




**José Henrique Souza Galdino Brandão**Endereço para acessar este CV: <http://lattes.cnpq.br/6488931318786842>

Última atualização do currículo em 19/01/2022

Resumo informado pelo autor

Graduado em Ciências Biológicas pela Universidade Estadual do Sudoeste da Bahia (Campus de Jequié/BA). Mestre formado pelo Programa de Pós Graduação em Genética, Biodiversidade e Conservação na Universidade Estadual do Sudoeste da Bahia (Campus de Jequié/BA). Doutor formado pelo Programa de Pós Graduação em Genética e Biologia Molecular na Universidade Federal do Rio Grande do Sul (UFRGS Campus do Vale - Porto Alegre/RS). Possui experiência em Genética, Biologia Molecular e Bioinformática, com atuação em Genética Humana na graduação, Genética Animal no mestrado e Genômica e Transcriptômica vegetal no doutorado.

(Texto informado pelo autor)**Links para Outras Bases:**[SciELO - Artigos em texto completo](#) **Nome civil****Nome** José Henrique Souza Galdino Brandão**Dados pessoais****Filiação** Osman Nery Brandão Júnior e Joventina Souza Galdino Brandão**Nascimento** 05/01/1987 - Jequié/BA - Brasil**Carteira de Identidade** 1284047105 SSP - BA - 04/10/2006**CPF** 030.012.345-04**Formação acadêmica/titulação**

- 2014 - 2018** Doutorado em Programa de Pós-Graduação em Genética e Biologia Molecular. Universidade Federal do Rio Grande do Sul, UFRGS, Porto Alegre, Brasil
Título: Análise da diversidade molecular em *Araucaria angustifolia* a partir de sequências de microRNAs e do cloroplasto, Ano de obtenção: 2018

Orientador: Rogerio Margis
Co-orientador: Frank Lino Guzmán Escudero
Bolsista do(a): Conselho Nacional de Desenvolvimento Científico e Tecnológico
- 2012 - 2014** Mestrado em GENÉTICA, BIODIVERSIDADE E CONSERVAÇÃO. Universidade Estadual do Sudoeste da Bahia, UESB, Vitória Da Conquista, Brasil
Título: DNA BARCODING PARA IDENTIFICAÇÃO TAXONÔMICA DA ICTIOFAUNA COSTEIRA DA BAHIA, Ano de obtenção: 2014

Orientador: Paulo Roberto Antunes de Mello Affonso
Co-orientador: Iracilda Sampaio
Bolsista do(a): Fundação de Amparo à Pesquisa do Estado da Bahia
- 2007 - 2012** Graduação em Ciências Biológicas. Universidade Estadual do Sudoeste da Bahia, UESB, Vitória Da Conquista, Brasil
Título: Estratégias alternativas para o ensino de Biologia Molecular no ensino médio
Orientador: Marcos Lopes de Souza

Formação complementar

- 2021 - 2021** Curso de curta duração em Minicurso de montagem e análise de genomas de procaríotos. (Carga horária: 15h). Universidade Federal de Minas Gerais, UFMG, Belo Horizonte, Brasil
- 2016 - 2016** Curso de curta duração em Análise de Transcriptomas e microRNAs. (Carga horária: 36h). Laboratório Nacional de Computação Científica, LNCC, Petropolis, Brasil
Bolsista do(a): Conselho Nacional de Desenvolvimento Científico e Tecnológico
- 2015 - 2015** Curso de curta duração em Genomics Bootcamp Workshop. (Carga horária: 40h). Universidade Federal do Rio Grande do Sul, UFRGS, Porto Alegre, Brasil
- 2013 - 2013** Métodos de análise filogenética. . (Carga horária: 5h). Universidade Estadual do Sudoeste da Bahia, UESB, Vitória Da Conquista, Brasil
- 2013 - 2013** Extensão universitária em ESTÁGIO SOBRE AS TÉCNICAS DE SEQUENCIAMENTO DE DNA. (Carga horária: 100h). Universidade Federal do Pará, UFPA, Belem, Brasil
- 2013 - 2013** Barcode of Life Data Systems - submissão de dados. . (Carga horária: 48h). Pontifícia Universidade Católica de Minas Gerais, PUC Minas, Belo Horizonte, Brasil
- 2010 - 2010** Marcadores moleculares em análises populacionais. . (Carga horária: 3h). Sociedade Brasileira de Genética, SBG, Ribeirao Preto, Brasil
- 2010 - 2010** Genética no diagnóstico animal. . (Carga horária: 3h). Sociedade Brasileira de Genética, SBG, Ribeirao Preto, Brasil
- 2010 - 2010** Genética forense. . (Carga horária: 3h). Sociedade Brasileira de Genética, SBG, Ribeirao Preto, Brasil
- 2009 - 2009** Escola brasileira de melhoramento vegetal. . (Carga horária: 6h). Universidade Estadual do Sudoeste da Bahia, UESB, Vitória Da Conquista, Brasil
- Uso de marcadores moleculares em diversidade. . (Carga horária: 6h).

