

MNUM-PROJEKT 2, zadanie 2.24

Wojciech Grunwald (311566)

08.05.2023

1 Wstęp

Celem projektu jest znalezienie wszystkich pierwiastków danej funkcji, korzystając ze środowiska *Matlab* dwoma różnymi metodami:

1. siecznych (własna implementacja)
2. Newtona (zapewniony gotowy solver)‘

Funkcja to:

$$f(x) = 0.7\cos(x) - \ln(x + 1) \quad (1)$$

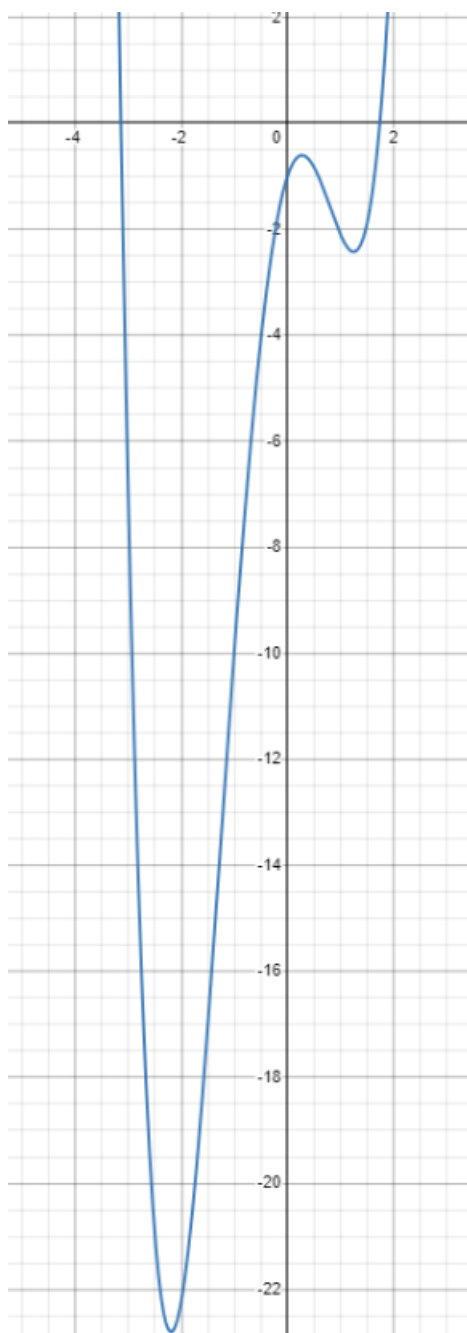
w przedziale $[2, 11]$



Rysunek 1: Przebieg analizowanej funkcji

A także wszystkich pierwiastków wielomianu:

$$f(x) = x^4 + 0.9x^3 - 6x^2 + 3x - 1 \quad (2)$$



Rysunek 2: Przebieg analizowanego wielomianu

Za pomocą algorytmu Müllera MM1 (własna implementacja)

Algorytmy zaimplementowałem w *Matlabie* w wersji R2023a. Obliczenia były wykonywane na procesorze Intel Core i5-9300H CPU 2.40Ghz.

W folderze *Kod źródłowy* załączonym do sprawozdania znajdują się odpowiednie skrypty rozwiązujące zadania:

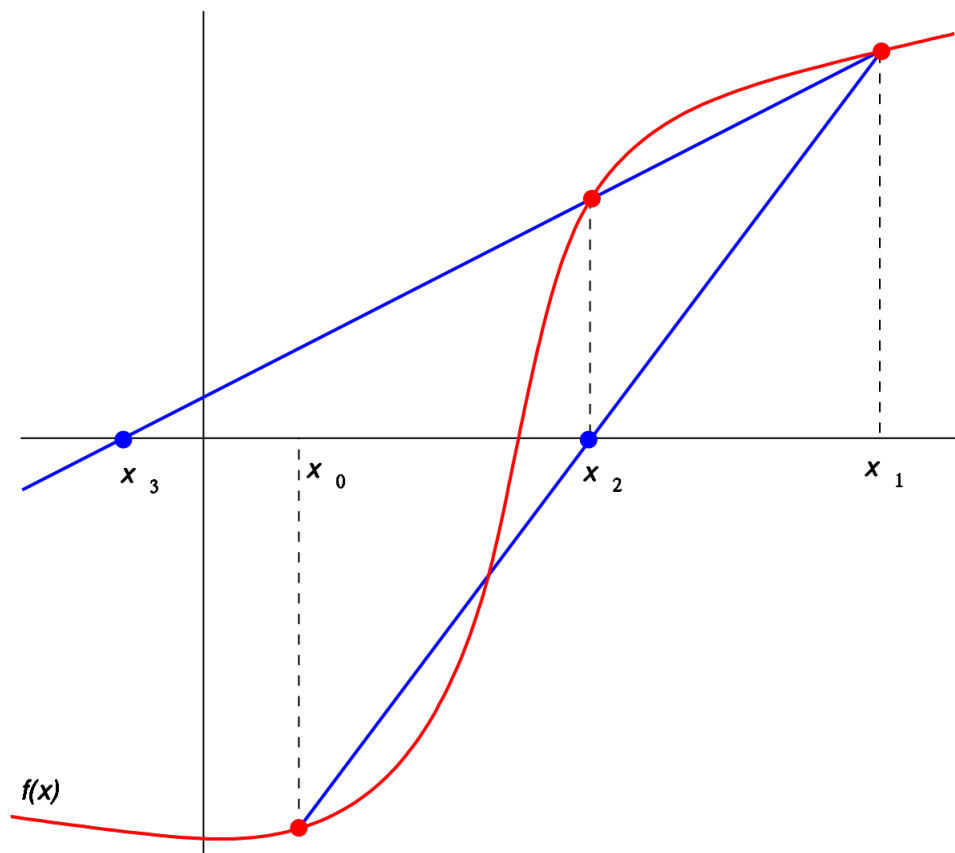
1. ZAD1.m - skrypt korzystający z własnego solwera siecznych i gotowego solwera Newtona

2. ZAD2.m - skrypt, korzystający z metody Müllera
 3. secant.m - skrypt znajdujący pierwiastki metodą siecznych
 4. newton.m - gotowy skrypt znajdujący pierwiastki metodą Newtona
 5. Function.m - skrypt z docelową funkcją
 6. RangeMaker.m - skrypt generujący przedziały izolacji pierwiastków
 7. horner.m - skrypt wykonujący deflację czynnikiem liniowym
 8. MM1.m - skrypt znajdujący pierwiastki wielomianu metodą Müllera
- (a) groupConsec.m, groupLims.m, groupTrue.m - skrypty użyte w ramach załączonej licencji do wyznaczenia przedziałów izolacji w RangeMaker.m

2 Metoda siecznych znajdowania pierwiastka funkcji

2.1 Wprowadzenie teoretyczne

W analizie numerycznej metoda siecznych jest algorytmem znajdowania miejsc zerowych, który wykorzystuje kolejne miejsca zerowe siecznych linii w celu coraz lepszego przybliżenia miejsca zerowego funkcji f . Metoda siecznych można traktować jako przybliżenie różnicowe metody Newtona. Jednak metoda siecznych poprzedza metodę Newtona o ponad 3000 lat.



Rysunek 3: Metoda siecznych

Aby znaleźć zero funkcji, metoda siecznych jest zdefiniowana przez relację rekurencyjną:

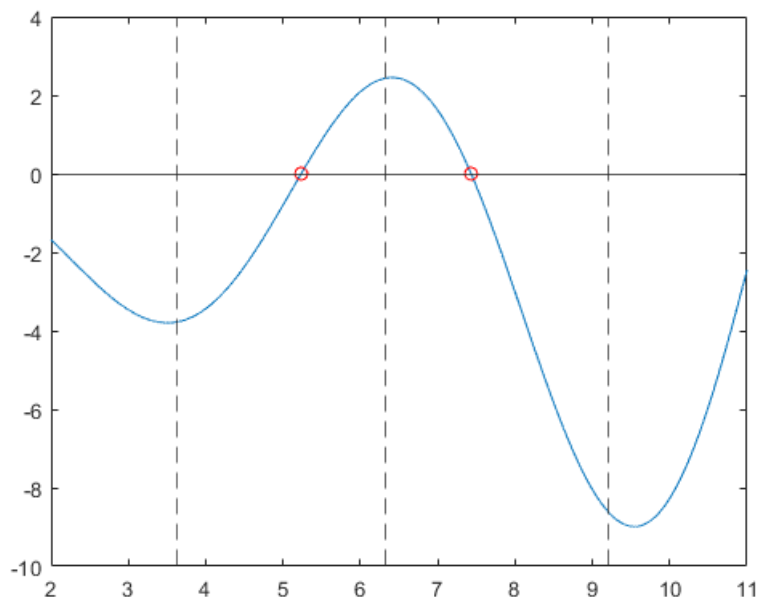
$$x_n = x_{n-1} - f(x_{n-1}) \frac{x_{n-1} - x_{n-2}}{f(x_{n-1}) - f(x_{n-2})} \quad (3)$$

