

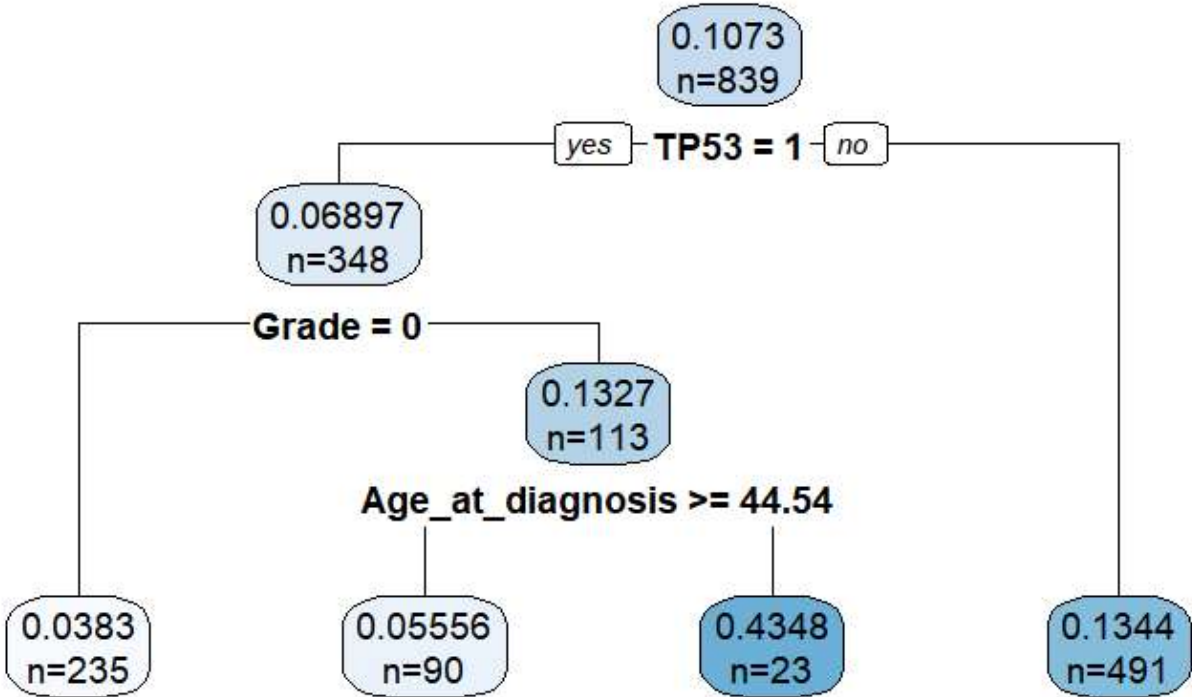
Ye Yuanlin 2021435142

Code ▾

神经胶质瘤是最常见的原发性脑肿瘤。根据组织学/影像学标准，它们可以分为 LGG（低级别胶质瘤）或 GBM（多形性胶质母细胞瘤）。临床和分子/突变因素对于分级过程也非常重要。分子检测对于帮助准确诊断神经胶质瘤患者来说是昂贵的。在该数据集中，考虑了 TCGA-LGG 和 TCGA-GBM 脑胶质瘤项目中最常突变的 20 个基因和 3 个临床特征。预测任务是确定患者是具有给定临床和分子/突变特征的 LGG 还是 GBM。主要目的是为胶质瘤分级过程找到突变基因的最佳子集和临床特征，以提高性能并降低成本。

Hide

```
setwd('D:/R and RStudio')
library(rpart.plot)
w=read.csv('TCGA_InfoWithGrade.csv',stringsAsFactors = T)
a=rpart(Race~.,w)
rpart.plot(a,digits = 4, extra = 1)
v=read.csv("TCGA_InfoWithGrade.csv", sep="," ,header=T, na.strings="--")
par(mfrow=c(1,2))
```



Hide

```
hist(v$Age, main='', xlab='Age', col=4);rug(v$Age)
plot(cars)
```