- 2009 - 2009** Universidade Estadual do Sudoeste da Bahia, UESB, Vitória Da Conquista, Brasil
- 2007 - 2007** Tipagem sanguínea. . (Carga horária: 6h).
Universidade Estadual do Sudoeste da Bahia, UESB, Vitória Da Conquista, Brasil
- 2007 - 2007** Genética Humana e Educação inclusiva. . (Carga horária: 6h).
Universidade Estadual do Sudoeste da Bahia, UESB, Vitória Da Conquista, Brasil

Atuação profissional

1. Universidade Estadual do Sudoeste da Bahia - UESB

Vínculo institucional

- 2010 - 2011** Vínculo: Bolsista IC FAPESB , Enquadramento funcional: Bolsista Iniciação Científica , Carga horária: 20, Regime: Dedicção exclusiva
Outras informações:
Bolsista de Iniciação Científica vinculado ao projeto intitulado "Diversidade genética em peixes do gênero *Astyanax* (Characidae) do estado da Bahia.
- 2009 - 2010** Vínculo: Bolsista IC FAPESB , Enquadramento funcional: Bolsista Iniciação Científica , Carga horária: 20, Regime: Dedicção exclusiva
Outras informações:
Bolsista de Iniciação Científica pela FAPESB /UESB vinculado ao projeto intitulado "Estudo do polimorfismo M235T no gene da angiotensina em uma amostra afro-descendente do município de Maracás (BA).

Atividades

- 08/2010 - 12/2010** Serviço Técnico Especializado, Departamento de Ciências Biológicas
- Especificação:
monitoria voluntária da disciplina biologia molecular com carga horária de 192 h*