2.1.1 Znajdowanie przedziałów izolacji pierwiastków

Metoda ta polega na znajdowaniu prawidłowości w wektorze początkowego przedziału, z którego chcemy wydzielić przedziały izolacji pierwiastków.

Na początku wyznaczamy miejsca, w których zmienia się znak funkcji i bierzemy średnią arytmetyczną między punktem "startowym", a punktem "końcowym", tym samym otrzymując żądane przedziały izolacji pierwiastków (algorytm działa tak, że nie trzeba podawać liczby pierwiastków, znajdzie je wszystkie).

2.2 Testowanie własnego solwera



Rysunek 4: Znalezione pierwiastki z zaznaczonymi przerywanymi liniami przedziałami izolacji

Zostały znalezione dwa przedziały izolacji pierwiastków przez funkcję *RangeMaker.m*, co zgadza się z wykresem funkcji w zadanym przedziale.

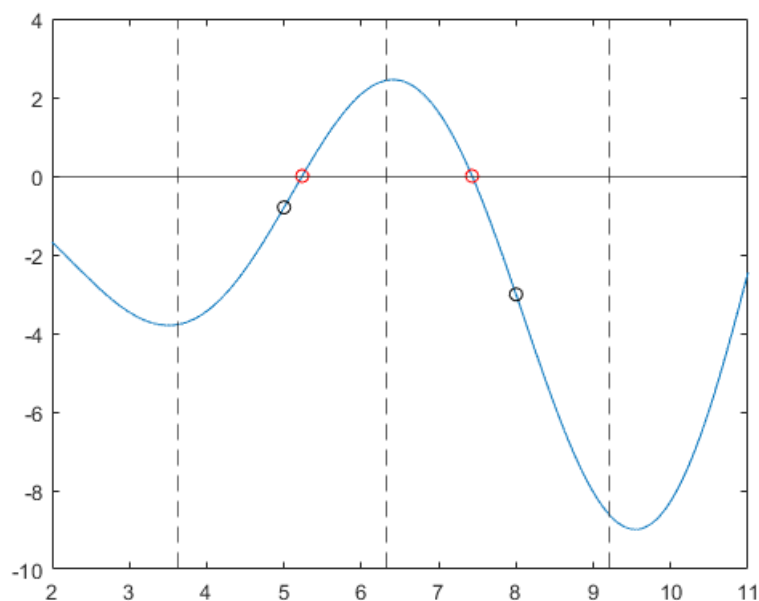
	Przedział izolacji	$f(a)$	$f(b)$
1	[3.6180, 6.3340]	-3.780552	2.435556
2	[6.3340, 9.2160]	2.435556	-8.635067

Tabela 1: Przedziały izolacji pierwiastków

	Znalezione pierwiastki x	$f(x)$	Liczba iteracji
1	5.2353	-1.585843e-12	5
2	7.4317	3.641532e-14	7

Tabela 2: Odnalezione pierwiastki metodą siecznych

3 Testowanie gotowego algorytmu Newtona



Rysunek 5: Znalezione pierwiastki z zaznaczonymi przerywanymi liniami przedziałami izolacji, czarnym kolorem oznaczone są punkty początkowe poszukiwań, a czerwonym kolorem znalezione pierwiastki

Przedziały izolacji te same. Punkt początkowy algorytmu brałem jako środek przedziału izolacji pierwiastka.

