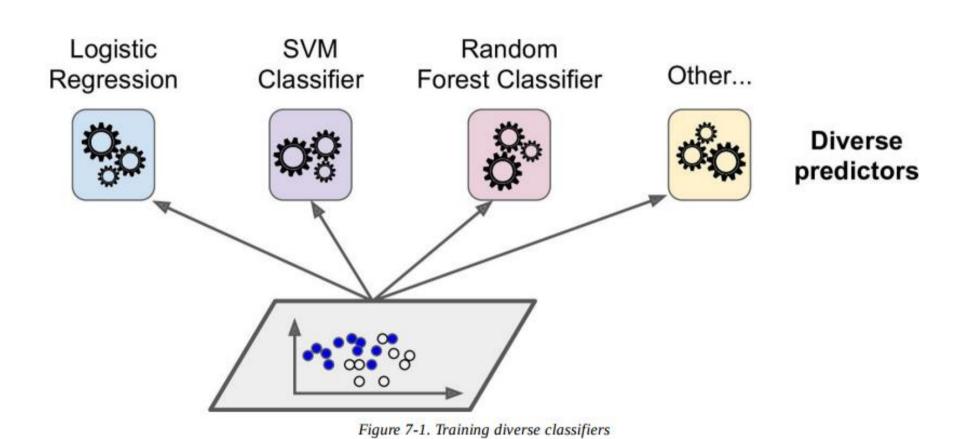
7장 앙상블학습(Ensemble Learning) 과 랜덤포리스트(Random Forests)

앙상블(Ensemble Method)

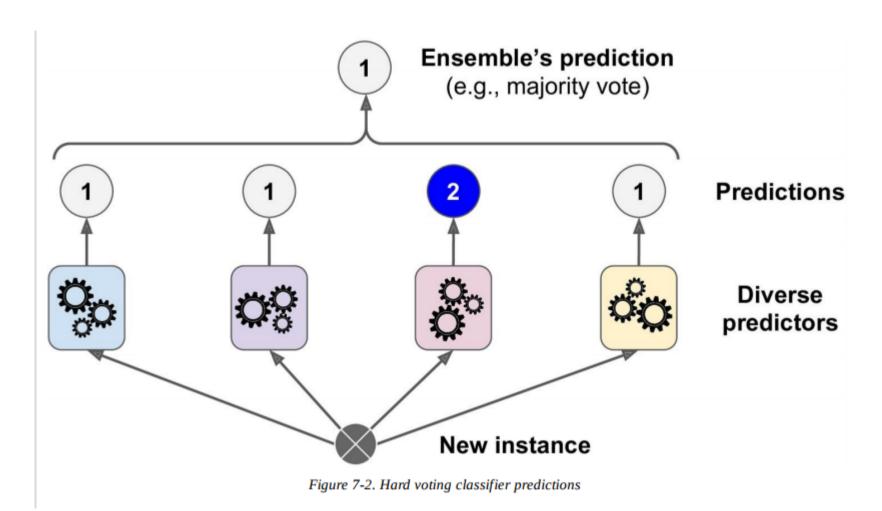
- 앙상블: 여러 개의 모델을 합친 것
- 여러 개의 모델을 합쳐 일반화 성능 향상 : 대중의 지혜(Wisdom of Crowd)
- 랜덤 포리스트 : 결정트리의 앙상블 → 매우 강력한 머신러닝 방법
- 앙상블 방법
 - 배깅 (bagging) : 중복을 허용하는 샘플링
 - 페이스팅(pasting): 중복을 허용하지 않는 샘플링
 - 부스팅(boosting): 이전 예측기의 오차를 보완해서 샘플링
 - 스태킹(stacking): 앙상블 결과 위에 예측을 위한 모델 추가

투표기반분류기(Voting classifiers)



기존 방법:

- 다양한 분류기를 학습.
- 정확도 가장 높은 분류기 선택하여 결과 예측



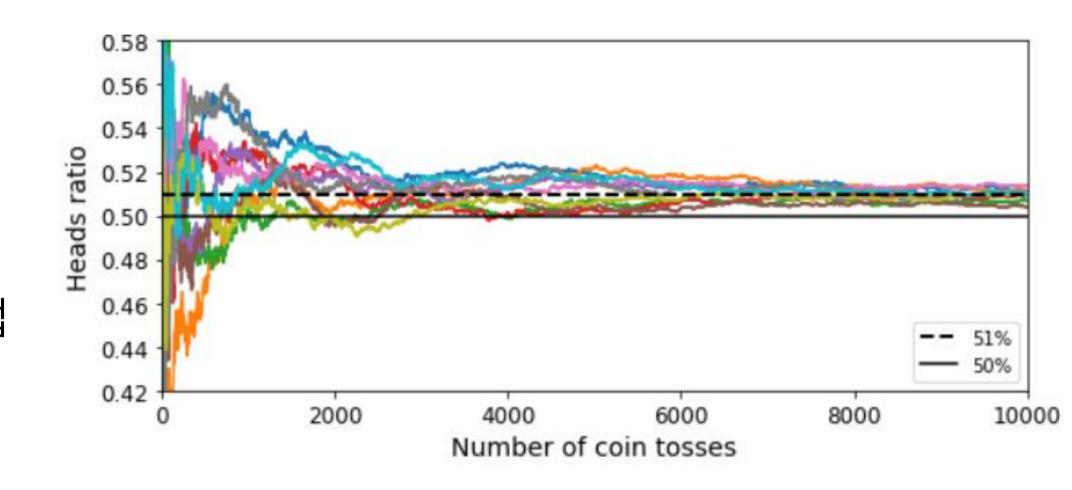
앙상블 방법:

