

PASSO 7 - Considerações finais

Diante dos resultados é possível inferir que família de genes BRX em *Arabidopsis thaliana* e *Oryza sativa* possuem regiões comuns bem conservadas e também se mostram agrupados diante da filogenética o que pode ser visto no dendrograma. Os diferentes genes são encontrados em diferentes cromossomos das duas espécies e também possuem número de introns entre 3 e 5. O gene OsBRXL5 (*Oryza sativa*) demonstrou uma maior dissimilaridade quando comparado aos demais o mesmo ficou alocado em um grupo diferente dos demais no dendrograma.