

HPC MPI 2.

Wojciech Raczuk 459487

Optymalizacje

Napisałem implementacje optymalizacji:

- edge classification
- pruning (push / pull)
- hybrydyzacja
- redukcja powtórzeń (w stylu SPFA)

Optymalizacje są niezależne (o ile to możliwe) i włącza się je flagami.

```
it_cnt++;  
for (int u : active) {  
  
    #ifdef REMOVE_REPETITIONS  
    if (when_relaxed[u - low] == it_cnt)  
        continue;  
    when_relaxed[u - low] = it_cnt;  
    #endif // REMOVE_REPETITIONS  
}
```

Optymalizacje

Oprócz tego, miejscami używam parallel forów z OpenMP, do równiejszego podziału pracy.

Ze względu na ogromny rozmiar danych, zaimplementowałem szybkie wczytywanie, co znacząco poprawia stałą, zmniejszając czas wczytywania 2,5x.

```
long_edges.resize(high - low + 1);
#pragma omp parallel for
for (int i = 0; i < high - low + 1; i++) {
    auto it = partition(edges[i].begin(), edges[i].end(), [](pair<int, long> a) { return a.first < 0; });
    long_edges[i].reserve(edges[i].end() - it);
    for_each(it, edges[i].end(), [&](pair<int, long> a) { long_edges[i].push_back(a); });
    edges[i].resize(it - edges[i].begin());
}
```

```
unsigned long long read_ulong() {
    unsigned long long num = 0;
    int c = getchar_unlocked();
    if (c == EOF) {
        return (unsigned)-1;
    }

    while (c < '0' || c > '9') {
        c = getchar_unlocked();
    }

    while (c >= '0' && c <= '9') {
        num = num * 10 + (c - '0');
        c = getchar_unlocked();
    }

    return num;
}
```

Pruning

Moją uwagę zwrócił wzór:

$$\deg(v) \times \frac{d(v) - (k+1)\Delta}{w_{\max}}$$

Więcej sensu ma dla mnie MINowanie tego ułamka z 1.

Komunikację w pullach wykonuje przez RMA.

```
for (auto i : it->second) {  
    for (const auto& e : long_edges[i - low]) {  
        if (k * DELTA + e.second < dist[i - low]) {  
            batch[pos] = {.edge_len = e.second, .to = i};  
            MPI_Get(&batch[pos].dist, 1, MPI_LONG_LONG, whose  
            if (++pos == BATCH_SIZE)  
                free_batch();  
        }  
    }  
}
```

Pomiary

Pomiarów dokonywałem dla grafu mającego 10^6 wierzchołków i $16 * 10^6$ za każdy wątek (należy zwrócić uwagę, że choć każdy wątek dostanie tyle samo wierzchołków, to mogą różnić się liczbą krawędzi). Inspirując się pracą, wybrałem deltę równą $w_{\max} / 5$ i współczynnik do hybrydyzacji 0.4.

Graf budowałem skryptem z <https://github.com/farkhor/PaRMAT> i parametrami $A=0.5$, $B=C=0.1$ (RMAT-2).