- 다양한 분류기를 학습.
- 각 분류기 예측 결과를 혼합해서 최종 예측 결과를 결정 (위 예에서는 다수결 투표 했음)

Law of Large Numbers

샘플수가 많아지면 샘플 평균은 모집단 평균과 비슷해진다.

예) 앞면이 나올 확률이 51%인 동전 3개를 동시에 던져 앞면이 나온 비율? 할 때 마다 변화 큼 10,000개를 동시에 던져 앞면이 나온 비율 ? 51%에 근접



예) 앞면이 나올 확률이 51%인 동전 n개를 동시에 던져 앞면이 더 많이 나오는 확률?

n	3	10	100	1,000		1.000(앞면 나올 확률 0.55경우)
확률	51.50%	64.74%	61.81%	74.68%	97.78%	99.93%

→ 정확도가 각각 55%인 분류기 1,000개로 분류한 결과를 다수결로 앙상블한 결과 정확도는 얼마가 되겠는가?

투표기반분류기: 프로그램

학습:

- 3개 분류기 앙상블
- voting='hard' : 다수결 방법(default)

```
voting='soft' 로 변경하면 :
```

• 각 분류기의 클래스 확률 이용

```
# 학습, 정확도 계산
from sklearn.metrics import accuracy_score

for clf in (log_clf, rnd_clf, svm_clf, voting_clf):
    clf.fit(X_train, y_train)
    y_pred = clf.predict(X_test)
    print(clf.__class__.__name__, accuracy_score(y_test, y_pred))

    LogisticRegression 0.864
    RandomForestClassifier 0.896
    SVC 0.896
    VotingClassifier 0.912
```

분류 결과 :

- 앙상블한 것이 분류기 1개 사용한 것 보다 정확도 높음
- voting='soft'로 했으면 정확도 92%.
 - → 'hard'보다 높음

Soft voting : 각 분류기의 클래스 확률을 평균내서 가장 높은 클래스로 분류. 분류기들이 predict_proba()를 사용할 수 있어야 함

배깅(Bagging) 과 페이스팅(Pasting)

- 모델이 같아도 다른 학습 데이터 셋을 사용하여 학습하면 다른 분류기가 만들어 짐
 - → 학습 데이터 셋을 다양하게 해서 여러 개 분류기 만들어 앙상블하자
- 원 학습 데이터 셋에서 새로운 학습 데이터 셋을 샘플링
- 배깅(bagging) : 중복을 허용하는 샘플링. Bootstrap Aggregation

통계학에서는 중복을 허용하는 샘플링을 부트스트래핑(bootstrapping)이라고 함

- 페이스팅(pasting): 중복을 허용하지 않는 샘플링
- BaggingClassifier : 통계적 최빈값(statistical mode) 계산
- BaggingRegressor : 예측값의 평균 계산

