

前 言

微生物群体几乎存在于这个世界中每一个生态群落之中，并扮演着不可或缺的角色。在人体的体表及与外界相通的各个腔道，存在着大量的微生物菌群，并且与人体健康息息相关。根据美国著名微生物学家Thomas Luckey估计，人体内细菌的数量大约是人体细胞的10倍，即人体细胞大约为40万亿个，那么，细菌数量约为400万亿个。

在人体肠道内寄生的这些微生物，可以帮助人体获得某些必要的微量元素，也有可能造成感染、引发炎症、影响蛋白质和脂类的消化吸收、影响抵御感染的能力、改变自体免疫疾病的患病风险，还能影响人体对癌症等各类疾病治疗药物的反应。当菌群的分布和丰度处于优化平衡状态时候（菌群平衡），这些菌群有利于维持人体健康。而一旦菌群失衡，则人体健康风险将会大大增加。

近年来，随着测序技术和信息技术的快速发展，利用新一代测序技术（Next Generation Sequencing, NGS）研究肠道菌群，能快速准确的得到大量生物数据和丰富的微生物研究信息，成为研究人体微生物多样性和环境样品的重要手段，如人体微生物组计划（HMP, Human Microbiome Project, <http://www.hmpdacc.org/>），全球微生物组计划等（EMP, Earth Microbiome Project: <http://www.earthmicrobiome.org/>）。

我们利用NGS检测肠道微生物的方法，通过检测人体肠道菌群种类与数量及有益菌群与有害菌群的比例，帮助您了解自己的肠道菌群状态，及时发现可能的健康风险，并结合最新的研究成果，为您制定针对性的调理方案，从而促进肠道健康。

我们将您的报告分为四个部分:			
前言	检测结果	健康建议	附录