Projetos

Projetos de pesquisa

- 2014 - 2018** Análise da diversidade molecular em *Araucaria angustifolia* a partir de sequências de microRNAs e do cloroplasto
- Descrição: *Araucaria angustifolia*, comumente chamada de Pinheiro do Paraná, é a principal espécie de conífera endêmica do Brasil com importância comercial. *A. angustifolia* destacou-se como a espécie de maior interesse para a indústria madeireira na região Sul do Brasil no século passado. Por apresentar madeira de excelente qualidade e alto valor comercial, esta espécie foi alvo de extrativismo predatório durante décadas, sofrendo um decréscimo populacional acentuado. Atualmente, *A. angustifolia* é classificada como espécie criticamente ameaçada de extinção. Esta espécie tem sido alvo de diversos estudos genéticos, principalmente com foco em embriogênese somática. Recentemente, uma análise transcriptômica em estágios iniciais de desenvolvimento foi realizada a partir de dados de RNA-seq, os quais encontram-se disponíveis no NCBI. Esses dados, juntamente com dados de sequenciamento de pequenos RNAs gerados no presente projeto, serão utilizados em novas análises a fim de se obter novos recursos genéticos e genômicos em *A. angustifolia*.
Situação: Concluído Natureza: Projetos de pesquisa
Alunos envolvidos: Doutorado (3);
Integrantes: José Henrique Souza Galdino Brandão; Nureyev F. Rodrigues; Maria Eguiluz; Frank Guzman; Rogério Margis (Responsável)
Número de produções C,T & A: 3/
- 2012 - 2014** DIVERSIDADE GENÉTICA DA ICTIOFAUNA MARINHA DA COSTA DA BAHIA
- Descrição: A Bahia representa o estado brasileiro de maior extensão litorânea, com alta diversidade de habitats e expressiva produção pesqueira. Curiosamente, apesar dessas características, pouco se conhece sobre a diversidade genética da ictiofauna regional. A citogenética de peixes é considerada uma ferramenta útil na caracterização de variações endofenotípicas e no estabelecimento de hipóteses evolutivas. O uso combinado com técnicas de análise molecular, como DNA barcoding, permite ainda gerar marcadores espécie-específicos e populacionais com diversas aplicações em taxonomia, sistemática e conservação. Com base nessas premissas, o projeto visa: (1) caracterizar e comparar citogeneticamente populações naturais de espécies de peixes marinhos com ocorrência no litoral da Bahia e (2) montar um banco de DNA das amostras, acompanhado de registros morfológicos e de localidade, para análises de DNA barcoding a fim de mensurar a diversidade interespecífica. Tais dados inéditos auxiliarão na taxonomia e identificação de eventuais formas crípticas do litoral baiano. No caso daquelas com potencial para aquicultura, os resultados poderão ser aplicados em projetos de melhoramento genético. Consequentemente, os desdobramentos relacionados ao presente projeto irão contribuir para o desenvolvimento técnico-científico da região e para o fortalecimento da pesquisa no estado da Bahia.
Situação: Concluído Natureza: Projetos de pesquisa
Alunos envolvidos: Mestrado acadêmico (1); Doutorado (4);
Integrantes: José Henrique Souza Galdino Brandão; PAULO ROBERTO ANTUNES DE MELLO AFFONSO (Responsável); Ana Karina de Francisco; Jamille de Araújo Bitencourt; IRACILDA SAMPAIO
Financiador(es): Fundação de Amparo à Pesquisa do Estado da Bahia-FAPESB
Número de produções C,T & A: 4/
- 2010 - 2011** Diversidade genética em peixes do gênero *Astyanax* (Characidae) do estado da Bahia
- Descrição: O gênero *Astyanax* (Characidae) abrange peixes popularmente conhecidos como piabas ou lambanis, sendo um dos gêneros dominantes na América do Sul. Revisões recentes contabilizam cerca de 100 espécies e subespécies de *Astyanax*. Assim, são necessários estudos que possam auxiliar a taxonomia e identificar as variações populacionais das espécies. Nesse sentido, a utilização de um único primer curto de sequência arbitrária para reações de PCR, capaz de gerar um padrão de bandas polimórfico e informativo, constitui um advento importante para análise genética das populações e espécies. Essa metodologia, denominada RAPD (DNA polimórfico amplificado ao acaso), apresenta vários benefícios como baixo custo, rapidez e, principalmente, por dispensar o conhecimento prévio das sequências gênicas dos indivíduos. Em peixes neotropicais, os marcadores RAPD têm sido úteis no manejo de espécies, relacionando dados de variabilidade genética com parâmetros ambientais e identificando estruturação e espécies crípticas. O uso do RAPD representa portanto uma ferramenta eficaz para avaliar a diversidade e diferenciação populacional de *Astyanax* na Bahia. Porém, devido à escassez de dados sobre as espécies desse gênero na região, as análises dependem da padronização e otimização dos métodos moleculares. Assim, o objetivo do presente projeto será testar e padronizar protocolos para extração de DNA, amplificação e utilização da técnica de RAPD em estudos comparativos no gênero *Astyanax* coletados na Bahia.
Situação: Concluído Natureza: Projetos de pesquisa
Alunos envolvidos: Mestrado acadêmico (1); Doutorado (2);
Integrantes: José Henrique Souza Galdino Brandão (Responsável); PAULO ROBERTO ANTUNES DE MELLO AFFONSO; Ana Karina de Francisco
Financiador(es): Fundação de Amparo à Pesquisa do Estado da Bahia-FAPESB
Número de produções C,T & A: 3/
- 2009 - 2010** ESTUDO DO POLIMORFISMO M235T NO GENE DA ANGIOTENSINA EM UMA AMOSTRA AFRO-DESCENDENTE DO MUNICÍPIO DE MARACÁS (BA)
- Descrição: A hipertensão arterial é uma doença multifatorial e poligênica. Um dos fatores que regula a pressão sanguínea é o Sistema Renina-Angiotensina (SRA). Vários genes que codificam produtos