배깅과 페이스팅: 프로그램

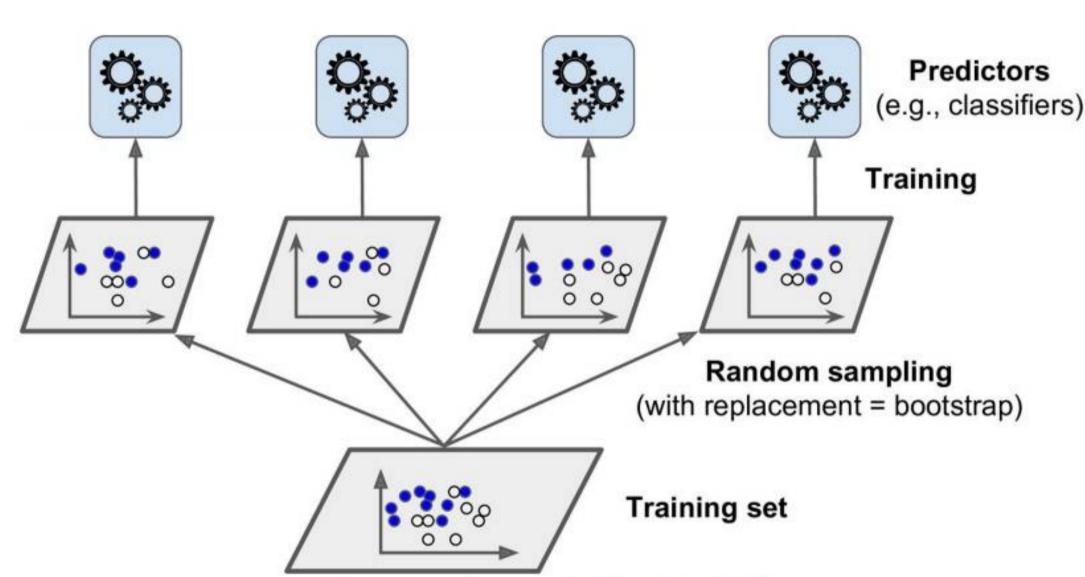


Figure 7-4. Pasting/bagging training set sampling and training

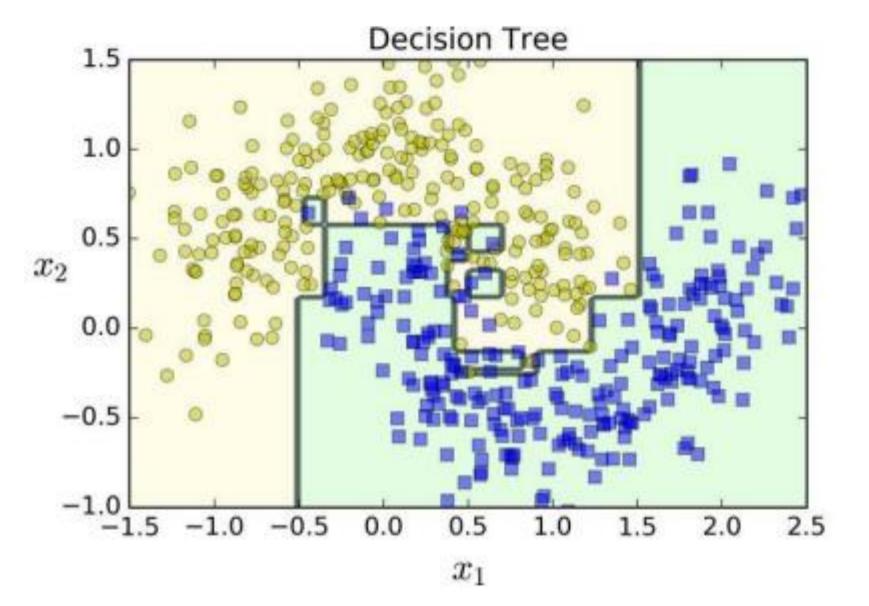
n_estimators : 학습할 분류기 개수

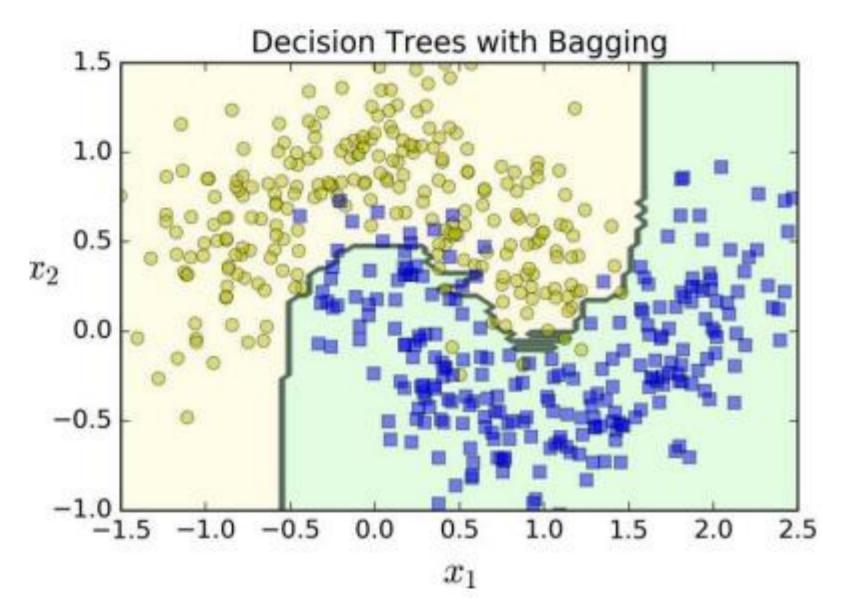
max_samples : 무작위로 선택할 샘플 수

bootstrap=True : Bagging (default),

False : Pasting

n jobs : 사용할 코어수(-1:모두)





한 개 결정트리 ←→ 500개 결정트리의 앙상블

- 결정경계가 더 부드러운 것은?
- 복잡도가 낮은 것은? 분산이 작은 것은? 편향이 큰 것은?
- 일반화가 잘 되는 것은?
- 예측하는데 시간이 더 걸리는 것은?
- 계산시간이 문제가 안되면 어떤 것을 선택하겠는가?

