Lnc-IRS1 RACE实验进展

武汉金开瑞生物工程有限公司

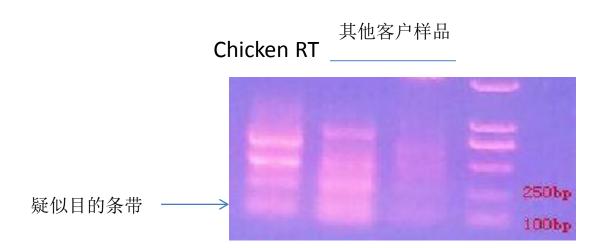
逆转录引物设计以及扩增片段区域

Chicken RT F1: TGGCATAAATTGGTTCGACA
Chicken RT R1: GCAGCACTTGGACTGAAACA

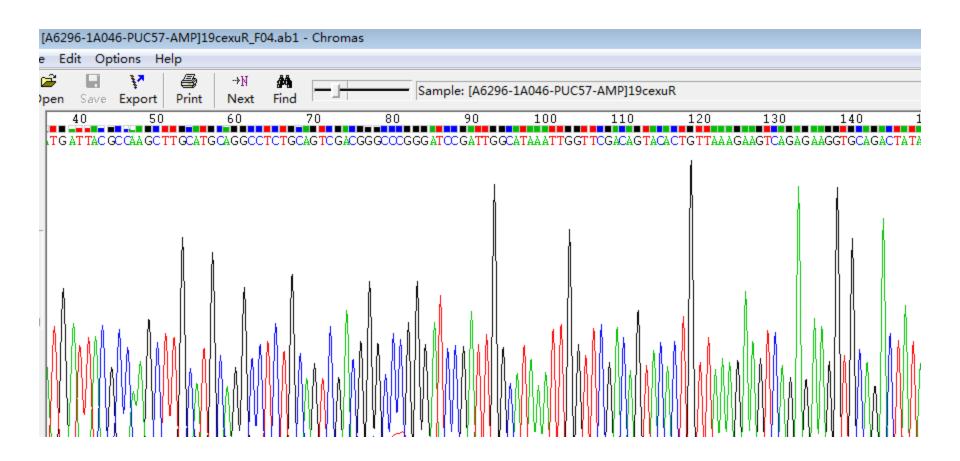
DISPLAY

1	CATGCTCTAC	ACTGGACCCG	AAGCCCTACC	AGTGCCAGCC	CTTAAGGCTG
51	ACATGTAGTT	CTTTCAGTCT	CTCTAGTAGG	ACCACTTTCA	GCAGAGGTGC
101	CAATGTCTAC	AGTAAGAGAA	GCCAGGCATT	TAGTTGGCAT	AAATTGGTTC
151	<mark>GACA</mark> TCTTAA	GTCTATCAAC	AGTGACTCAC	ATGAACTGAG	CATGGTGAAC
201	CTACCAGGTT	TACAAATACC	CTGGCATTAA	AACATCCAAG	CCTCCTGATC
251	TGTTTCAGTC	CAAGTGCTGC	TTTTGCCAAC	TGAAGGTTGG	AACTGTACCA
301	TCTCTCGTGG	ATTTGTGTCT	GTAAATCTAA	ACCTGCCATG	CTGTTGTGAT
351	GGATATAAAC	CTTTAGTTTA	TGAATGCTTG	CATAATTTAT	ACAAATTGTT
401	TAACCAGAAG	CAATTGCTGC	AAGAAGTAGT	ACTAAAATCA	TATTAAATCC
451	TCATCCTGCT	CTATTTTTT	TAATTGTTTA	AAACTCTTTG	CTTAAAAGGT
501	TGTAATTAAT	TATTTCAGTA	TTATCAAAAT	GCTCTGACAA	TGTATTATAT
551	TCAGTGTCAT	CAGCTCTGAT	TAACTCTAAA	AACATTTCTT	TGATTTGAGA
601	CATTGCAAAG	CATCCATAGA	GGTATCCCAA	CAAACAATGT	AATTCAGGTT
651	TACATATAGC	ACAACTGATT	TCACAGATAT	ACCAATTAAA	AATTAACAAA
701	TGAAACCCGA	GCA			