protéicos do SRA têm sido relacionados à hipertensão arterial. Este estudo teve como objetivo investigar o polimorfismo M235T no gene do angiotensinogênio (AGT) em uma amostra afro-descendente, composta de pacientes hipertensos, do Bairro do Cuscuz, Maracás – BA, associando esta variante gênica com a hipertensão arterial e sobrenomes de conotação religiosa.

Situação: Concluído Natureza: Projetos de pesquisa

Alunos envolvidos: Graduação (2); Especialização (1); Mestrado acadêmico (2); Doutorado (3);

Integrantes: José Henrique Souza Galdino Brandão (Responsável); ; Luciana de Jesus Araújo; Jaqueline Fagundes Pereira; Karla Santos Sousa; Ivonélia Alcântara Mendonça; Maria Odete Quinto dos Santos; Sandra Mara Bispo Sousa; Ana Angélica Leal Barbosa

Financiador(es): Fundação de Amparo à Pesquisa do Estado da Bahia-FAPESB

Número de produções C,T & A: 1/

Áreas de atuação

1. Genética Humana e Médica
2. Genética Animal
3. Genética Vegetal
4. Genômica e Transcriptômica










Idiomas

Inglês Compreende Bem , Fala Bem , Escreve Bem , Lê Bem

Produção

Produção bibliográfica



Artigos completos publicados em periódicos

1.  GALDINO BRANDÃO, JOSÉ HENRIQUE SOUZA; EGUILUZ, M.; GUZMAN, F.; MARGIS, R. Novel and Conserved miRNAs Among Brazilian Pine and Other Gymnosperms. *Frontiers in Genetics*.  v.10, p.1/222 - , 2019.
2.  BRANDÃO, JOSÉ HENRIQUE S. G.; RODRIGUES, NUREYEV F.; EGUILUZ, MARIA; GUZMAN, FRANK; MARGIS, ROGERIO Araucaria angustifolia chloroplast genome sequence and its relation to other Araucariaceae. *GENETICS AND MOLECULAR BIOLOGY*.  v.42, p.671 - 676, 2019.
3.  GALDINO BRANDÃO, JOSÉ HENRIQUE SOUZA; DE ARAÚJO BITENCOURT, JAMILLE; SANTOS, FLÁVIA BORGES; WATANABE, LUCIANA ALMEIDA; SCHNEIDER, HORÁCIO; SAMPAIO, IRACILDA; AFFONSO, PAULO ROBERTO ANTUNES DE MELLO DNA barcoding of coastal ichthyofauna from Bahia, northeastern Brazil, South Atlantic: High efficiency for systematics and identification of cryptic diversity. *BIOCHEMICAL SYSTEMATICS AND ECOLOGY*.  v.65, p.214 - 224, 2016.
4.  RODRIGUES, ALEXANDRE DOS SANTOS; BRANDÃO, JOSÉ HENRIQUE SOUZA GALDINO; BITENCOURT, JAMILLE DE ARAÚJO; JUCÁ-CHAGAS, RICARDO; SAMPAIO, IRACILDA; SCHNEIDER, HORÁCIO; AFFONSO, PAULO ROBERTO ANTUNES DE MELLO Molecular Identification and Traceability of Illegal Trading in *Lignobrycon myersi* (Teleostei: Characiformes), a Threatened Brazilian Fish Species, Using DNA Barcode. *THE SCIENTIFIC WORLD JOURNAL*. , v.2016, p.1 - 7, 2016.
5.  PAIM, FABILENE GOMES; BRANDÃO, JOSÉ HENRIQUE SOUZA GALDINO; SAMPAIO, IRACILDA; AFFONSO, PAULO ROBERTO ANTUNES DE MELLO; DINIZ, DÉBORA Genetic identification of bucktooth parrotfish *Sparisoma radians* (Valenciennes, 1840) (Labridae, Scarinae) by chromosomal and molecular markers. *Genetics and Molecular Biology (Impresso)*.  v.37, p.646 - 651, 2014.