Out-of-bag evaluation (oob 평가)

```
1,000개 샘플에서 한번에 하나씩 무작위로 1,000번 꺼냈을 때 (bagging)
한번도 선택이 되지 않은 샘플의 개수는?
한번 샘플링할 때 어떤 샘플이 선택되지 않을 확률: 1 - 1/1000
1,000번 샘플링할 때 어떤 샘플이 선택되지 않을 확률: \left(1 - \frac{1}{1000}\right)^{1000} ≈ 0.368
63.2%만 선택됨
```

• 학습에 한번도 선택이 안된 샘플들 (out-of-bag instances)들을 평가에 사용하자

랜덤서브스페이스(random subspace method) 와 랜덤패치(random patch method)

• 특징이 많은 경우 특징에 대해서도 배깅 가능 : 랜덤 서브스페이스 (샘플에 대해서는 배깅 안 함 : 모든 샘플 사용)

bootstrap=False, max_samples=1.0, bootstrap_features=True, max_features=0.3

모든 샘플 사용

특징 30% (변경가능) 배깅

• 샘플과 특징 모두를 배깅 : 랜덤 패치

bootstrap=True, max_samples=0.4, bootstrap_features=True, max_features=0.3

샘플 40% (변경가능) 배깅

특징 30% (변경가능) 배깅

랜덤 포리스트 (Random Forest)

- RandomForestClassifier, RandomForestRegressor
- BaggingClassifier + DecisionTreeClassifier와 비슷
 - 노드를 분할할 때 DecisionTreeClassifier는 최적 특징 선택
 - RandomForestClassifier는 임의의 특징 선택

```
from sklearn.ensemble import RandomForestClassifier
rnd_clf = RandomForestClassifier(n_estimators=500, max_leaf_nodes=16, n_jobs=-1)
rnd_clf.fit(X_train, y_train)
                                              이렇게 하면 RandomForestClassifier와 비슷해 짐
y_pred_rf = rnd_clf.predict(X_test)
```

```
bag_clf = BaggingClassifier(
   DecisionTreeClassifier(splitter="random", max_leaf_nodes=16),
   n_estimators=500, max_samples=1.0, bootstrap=True, n_jobs=-1)
```

Bootstrap features = False (default)

엑스트라 트리 (Extra-Trees)

- 극단적으로 무작위한 트리 (Extremely Randomized Tree) 앙상블
- 랜덤 포리스트는 특징 선택은 랜덤, 선택된 특징에 대한 임계값은 최적값 계산
- 엑스트라 트리는 임계값 조차 랜덤 → 학습속도가 빠름
- 사용법은 랜덤포리스트와 비슷
 - RandomForestClassifier → ExtraTreesClassifier
 - RandomForestRegressor → ExtraTreesRegressor

랜덤포리스트: 특징중요도

• 랜덤 포리스트는 모든 특징에 대해 중요도 알려줌: feature_importances_ 특징으로 분할할 때 지니 불순도를 계산하므로, 그 특징이 불순도를 얼마나 낮추는가를 (가중치 평균으로) 계산할 수 있음. (한 노드에서 특징의 중요도 = 노드의 샘플 개수 * 불순도 – 왼쪽 자식노드의 샘플 개수 * 불순도 – 오른쪽 자식노드의 샘플 개수 * 불순도)

```
>>> from sklearn.datasets import load_iris

>>> iris = load_iris()

>>> rnd_clf = RandomForestClassifier(n_estimators=500, n_jobs=-1)

>>> rnd_clf.fit(iris["data"], iris["target"])

>>> for name, score in zip(iris["feature_names"], rnd_clf.feature_importances_):

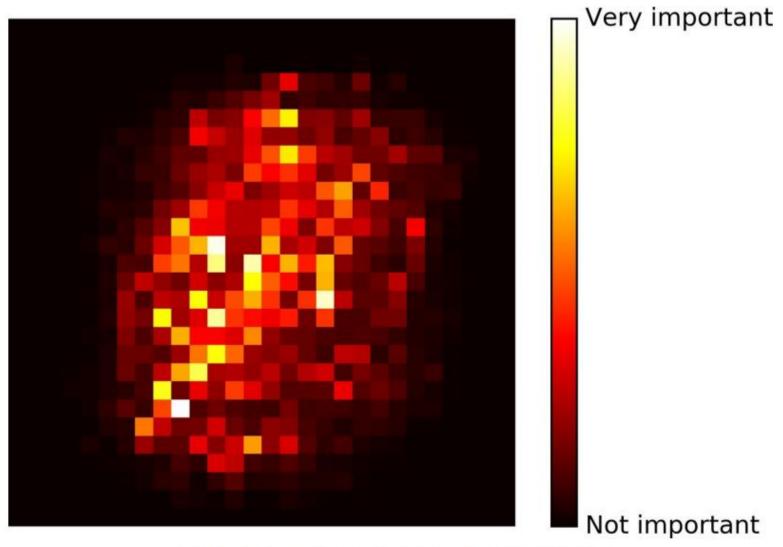
>>> print(name, score)

sepal length (cm) 0.112492250999

sepal width (cm) 0.0231192882825

petal length (cm) 0.441030464364

petal width (cm) 0.423357996355
```