	Znal. pierwiastki x	$f(x)$	Punkt początkowy x_{pp}	$f(x_{pp})$	Liczba iteracji
1	5.2353	-5.329071e-15	5	-0.798942	7
2	7.4317	0	8	-3.012025	7

Tabela 3: Znalezione pierwiastki metodą Newtona

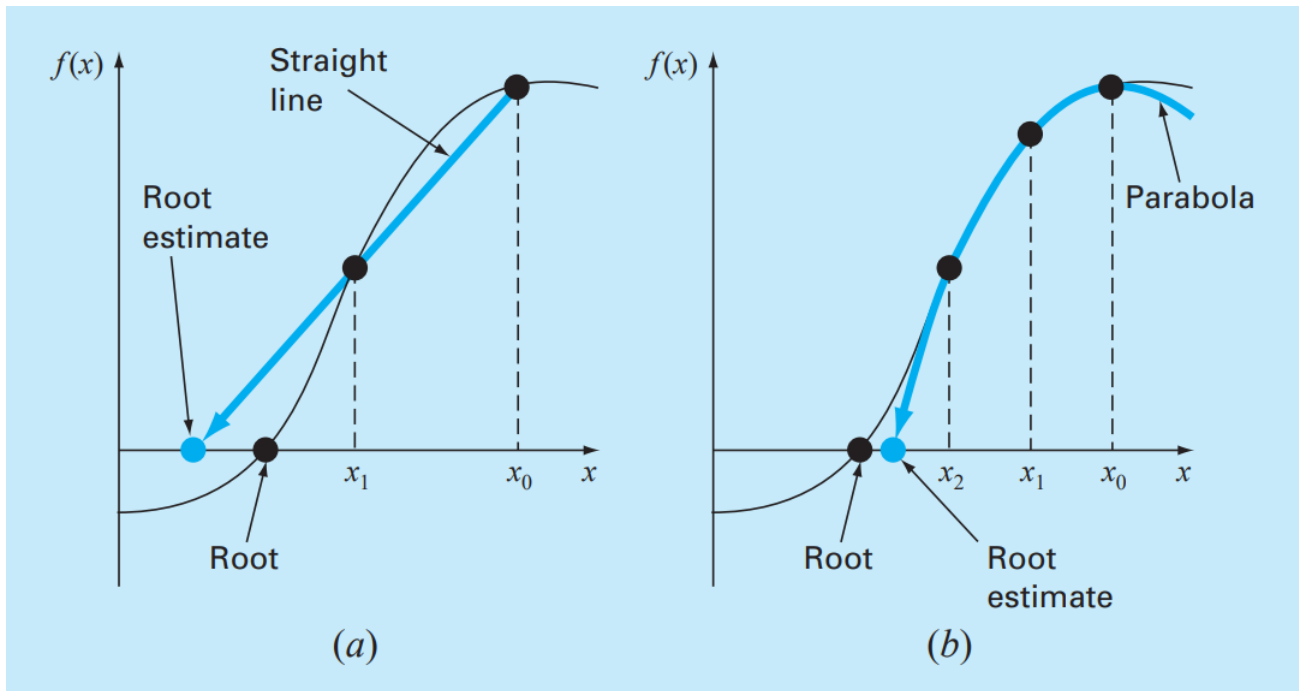
Porównując z wynikami dla metody siecznych można zauważyć, że dokładność dla metody Newtona jest większa niż dla metody siecznych przy podobnej liczbie iteracji. Metoda Newtona jest znana z szybkiego zbiegania do rozwiązania (tutaj można by stosować np. inne kryteria wyboru punktu początkowego, aby uzyskać jeszcze lepsze wyniki), zwłaszcza gdy początkowe przybliżenie jest dostatecznie bliskie rzeczywistego rozwiązania i gdy funkcja jest dobrze zachowana wokół pierwiastka. Jeśli te warunki są spełnione, metoda Newtona może osiągnąć wysoką dokładność.

4 Znalezienie wszystkich pierwiastków wielomianu metodą Müllera MM1

4.1 Wprowadzenie teoretyczne

Bierze pod uwagę wartości zespolone.