Trabalhos publicados em anais de eventos (resumo)

1. PAIM, F. G.; BRANDÃO, J. H. S. G.; AFFONSO, P. R.A.M.; SAMPAIO, I.; DINIZ, D. POLIMORFISMO CROMOSSÔMICO DE DNAR EM UMA POPULAÇÃO DE PEIXES DA FAMÍLIA HAEMULIDAE In: XV SIMPÓSIO DE CITOGENÉTICA E GENÉTICA DE PEIXES, 2013, JEQUIÊ-BA. **SIMPÓSIO DE CITOGENÉTICA E GENÉTICA DE PEIXES**. , 2013.

Trabalhos publicados em anais de eventos (resumo expandido)

1.  BRANDÃO, J. H. S. G.; AFFONSO, P. R.A.M.; FRANCISCO, A. K. Diversidade genética em peixes do gênero *Astyanax* (Characidae) do estado da Bahia. In: XV Seminário de Iniciação Científica, 2011, Vitória da Conquista-BA. **XV Seminário de Iniciação Científica**. Vitória da Conquista-BA: Universidade Estadual do Sudoeste da Bahia, 2011.
2.  BRANDÃO, J. H. S. G.; ARAUJO, L. J.; PEREIRA, JF; SOUSA, KS; MENDONÇA, IA; SANTOS, MOQ; SOUSA, SMB; BARBOSA, AAL Estudo do polimorfismo M235T no gene da angiotensina em uma amostra afro-descendente do município de Maracás (BA). In: XIV Seminário de Iniciação Científica, 2010, Vitória da Conquista-BA. **XIV Seminário de Iniciação Científica**. Vitória da Conquista-BA: Universidade Estadual do Sudoeste da Bahia, 2010.

Apresentação de trabalho e palestra

1. GALDINO, JOSÉ HENRIQUE **Código Genético e Tradução**, 2021. (Seminário,Apresentação de Trabalho)
2. GALDINO, JOSÉ HENRIQUE **Controle da Expressão Gênica em Procariotos e Eucariotos**, 2021. (Seminário,Apresentação de Trabalho)
3. GALDINO, JOSÉ HENRIQUE **DIAGNÓSTICO PRÉ-NATAL DE ANOMALIAS FETAIS**, 2021. (Conferência ou palestra,Apresentação de Trabalho)
4. GALDINO, JOSÉ HENRIQUE **Genética do Desenvolvimento**, 2021. (Seminário,Apresentação de Trabalho)
5. GALDINO, JOSÉ HENRIQUE **Mutações Gênicas e Reparo do DNA**, 2021. (Seminário,Apresentação de Trabalho)
6. GALDINO, JOSÉ HENRIQUE **Transcrição e processamento de RNA**, 2021. (Seminário,Apresentação de Trabalho)
7. GALDINO, JOSÉ HENRIQUE **PRECISAMOS FALAR SOBRE RNAS NÃO CODIFICANTES**, 2020. (Seminário,Apresentação de

Trabalho)