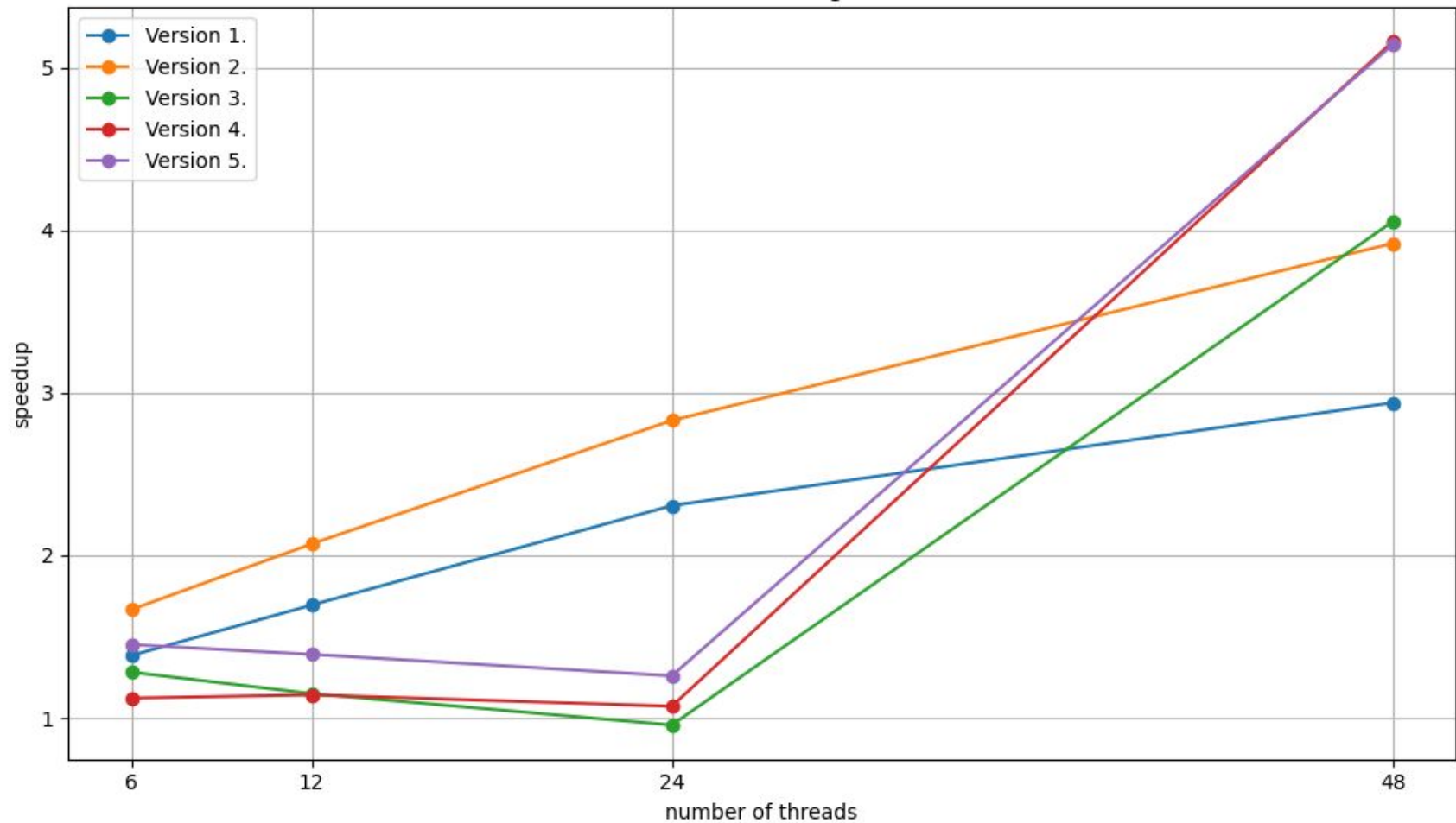
Pomiary

Zmierzyłem speedup dla kolejnych 5 wersji:

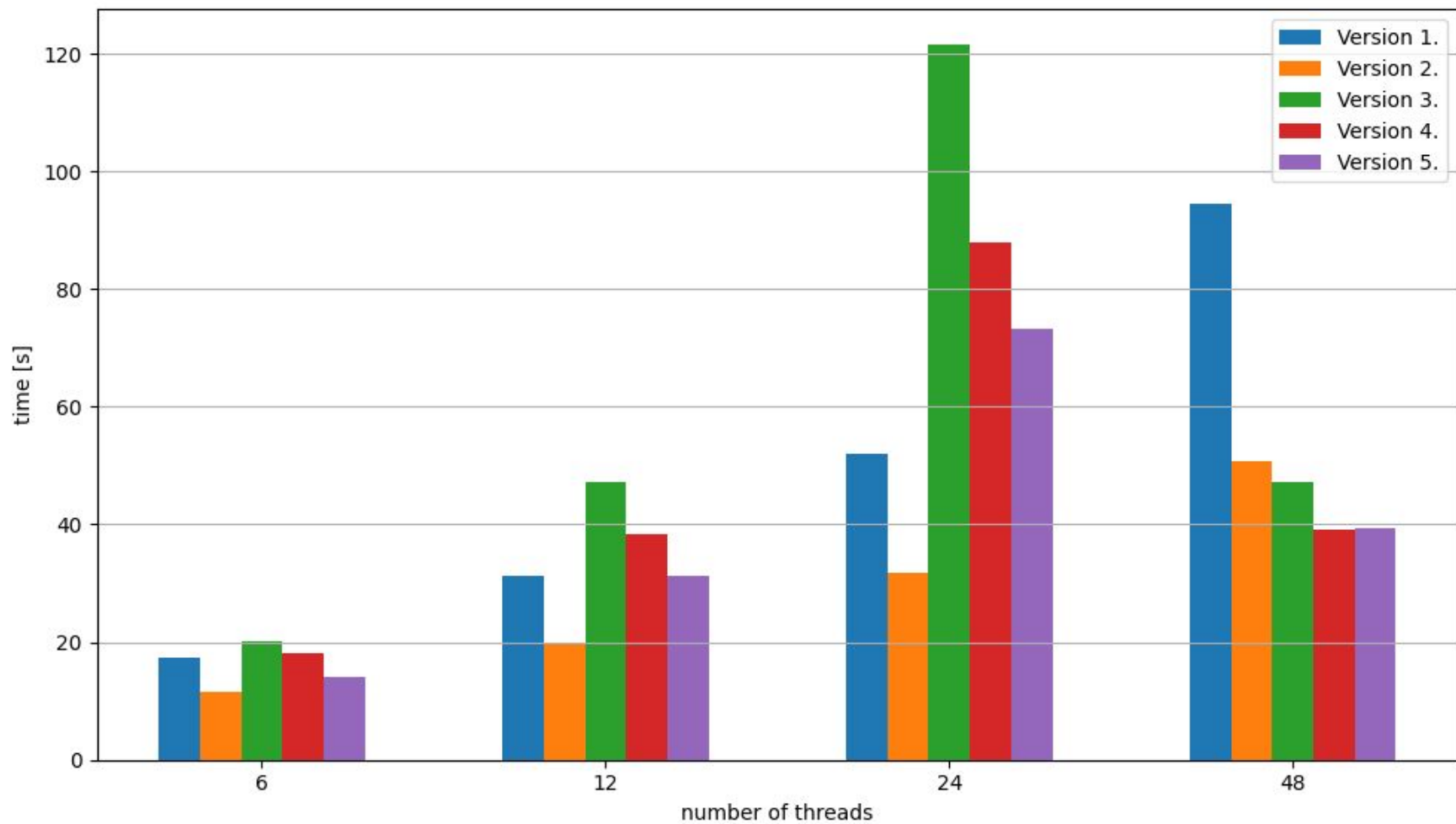
1. naiwna
2. naiwna + pozbywanie się powtórzeń
3. edge classification + pozbywanie się powtórzeń
4. pruning + pozbywanie się powtórzeń
5. pruning + hybrydyzacja + pozbywanie się powtórzeń

Speedup mierzyłem licząc sssp dla tego samego grafu na 1 wątku oraz wielu wątkach, a następnie dzieląc te wartości.

Weak scaling



Execution time



Wnioski

Rozwiązanie się skaluje, choć zaobserwowany współczynnik jest niższy niż liczba wątków. Prawdopodobnie jest to spowodowane nierównym podziałem pracy - przede wszystkim przy wczytywaniu danych. Najszybsza implementacja na 48 wątkach wykonuje się 38 sekund, z czego 26 to wczytywanie grafu.

Rzeczywisty czas wykonania dla implementacji naiwnej rośnie ~liniowo - ponieważ zależy to od maksymalnej pracy pojedynczego wątku, ma to sens. Zastanawiające jest zachowanie pozostałych implementacji - np. dlaczego czasy są dużo większe na 24 wątkach niż 48. Moim przypuszczeniem jest, że te 24 wątki nie były na 1 nodzie. Wtedy w wersji naiwnej, ponieważ relaksacje krótkich i długich krawędzi robimy razem, to sumarycznie jest dużo mniej różnych transferów, które pomiędzy nodami są bardziej kosztowne.