Polega ona na aproksymacji wielomianu w otoczeniu rozwiązania funkcją kwadratową. Jest pewnego rodzaju uogólnieniem metody siecznych - zamiast interpolacji w dwóch punktach funkcją liniową (tzn. sieczną) dokonujemy interpolacji w trzech punktach funkcją kwadratową. Istnieją dwa rodzaje algorytmu: MM1 i MM2. W tym projekcie wykorzystywana jest metoda MM1.



Rysunek 6: Porównanie metody siecznych i Müllera MM1

Metoda polega na kolejnym wyznaczaniu współczynników paraboli przechodzącej przez trzy punkty. Następnie można te współczynniki podstawić do wzoru na miejsca zerowe funkcji kwadratowej, aby otrzymać punkt przecięcia paraboli z osią x, czyli przybliżenie poszukiwanego pierwiastka. Ten sposób jest ułatwiony poprzez zapisanie równania parabolicznego w dogodnej formie:

$$f(x) = a(x - x_2)^2 + b(x - x_2) + c \quad (4)$$

Chcemy by parabola ta przecinała trzy punkty: $[x_0, f(x_0)]$, $[x_1, f(x_1)]$, $[x_2, f(x_2)]$. Otrzymujemy więc równania, które prowadzą do:

$$\begin{aligned} f(x_0) &= a(x_0 - x_2)^2 + b(x_0 - x_2) + c \\ f(x_1) &= a(x_1 - x_2)^2 + b(x_1 - x_2) + c \\ f(x_2) &= a(x_2 - x_2)^2 + b(x_2 - x_2) + c \end{aligned} \quad (5)$$

Z ostatniego równania mamy $f(x_2) = c$. Aby wyznaczyć współczynniki a i b, wprowadźmy wyrażenia różnicowe:

$$\begin{aligned} h_0 &= x_1 - x_0 \\ h_1 &= x_2 - x_1 \\ \delta_0 &= \frac{f(x_1) - f(x_0)}{x_1 - x_0} \end{aligned}$$

$$\delta_1 = \frac{f(x_2) - f(x_1)}{x_2 - x_1} \quad (6)$$

Możemy te równania podstawić do równań (4) i uzyskać:

$$\begin{aligned} a &= \frac{\delta_1 - \delta_0}{h_1 + h_0} \\ b &= ah_1 + \delta_1 \\ c &= f(x_2) \end{aligned} \quad (7)$$

W efekcie mamy, korzystając ze wzorów na równanie kwadratowe:

$$x_3 = x_2 + \frac{-2c}{b \pm \sqrt{b^2 - 4ac}} \quad (8)$$

Dla kolejnego przybliżenia rozwiązania bierzemy pierwiastek położony jak najbliżej x_2 , tj. o mniejszym module.

Przy wyznaczaniu kolejnych pierwiastków stosujemy opisaną w następnym punkcie deflację czynnikiem liniowym - jak gdyby usuwamy z pierwotnego wielomianu uzyskany już pierwiastek i szukamy nowych.

4.1.1 Deflacja czynnikiem liniowym

Wprowadźmy $f(x)$ i $Q(x)$:

$$f(x) = a_n x^n + a_{n-1} x^{n-1} + \dots + a_1 x + a_0 = (x - \alpha) \cdot Q(x) \quad (9)$$

$$Q(x) = q_n x^{n-1} + \dots + q_2 x + q_1 \quad (10)$$

A także α - aktualny pierwiastek wyznaczony z metody

Deflacji czynnikiem liniowym dokonuje się przy pomocy *sklejanego schematu Hornera*, tzn. szczególnie dla wielomianów wyższego rzędu:

- $q_n, q_{n-1}, \dots, q_{k+1}$ wyznaczamy zgodnie z algorytmem Hornera
- q_1, q_2, \dots, q_k wyznaczamy zgodnie z odwrotnym algorytmem Hornera

Stosujemy sklepany schemat Hornera, ponieważ wtedy uzyskujemy mniejsze błędy numeryczne kolejnych współczynników, niż w przypadku korzystania z jednej metody.