8. GALDINO, JOSÉ HENRIQUE
VISÃO GERAL DA TÉCNICA DE RNA-SEQ PARA ANÁLISE DE TRANSCRIPTOMAS, 2020.
(Seminário, Apresentação de Trabalho)
9. BRANDÃO, J. H. S. G.; BITENCOURT, J. A.; SAMPAIO, I.; AFFONSO, P. R.A.M.
DNA BARCODING DE ESPÉCIES DE PERCIFORMES DA BAHIA DE CAMAMU, BA, 2013.
(Simpósio, Apresentação de Trabalho)
10. BRANDÃO, J. H. S. G.; BITENCOURT, J. A.; AFFONSO, P. R.A.M.; SAMPAIO, I.
MOLECULAR IDENTIFICATION OF ESTUARINE FISH FROM BAHIA COAST BASED ON 16S RDNA, 2013. (Congresso, Apresentação de Trabalho)
11. 🏆 BRANDÃO, J. H. S. G.; FERREIRA, N. S.; CARNEIRO, P. L. S.; WALDSCHMIDT, A. M.; AFFONSO, P. R.A.M.; FRANCISCO, A. K.
STANDARDIZATION OF ISSR TECHNIQUE IN TWO FISH SPECIES FROM CONTAS RIVER BASIN (BA), NORTHEASTERN BRAZIL, 2011. (Congresso, Apresentação de Trabalho)
12. 🏆 RIBEIRO, M. S.; BRANDÃO, J. H. S. G.; AFFONSO, P. R.A.M.; WALDSCHMIDT, A. M.
ADAPTAÇÃO DE PROTOCOLO PARA EXTRAÇÃO, AMPLIFICAÇÃO E USO DA TÉCNICA DE RAPD E ISSR PARA ESTUDOS COMPARATIVOS EM PEIXES DO GÊNERO ASTYANAX (CHARACIDAE) DO ESTADO DA BAHIA, 2010. (Congresso, Apresentação de Trabalho)

Produção técnica

Demais produções técnicas

1. BRANDÃO, J. H. S. G.; RODRIGUES, A. S.
GENÉTICA DO CÂNCER E EPIGENÉTICA, 2013. (Outro, Curso de curta duração ministrado)
2. BRANDÃO, J. H. S. G.
Metabolismo do DNA: recombinação homóloga, sítio específica e transposição, 2013. (Extensão, Curso de curta duração ministrado)
3. BRANDÃO, J. H. S. G.
MITOSE E MEIOSE, 2012. (Outro, Curso de curta duração ministrado)

Eventos

Eventos

Participação em eventos

1. Apresentação de Poster / Painel no(a) **VI SIMPÓSIO BRASILEIRO DE GENÉTICA MOLECULAR DE PLANTAS**, 2017. (Simpósio)
DEEP SEQUENCING REVEALS NOVEL MICRORNAS IN BRAZILIAN PINE.
2. Apresentação de Poster / Painel no(a) **59º CONGRESSO BRASILEIRO DE GENÉTICA**, 2013. (Congresso)
MOLECULAR IDENTIFICATION OF ESTUARINE FISH FROM BAHIA COAST BASED ON 16S RDNA.
3. **III WORKSHOP GENÉTICA, BIODIVERSIDADE E CONSERVAÇÃO**, 2013. (Outra)
MINICURSO "GENÉTICA DO CÂNCER E EPIGENÉTICA".
4. **XV Simpósio de Citogenética e Genética de Peixes**, 2013. (Simpósio)
.
5. **2ª Reunião Brasileira de Citogenética**, 2011. (Outra)
.
6. Apresentação de Poster / Painel no(a) **57º Congresso Brasileiro de Genética**, 2011. (Congresso)
STANDARDIZATION OF ISSR TECHNIQUE IN TWO FISH SPECIES FROM CONTAS RIVER BASIN (BA), NORTHEASTERN BRAZIL..
7. Apresentação Oral no(a) **XV Seminário de Iniciação Científica**, 2011. (Seminário)
Diversidade genética em peixes do gênero Astyanax (Characidae) do estado da Bahia..
8. **56º Congresso Brasileiro de Genética**, 2010. (Congresso)
.
9. Apresentação Oral no(a) **XIV Seminário de Iniciação Científica**, 2010. (Seminário)
Estudo do polimorfismo M235T no gene da angiotensina em uma amostra afro-descendente do município de Maracás (BA)..
10. **XVIII ENGENSE - Encontro de Genética do Nordeste**, 2010. (Encontro)
.
11. **Semana de Biologia**, 2009. (Outra)
.
12. **Semana de Biologia**, 2008. (Outra)
.
13. **Semana de Biologia**, 2007. (Seminário)
.

Página gerada pelo sistema Currículo Lattes em 19/01/2022 às 15:51:59.