肠道菌含量

检测说明



正常人体肠道内寄居着数量庞大、种类繁多的微生物,其中以细菌为主,包括有益菌和有 害菌。一般情况下,这些细菌的种类和数量都是相对固定的,它们在肠道内各司其职,共 同维持肠道的正常运转。另外,食物中含有不常驻肠道的外源性致病菌,若不慎摄入,则 有可能在肠道内大量繁殖,导致相关疾病。

肠道,抑制肠道炎症

2.1 您的常见肠道菌含量		
检测项目	健康状态提示	检测结果评价
拟杆菌属 常见肠道菌,多数与人体互利共生, 少数菌种可能会导致菌血症等		偏高 不利于肠道菌群平衡
布劳特氏菌属 发酵多种植物多糖产生乙酸盐,促 进肠道健康		偏高 有利于产生有益物质及肠道健康
栖粪杆菌属 发酵纤维素产生丁酸等有益物质,抑 制肠道炎症,促进肠道健康		偏高 有利于产生有益物质及抑制肠道炎症
粪球菌属 发酵多糖,能够产生丁酸、乙酸等 有益物质,调节肠道环境		偏高 有利于产生有益物质及调节肠道环境
瘤胃球菌属 帮助降解纤维素等人体不能消化的 多糖,在肠道中广泛分布		偏高 有利于降解纤维素等多糖
颤螺菌属 帮助抗性淀粉和脂肪消化,保持正 常体重,抑制肠道炎症		偏高 有利于保持正常体重及抑制肠道炎症
副拟杆菌属 帮助消化纤维素、抗性淀粉,保护		偏高

有利于抑制肠道炎症及保护肠道

毛螺菌属 发酵多种糖类产生乙酸、甲酸等物 质,能保护肠黏膜,抑制肠道炎症	\bigcirc			偏高有利于产生有益物质及抑制肠道炎症
多尔氏菌属 肠道的主要产气菌之一,与肠易激 综合征等疾病相关		(@		偏高 可能增加肠易激综合征风险
链球菌属 多数为共生菌,少数在免疫力弱时 可能引起化脓性炎症、肺炎等		(@		偏高 可能增加化脓性炎症、肺炎等的风险
普雷沃氏菌属 肠道共生菌,偏素食人群中含量高, 少数菌种与感染、牙周疾病有关		(@	3)	偏高 不利于肠道菌群平衡
罗斯拜瑞氏菌属 产生丁酸等有益物质,抑制肠道炎 症,有利于肠道及人体健康	(<u> </u>			偏高有利于产生有益物质及抑制肠道炎症
萨特氏菌属 可能与胃肠道感染相关		(6) (偏高 可能增加胃肠道感染风险
双歧杆菌属 有益菌,降解人体不能消化的多糖, 产乳酸,调节免疫及肠道环境	\bigcirc			偏高有利于调节免疫及肠道环境
阿克曼氏菌属 降解粘蛋白、调节免疫,有利于肠 黏膜完整性,保持正常体重	(<u> </u>		(偏高有利于调节免疫及保持正常体重
梭菌属 多数为致病菌,可能引起腹泻、肠 炎等疾病		(@	3)	偏高可能增加腹泻、肠道炎症等风险
嗜血杆菌属 共生菌,某些菌种在一定条件下可 引起化脓性感染、败血症等		(@	3)	偏高 可能增加化脓性感染、败血症的风险
柯林斯氏菌属 发酵多种糖类产生氢气、乙醇等	\odot		(偏高 有利于发酵糖类

假单胞菌属 分布广泛,部分菌种为条件致病菌, 引起医院内获得性感染		偏高可能增加感染风险
韦荣氏球菌属 分解乳酸为乙酸和丙酸,调节肠道 pH,极少数菌种可能引起炎症		偏高 不利于肠道菌群平衡
乳杆菌属 肠道益生菌,能够生成乳酸,抑制有 害菌及炎症,调节肠道环境	(a) (b)	偏高 有利于抑制肠道炎症及调节肠道环境
肠球菌属 多数为共生菌,产生乳酸。少数菌 种可能导致多种感染症状		偏高 不利于肠道菌群平衡
嗜胆菌属 共生菌,可能与长期高脂高蛋白饮 食有关		偏高可能与长期高脂高蛋白饮食有关
沙雷氏菌属 多数为致病菌,导致尿路感染、腹 膜炎等多种医院内感染		偏高可能增加尿路感染、腹膜炎等的风险
放线菌属 多数为共生菌,少数在免疫力弱时 可引起内源性感染、龋齿等		偏高 不利于肠道菌群平衡
毛杆菌属 肠道共生菌,发酵葡萄糖产生乳酸 及少量乙酸和丁酸	(i)	偏高 有利于互利共生及产生有益物质
芽孢杆菌属 多数为共生菌,降解复杂碳水化合 物。少数可引起感染、食物中毒等		偏高可能增加感染、食物中毒等的风险
阿德勒氏菌属 帮助分解食物中的异黄酮产生雌马 酚,有利于肠道及人体健康	(1)	偏高 有利于肠道及人体健康
克雷伯氏菌属 多为致病菌,可能导致肺炎、尿路 感染、软组织感染、菌血症等		偏高 可能增加肺炎、尿路感染、软组织感染、菌 血症等风险



与蛋白质和脂类代谢



有利干产生有益物质及物质代谢

弯曲杆菌属

多数菌种为致病菌, 可引起弯曲菌 病,表现为严重腹泻或痢疾综合征



偏高 可能增加腹泻或痢疾风险

● 绿色表示健康 ● 橙色表示需要关注 ● 红色表示有风险

结果分析



综合您的肠道菌群检测结果,您肠道内的拟杆菌属、多尔氏菌属、链球菌属、普雷沃氏菌属、 萨特氏菌属等指标异常,可能增加肠易激综合征、化脓性炎症、肺炎等的风险,不利于肠道菌 群平衡。您体内的布劳特氏菌属、栖粪杆菌属、粪球菌属、瘤胃球菌属、颤螺菌属等指标优于 参考人群,有利于产生有益物质、肠道健康、抑制肠道炎症等。肠道菌群含量维持动态平衡, 少数菌种数量的改变并非致病的直接原因、整体肠道菌群失衡、才可能引起疾病的发生。