Algorytm Hornera sprowadza się do dzielenia wielomianu $f(x)$ przez jednomian $x - \alpha$

Prosty schemat Hornera:

$$\begin{aligned} q_{n+1} &= 0 \\ q_i &= a_i + q_{i+1}\alpha \quad i = n, n-1, \dots, 0 \end{aligned} \quad (11)$$

Odwrotny schemat Hornera:

$$\begin{aligned} q_0 &= 0 \\ q_{i+1} &= \frac{q_i - a_i}{\alpha} \quad i = 0, 1, 2, \dots, n-1 \end{aligned} \quad (12)$$

4.2 Wyniki

	Znalezione pierwiastki x	$f(x)$	Liczba iteracji
1	$0.2504+0.3461i$	$-1.998264e-10$	7
2	$0.2504 - 0.3461i$	$6.206588e-09$	6
3	1.7433	$8.881784e-16$	1
4	-3.1440	$-4.440892e-16$	1

Tabela 4: Znalezione pierwiastki wielomianu

Z załączonej tabeli wynika, że algorytm znajduje dużo szybciej pierwiastki rzeczywiste niż zespolone. Ze względu na swoją technikę interpolacji kwadratowej metoda Müllera jest często przydatna i skuteczna w przypadku równań zespolonych.

5 Listingi funkcji

5.1 ZAD1.m

```
1 range = 2:0.001:11;
2
3 figure(1)
4 plot(range, arrayfun(@Function, range))
5 hold on
6 Output = RangeMaker(range)
7 yline(0, '-');
8
9 %Secant method
10 for i=Output
11     a = i{1}(1);
12     b = i{1}(2);
13     X = sprintf('Secant: Function(a) is %f', Function(a));
14     disp(X)
15     Y = sprintf('Secant: Function(b) is %f', Function(b));
16     disp(Y)
17     [x, iter] = secant(@Function, a, b, 10^-8)
18     W = sprintf('Secant: Function value of root: %d', Function(x));
19     disp(W)
20     Z = sprintf('Secant: Number of iterations: %d', iter);
21     disp(Z)
22     scatter(x, Function(x), 'r')
23 end
24 hold off
25
26 figure(2)
27 plot(range, arrayfun(@Function, range))
28 hold on
29 Output = RangeMaker(range);
30 yline(0, '-');
31 %Newton method
32 for i=Output
33     a = i{1}(1);
34     b = i{1}(2);
35     pp = ceil((a+b)/2)
36     Y = sprintf('Newton: Function(pp) is %f', Function(pp));
37     disp(Y)
38     [xf, ff, iexe, texe] = newton(@Function, (a+b)/2, 10^-8, 100);
39     xf
40     W = sprintf('Secant: Function value of root: %d', Function(xf));
41     disp(W)
42     Z = sprintf('Newton: Number of iterations: %d', iter);
43     disp(Z)
44     scatter(pp, Function(pp), 'black')
45     scatter(xf, Function(xf), 'r')
46 end
```

```
47 hold off
```

5.2 secant.m

```
1 function [x2, iter] = secant(f, x0, x1, eps)
2     % f – funkcja, ktorej pierwiastek znajdujemy
3     % x1 – pocz tek zakresu izolacji
4     % x2 – koniec zakresu izolacji
5     % eps – dopuszczany b d
6     % x2 – pierwiastek o b dzie co najwy ej eps
7     % iter – wykonana liczba iteracji
8     i=0;
9     while 1
10         i=i+1;
11         x2 = x1 - f(x1)*(x1-x0)/(f(x1)-f(x0));
12         x0 = x1;
13         x1 = x2;
14         if abs(f(x2))<=eps
15             break
16         end
17     end
18     iter=i;
19 end
```