│MNIST 각 화소 │(특징) 중요도

Figure 7-6. MNIST pixel importance (according to a Random Forest classifier)

부스팅 (Boosting)

- 가설 부스팅 (Hypothesis Boosting)
- 약한 학습기를 여러 개 연결해서 강한 학습기를 만드는 앙상블 방법
 - → 앞 모델을 보완해 나가도록 모델을 학습하여 연결해 나감
- 연속해서 모델을 학습해야 하므로 병렬화 하지 못함
- AdaBoost (Adpative Boosting), Gradient Boosting 이 있음

에이다부스트(아다부스트. AdaBoost)

- 가설 부스팅 (Hypothesis Boosting)
- 이전 모델이 놓친 샘플에 가중치를 크게 해서다시 학습

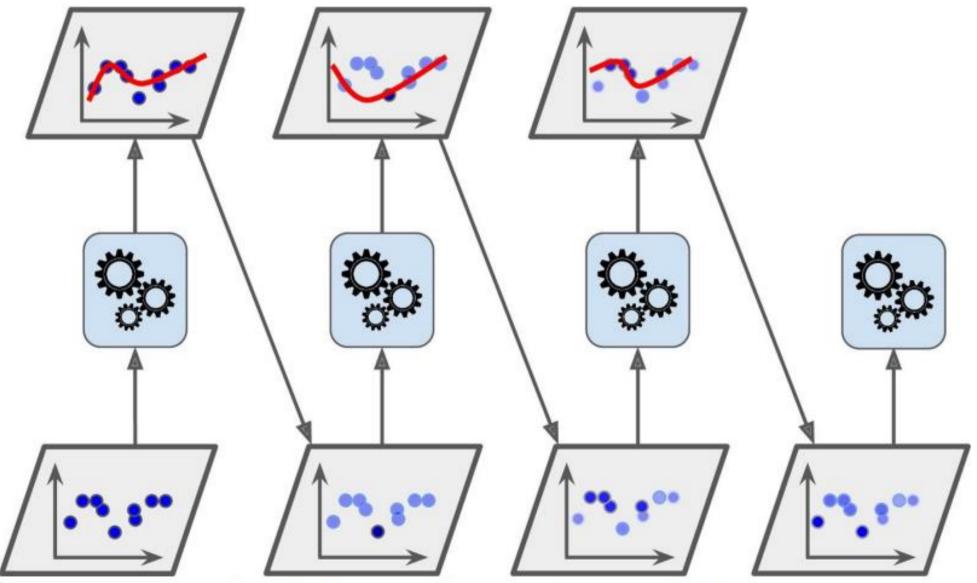
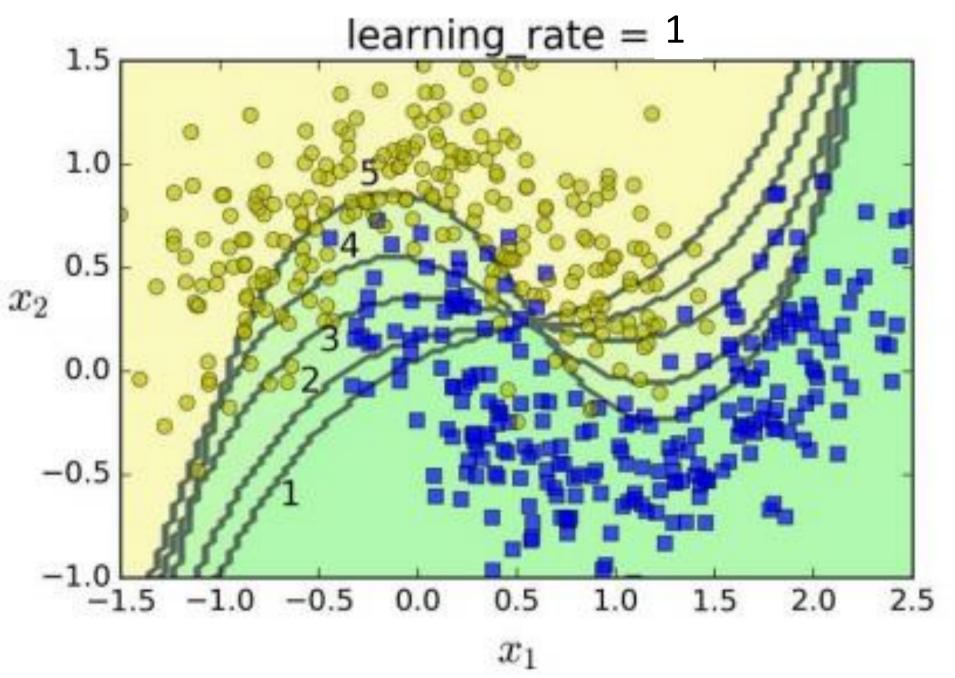


