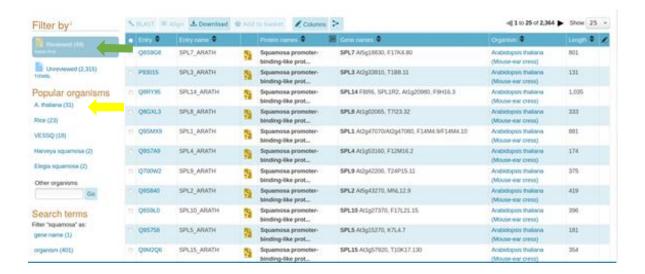
## PASSO 3 – Refinar os resultados

Nesse momento foram mostrados todos os resultados possíveis, entretanto foi feito um refino selecionando a espécie (*Arabidopsis thaliana*) e também apenas proteínas anotadas e revisas manualmente (Swiss-Prot)

O UniProt fornece dois tipos de anotações e é possível trabalha com as duas ou se escolher uma das categorias. São elas

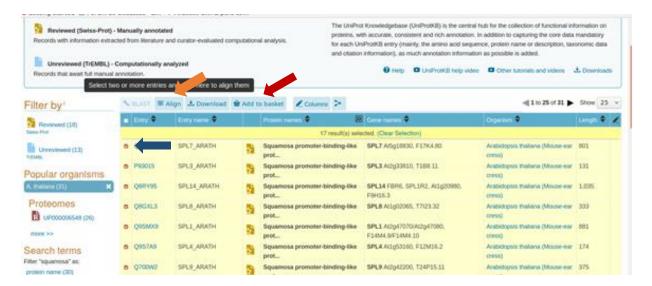
- Swiss-Prot Revisado
  - Registros anotados manualmente com informações extraídas da literatura e análise computacional avaliada pelo curador.
- TrEMBL Não revisado
   Registros analisados computacionalmente que aguardam anotação manual completa.



- Filtragem para resultados Swiss-Prot
- Filtragem para resultados em Arabidopsis thaliana

## PASSO 4 - Seleção das sequencias para o alinhamento

Nesse momento foram selecionados os resultados de interesse e estes foram adicionados a cesta que é um recurso lúdico que guarda todas as sequencias permitindo que se continue pesquisa e se guarde todas de interesse em um só lugar, depois foi realizado o alinhamento múltiplo



- Alinhamento múltiplo
- Seleção dos resultados em *Arabidopsis thaliana*
- Cesta de sequencias