RT-PCR扩增以及凝胶电泳图片



测序峰图



RT-PCR产物平端连接测序之后的结果

gcagcacttggactgaaacatccagctcaacagtaggaggctcttggggttctgcaacggttacaggttcagtttcgcc aggtggtccttcaccagctgcattaagcgcagtaacacgaagtttatagtctgcaccttctctgacttctttaacagtgta ctgtcgaaccaatttatgcca

Blast之后:



PREDICTED: Gallus gallus titin (TTN), transcript variant X2, mRNA

Sequence ID: ref|XM_421979.4| Length: 99811 Number of Matches: 1

Range 1: 44239 to 44402	GenBank	Graphics
-------------------------	---------	----------

Score 287 bits(155)		Expect Identities 5e-74 161/164(98%		Gaps 0/164(0%)	Strand Plus/Minus			
207	5105(15	<i>-</i>	50 74	101/104(3070)	0/104(070)	1 lab/1 linas		
Query	7	CTTGGACTO	GAAACATCCAGC	TCAACAGTAGGAGGCTCTTGG	GGTTCTGCAACGGTTACAG	66		
Sbjet	44402	CTTTGACAC	GAAACATCCAGC	TCAACAGTAGGAGGCTCTTGG	GGTTCTGCAACGGTTACAG	44343		
Query	67	GTTCAGTTT	CGCCAGGTGGT	CCTTCACCAGCTGCATTAAGC	GCAGTAACACGAAGTTTAT	126		
Sbjet	44342	GTTCAGTTT	CGCCAGGTGGT	CCTTCACCAGCTGCATTAAGC	GCAGTAACACGAAGTTTAT	44283		
Query	127	AGTCTGCAC	CTTCTCTGACT	TCTTTAACAGTGTACTGTCGA	ACC 170			
Sbjet	44282	AGTCTGCAC	CTTCTCTGACT	TCTTTAACAGTGTACTGTCGG	ACC 44239			

▼ Next Match A Previous Match

结论

通过RT-PCR没有检测到Inc-IRS1的表达,而检测到另外的基因mRNA(TTN)可能的原因:

- 1、由于Inc-IRS1是分段基因,从9号染色体上不同位置剪切而来,这本身就给引物设计带来困难,检测部分片段不能代表所有RNA片段。
- 2、另外一个原因,直接将客户给出的序列blast之后,可以检测以下4个同源的RNA片段,这给引物的设计也带来困难。

	Score	Score	cover	value		
PREDICTED: Meleagris gallopavo uncharacterized LOC104912568 (LOC104912568), ncRNA	819	942	66%	0.0	91%	XR 794751.1
Apteryx australis mantelli qenome assembly AptMant0, scaffold scaffold2	316	535	70%	4e-82	77%	LK064626.1
PREDICTED: Struthio camelus australis uncharacterized LOC104144631 (LOC104144631), transcript variant X2, ncRNA	159	159	14%	8e-35	85%	XR 694166.1
PREDICTED: Struthio camelus australis uncharacterized LOC104144631 (LOC104144631), transcript variant X1, ncRNA	159	159	14%	8e-35	85%	XR 694165.1

建议

鸡Inc-IRS1的NCBI blast 比对位置信息: (分为四部分)

鸡的chromosome 9: 8446951 to 8447667 (360-1076)

鸡的chromosome 9: 8452458 to 8452634 (123-299)

鸡的chromosome 9: 8452745 to 8452868 (1-124)

鸡的chromosome 9: 8448805 to 8448869 (298-362)

- 1、设计引物RT-PCR检测5'(1-124bp)和3'(360-1076bp)两个片段
- 2、设计RACE引物扩增以这两段已知序列为模板5′(1-124bp) 和3′(360-1076bp)未知片段序列
- 3、客户给出自己的之前做PCR引物以及相关建议或者参考文献。