Figure 7-7. AdaBoost sequential training with instance weight updates



- 1번째 모델에서 틀린 샘플에 대해 가중치 주어 2번째 모델 학습...
- 계속하면 오차가 작은 방향으로 찾아감
- → 경사하강법과 비슷한 모양

아다부스트 알고리즘

가중치 적용된 에러율(w 초깃값은 1/m)

예측기 가중치 계산



가중치 업데이트

i번째 샘플의

가중치
$$w^{(i)} \leftarrow \begin{cases} w^{(i)} & \hat{y}_j^{(i)} = y^{(i)} 일 \text{ III} \\ w^{(i)} \exp(\alpha_j) & \hat{y}_j^{(i)} \neq y^{(i)} 일 \text{ IIII} \end{cases}$$

여기서 $i = 1, 2, \dots, m$



변경된 가중치로 새 예측기 학습

예측

$$\hat{y}(\mathbf{x}) = \underset{k}{\operatorname{argmax}} \sum_{j=1 \atop \hat{y}_{j}(\mathbf{x}) = k}^{N} \alpha_{j}$$

여기서 N은 예측기 수

사이킷런의 아다부스트 = SAMME의 이진 분류(K=2) 버전

$$\alpha_j = \eta \left(\log \frac{1 - r_j}{r_j} + \log(K - 1) \right)$$

predict_proba() 메서드가 있을 때: SAMME.R 알고리즘 사용

$$\alpha_j = -\eta \frac{K - 1}{\nu} y \log \hat{y}_j$$

$$\hat{y}(x) = \underset{k}{\operatorname{argmax}} \sum_{j=1}^{N} (K - 1) \left(\log \hat{y}_j - \frac{1}{K} \sum_{k=0}^{K} \hat{y}_j \right)$$

AdaBoostClassifier의 algorithm 매개변수 기본값이 'SAMME.R'이고 'SAMME'로도 지정할 수 있음

아다부스트 : 프로그램

- 사이킷런 : SAMME(Stagewise Additive Modeling using Multiclass loss function) 사용. 다중 클래스 지원
- 예측기가 클래스 확률을 추정할 수 있으면 SAMME.R 을 사용하는 것이 성능 향상됨

그래디언트 부스팅 (Gradient Boosting)

• 이전까지의 오차를 보정하도록 예측기를 추가 : 아다부스트와 동일

y_pred = sum(tree.predict(X_new) for tree in (tree_reg1, tree_reg2, tree_reg3))

