będzie wydajny dostęp do sąsiednich wierzchołków (listy/zbiory sąsiedztwa) oraz miejsce na informację o aktualnym przepływie przez każdą krawędź. Przydatna będzie możliwość znajdowania krawędzi "w przeciwną stronę".
- zaimplementuj przeszukiwanie DFS/BFS na sieci residualnej (pamiętaj, że sieć residualna może mieć krawędzie, których nie ma w oryginalnym grafie!)
- zaimplementuj algorytm uaktualniania przepływu przy użyciu zadanej ścieżki powiększającej
- zaimplementuj liczenie spójności krawędziowej

Pomocne pliki

W ramach laboratorium należy wykorzystać:

- dimacs.py – wczytywanie grafów (teraz również funkcja do wczytywania grafów skierowanych)
- graphs-lab2.zip – grafy testowe
  - zadanie 1 - folder `flow`
  - zadanie 2 - folder `connectivity`

W przykładowych grafach szukamy przepływów między pierwszym i ostatnim wierzchołkiem!