5.3 newton.m

```
1 function [xf, ff, iexe, texe] = newton(f, x0, delta, imax)
2 %
3 % CEL
4 %     Poszukiwanie pierwiastka funkcji jednej zmiennej
5 %     metoda Newtona (stycznych)
6 %
7 % PARAMETRY WEJSCIOWE
8 %     f – funkcja dana jako wyrażenie
9 %     x0 – punkt początkowy
10 %     delta – dokładność
11 %     imax – maksymalna liczba iteracji
12 %
13 % PARAMETRY WYJSCIOWE
14 %     xf – rozwiązanie
15 %     ff – wartość funkcji w xf
16 %     iexe – liczba iteracji wykonanych
17 %     texe – czas obliczeń [s]
18 %
19 % PRZYKŁADOWE WYWOŁANIE
20 %     >> [xf, ff, iexe, texe] = newton(@ (x) sin(x), 2, 1e-8, 100)
21 %
22 % AUTOR, PROJEKT
23 %     Andrzej Karbowski,
24 %     Projekt z "Metod numerycznych" MNUM,
25 %     WEiT PW, sem. 22Z
```

```

26 %
27 syms X
28 % obliczenie pochodnej reprezentowanej jako funkcja anonimowa
29 df = matlabFunction(diff(f(X), X));
30 tic;
31 i = 0; x=x0; fx=feval(f,x);
32 while abs(fx) > delta && i < imax
33     i = i + 1; xpop = x;
34     % iteracyjne obliczanie nowego przybliżenia pierwiastka
35     x = x - fx/df(x);
36     fx=feval(f,x);
37 end
38 texe=toc; iexe=i;
39 xf=x; ff = fx;

```

5.4 Function.m

```

1 function f = Function(x)
2     f = 0.7.*x.*cos(x)-log(x+1);
3 end

```

5.5 RangeMaker.m

```

1 function Ranges = RangeMaker(range)
2     % range – początkowy przedział
3     % Ranges – array cell z poszczególnymi przedziałami izolacji
4     Ranges = {};
5     Function=@(x) 0.7*x.*cos(x)-log(x+1);
6     G=groupConsec(groupTrue(Function(range)>0)-groupTrue(Function(range)<0))
7     ;
8     [starts ,stops]=groupLims(G,1)
9     endpoints=sort(round((starts+stops)/2));
10    xline(range(endpoints), '—');
11    for i=1:length(endpoints)-1
12        Ranges{end+1} = [range(endpoints(i)), range(endpoints(i+1))];
13    end
14 end

```

5.6 horner.m

```

1 function q = horner(a, alpha)
2     % a – współczynniki wielomianu poddawanego deflacji czynnikiem
3     % liniowym
4     % alpha – aktualnie wyznaczony pierwiastek z metody
5     % q – współczynniki wielomianu poddanego deflacji czynnikiem liniowym
6     q = a;
7     q = [q, 0];
8     q(1) = 0;
9     for i=2:ceil(length(q)/2)
10        q(i)=a(i-1) + q(i-1)*alpha;
11    end
12    for i=length(q)-1:-1:ceil(length(q)/2)+1

```

```

12         q(i)=(q(i+1)-a(i))/alpha;
13     end
14     q = q(2:end-1);
15 end

```

5.7 MM1.m

```

1 function [x3, iter] = MM1(p, x0, x1, x2, eps)
2     % p - wsp czynniki wielomianu
3     % x0, x1, x2 - punkty pocz tkowe algorytmu
4     % eps - dopuszczany b d
5     % x3 - pierwiastek o b dzie co najwy ej eps
6     % iter - wykonana liczba iteracji
7     i=0;
8     while 1
9         i=i+1;
10        h0 = x1-x0;
11        h1 = x2-x1;
12        d0 = (polyval(p, x1)-polyval(p, x0))/h0;
13        d1 = (polyval(p, x2)-polyval(p, x1))/h1;
14        a = (d1-d0)/(h1+h0);
15        b = a*h1+d1;
16        c = polyval(p, x2);
17        rad = sqrt(b*b-4*a*c);
18        if abs(b+rad)>abs(b-rad)
19            denom = b+rad;
20        else
21            denom = b-rad;
22        end
23        dx3 = -2*c/denom;
24        x3 = x2+dx3;
25        if abs(polyval(p, x3))<eps
26            break
27        end
28        x0 = x1;
29        x1 = x2;
30        x2 = x3;
31    end
32    iter=i;
33 end

```

5.8 ZAD2.m

```

1 x0 = -4;
2 x1 = 0;
3 x2 = 4;
4 range=-4:0.01:4;
5 coef = [1, 0.9, -6, 3, -1];
6
7 % plot(range, polyval(coef, range))
8 % yline(0, '-');

```

```

9
10 while (length(coef)>1)
11     [x, iter] = MMI(coef, x0, x1, x2, 10^-8)
12     W = sprintf('Muller: Function value of root: %d', polyval(coef, x));
13     disp(W)
14     coef = horner(coef, x)
15 end

```