• 잔여오차(residual error)에 새로운 예측기 학습 : 아다부스트는 샘플에 가중치 부여 (오차가 큰 샘플에 큰 가중치)

```
from sklearn.tree import DecisionTreeRegressor

tree_reg1 = DecisionTreeRegressor(max_depth=2)
tree_reg1.fit(X, y)

y2 = y - tree_reg1.predict(X) 잔여오차
tree_reg2 = DecisionTreeRegressor(max_depth=2)
tree_reg2.fit(X, y2)

y3 = y2 - tree_reg2.predict(X) 잔여오차
tree_reg3 = DecisionTreeRegressor(max_depth=2)
tree_reg3 = DecisionTreeRegressor(max_depth=2)
tree_reg3.fit(X, y3)
```

```
h(x_1) = h_1(x_1)
                                                                                                 h_1(x_1)
                                                                              0.6
                                                                                                                            0.6
                                                                              0.5
                                                                                                                            0.5
                                                                           y 0.41
                                                                                                                           0.4
                                                                                                                          y
                                                                              0.3
                                                                                                                            0.3
                                                                              0.2
                                                                                                                            0.2
                                                                              0.1
                                                                                                                            0.1
                                                                              0.0
                                                                                                                            0.0
                                                                             -0.1
                                                                                                                           -0.1
                                                                                           -0.2
                                                                                                                                         -0.2
                                                                                                                                                         0.2
                                                                                    -0.4
                                                                                                   0.0
                                                                                                           0.2
                                                                                                                   0.4
                                                                                                                                 -0.4
                                                                                                                                                 0.0
                                                                                                                                                                 0.4
                                                                                                   Residuals
                                                                                                                                           h(x_1) = h_1(x_1) + h_2(x_1)
                                                                              0.4
                                                                                                                            0.7
                                                                                                  h_2(x_1)
                                                                                                                            0.6
                                                                              0.2
                                                                                                                            0.5
                                                                          y - h_1(x_1)
                                                                                                                            0.4
                                                                                                                            0.3
from sklearn.tree import DecisionTreeRegressor
                                                                                                                            0.2
                                                                             -0.2
tree_reg1 = DecisionTreeRegressor(max_depth=2)
                                                                                                                            0.1
tree_reg1.fit(X, y)
                                                                                                                            0.0
                                                                             -0.4
                                                                                                                           -0.1
                                                                                           -0.2
                                                                                                                   0.4
                                                                                                                                 -0.4
                                                                                                                                                 0.0
                                                                                   -0.4
                                                                                                   0.0
                                                                                                           0.2
                                                                                                                                         -0.2
                                                                                                                                                         0.2
                                                                                                                                                                 0.4
                                                                                                                                       h(x_1) = h_1(x_1) + h_2(x_1) + h_3(x_1)
y2 = y - tree_reg1.predict(X)
                                                                              0.4
                                                                                                     h_3(x_1)
                                                                                                                            0.7
tree_reg2 = DecisionTreeRegressor(max_depth=2)
                                                                          -h_1(x_1) - h_2(x_1)
                                                                                                                            0.6
tree_reg2.fit(X, y2) h_2
                                                                                                                            0.5
                                                                                                                            0.3
 y3 = y2 - tree_reg2.predict(X)
                                                                                                                            0.2
                                                                             -0.2
 tree_reg3 = DecisionTreeRegressor(max_depth=2)
                                                                                                                            0.1
 tree_reg3.fit(X, y3) h_3
                                                                             -0.4
                                                                                                                            0.0
                                                                                                                   0.4
                                                                                                                                                 0.0
                                                                                           -0.2
                                                                                                                                         -0.2
                                                                                                                                                         0.2
                                                                                                                                                                0.4
                                                                                                   0.0
                                                                                                           0.2
                                                                                                                                 -0.4
                                                                                   -0.4
 y_pred = sum(tree.predict(X_new) for tree in (tree_reg1, tree_reg2, tree_reg3))
```

8.0

0.7

Residuals and tree predictions

Training set

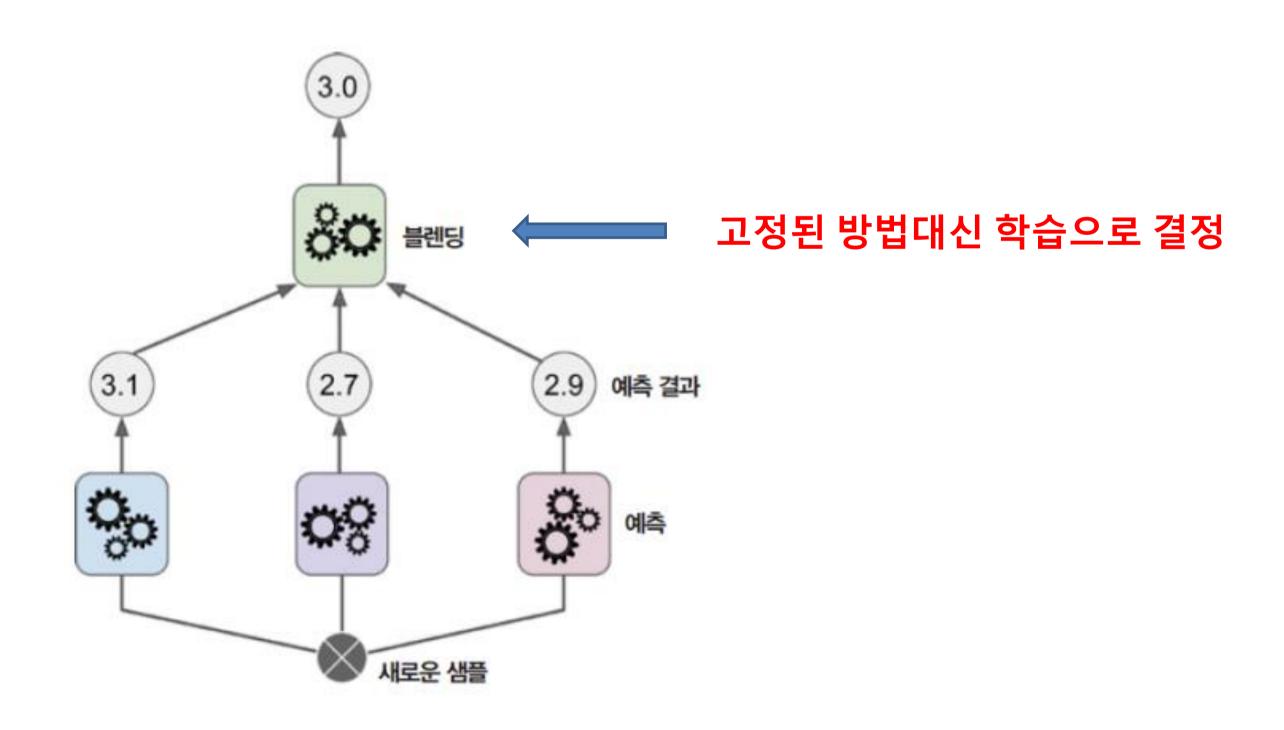
Ensemble predictions

Training set

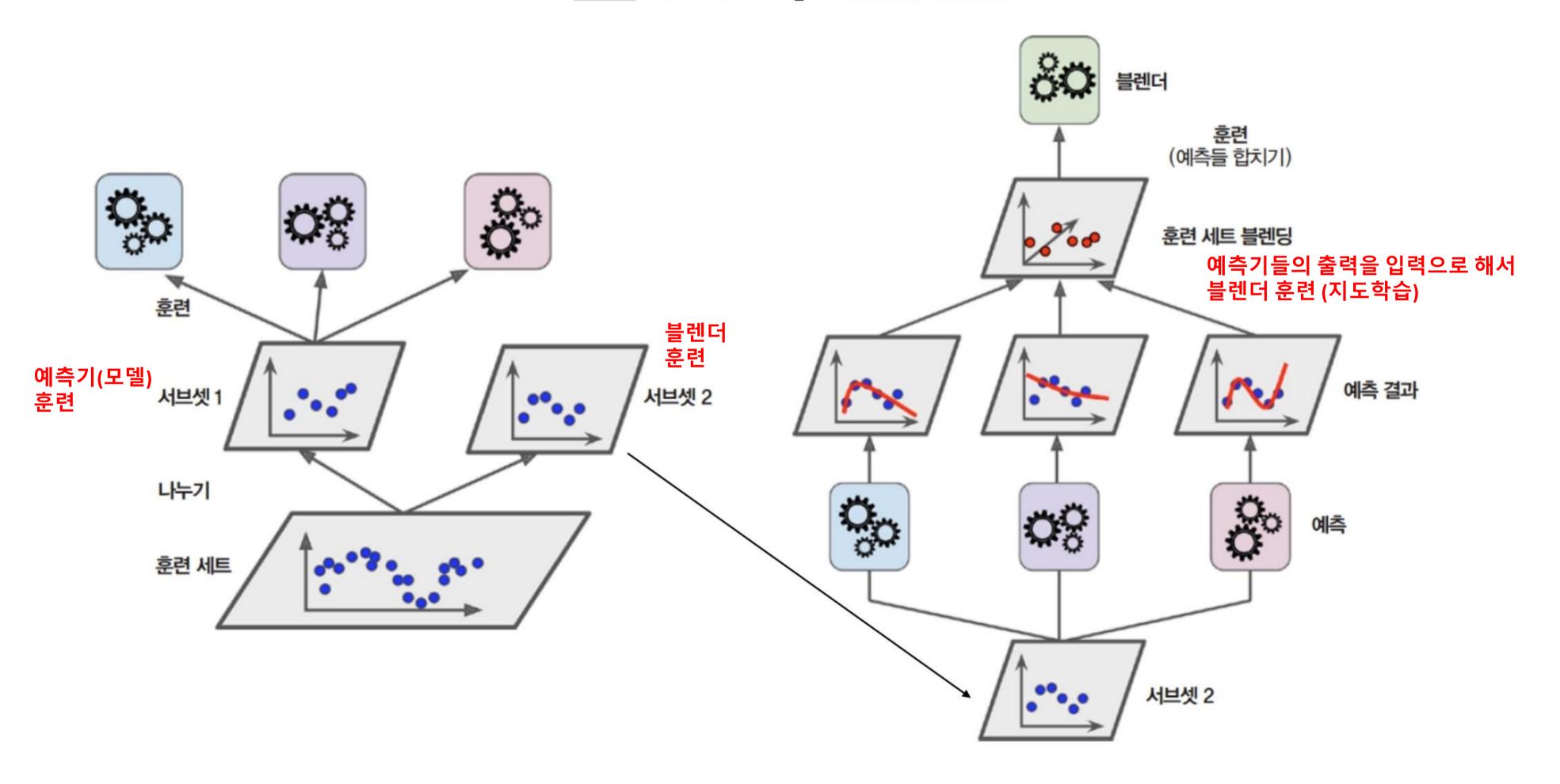
0.7

스태킹(Stacking)

• 예측기를 혼합하는 방법을 학습 : 블렌터(Blender) 혹은 메타학습기(Meta Learner)



블렌더 훈련



감사합니다