

## RACE 实验进展报告

客户合同号: PG1-1508001

1、已知序列 TCONS\_00352975 Balst 之后如下:

PREDICTED: *Sus scrofa* uncharacterized LOC102165344 (LOC102165344), ncRNA  
Sequence ID: [reflXR\\_309232.2](#) Length: 25065 Number of Matches: 21

Range 1: 5650 to 11395 [GenBank](#) [Graphics](#) ▼ Next Match ▲

Score	Expect	Identities	Gaps	Strand
10604 bits(5742)	0.0	5745/5746(99%)	1/5746(0%)	Plus/Plus
Query 351	AAAA-CAGCTATAGTCACTTATGTTTATGTAGAACTCCATTTCCACTAACTCCCTTTTCA	409		
Sbjct 5650	AAAAGCAGCTATAGTCACTTATGTTTATGTAGAACTCCATTTCCACTAACTCCCTTTTCA	5709		
Query 410	TGACTGCAGAGGGTATCTGGGACTGTTAATGGGCTTTATTGCAGTACAGTCCCTTCTGT	469		
Sbjct 5710	TGACTGCAGAGGGTATCTGGGACTGTTAATGGGCTTTATTGCAGTACAGTCCCTTCTGT	5769		
Query 470	TTGTCTGGATTCCCATCCAGTCCTATACAATTGCATTACACAGAATATCTAAGGTAAC	529		
Sbjct 5770	TTGTCTGGATTCCCATCCAGTCCTATACAATTGCATTACACAGAATATCTAAGGTAAC	5829		
Query 530	TAGCTTAATGAGCTTAAATACAGCTACAATCCTTTATGTTAACCTAAAATCCATCCCA	589		
Sbjct 5830	TAGCTTAATGAGCTTAAATACAGCTACAATCCTTTATGTTAACCTAAAATCCATCCCA	5889		
Query 590	CCTAATTCTTTAGGACGGCTGCTGAGAGTACATGGGACTGTTAATGGGCTATTTGCAA	649		
Sbjct 5890	CCTAATTCTTTAGGACGGCTGCTGAGAGTACATGGGACTGTTAATGGGCTATTTGCAA	5949		
Query 650	CTACAGTCCCTTCTGTTAGTCTAGAATCTGTTTCCATCCTACTCCATTGCAATACCTA	709		
Sbjct 5950	CTACAGTCCCTTCTGTTAGTCTAGAATCTGTTTCCATCCTACTCCATTGCAATACCTA	6009		
Query 710	TAGCGTATAAGGGACTGTTAATGTGCTTAAATGGAGCTGTGTAGTCCCTTATCTTAACCT	769		
Sbjct 6010	TAGCGTATAAGGGACTGTTAATGTGCTTAAATGGAGCTGTGTAGTCCCTTATCTTAACCT	6069		
Query 770	GGTATCACACCCCACTAATTCTCTTTTCACTGCAGAGCCTACGTGGAACCTTGTTAAT	829		

该序列为非编码 RNA(ncRNA)。

2、提取不同组织 RNA，并且 RT-PCR+克隆验证该 ncRNA 存在。

(1) RT-PCR 引物序列如下:

1 号引物:

F1: TTACCAAGGGAGTACAAGGG

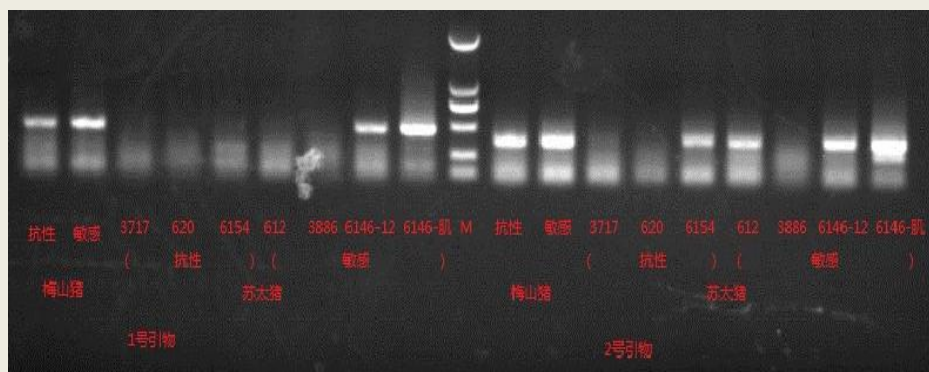
R1: GATGGGAATCCAGACAAACAG

2 号引物:

F2: GCAGAGGATACTTGGGACTGT

R2: ATGCAAATCAAATAGGAGGGA

(2) RT-PCR 凝胶电泳图片





1 号引物 RT-PCR 扩增有目的基因大小片段（464bp）的：

梅山猪-抗性；梅山猪-敏感；苏太猪-敏感（6146-十二指肠）；苏太猪-敏感（6146-肌肉）。

其他苏太猪-抗性（3717）；苏太猪-抗性（620）；苏太猪-抗性（6154）；苏太猪-敏感（612）；苏太猪-敏感（3886）均无。

2 号引物 RT-PCR 扩增有目的基因大小片段（377bp）的：

梅山猪-抗性；梅山猪-敏感；苏太猪-抗性（6154）；苏太猪-敏感（612）；苏太猪-敏感（6146-十二指肠）；苏太猪-敏感（6146-肌肉）。

其他苏太猪-抗性（3717）；苏太猪-抗性（620）；苏太猪-敏感（3886）均无。

### （3）亚克隆测序结果

1 号引物：

PREDICTED: Sus scrofa uncharacterized LOC102165344 (LOC102165344), ncRNA					
Sequence ID: <a href="#">reflXR_309232.2</a> Length: 25065 Number of Matches: 5					
Range 1: 5226 to 5549		<a href="#">GenBank</a>	<a href="#">Graphics</a>	▼ Next Match ▲	
Score	Expect	Identities	Gaps	Strand	
540 bits(292)	1e-149	314/324(97%)	4/324(1%)	Plus/Plus	
Query 7	GGGGCT-AATGCAGCTACAGTCC-TATGTT-ACCTAGGATCCCCATTTCCACCTAACTCCC	63			
Sbjct 5226	GGGGCTAANTGCAGCTACAGTCCCTATGTTAACTAGGATCCCCATTTCCACCTAACTCCC	5285			
Query 64	TTTTCAATTAATACAGAGCCTACATGGGACTTAATGGGCTTTATTGTACTACTGTCCTTC	123			
Sbjct 5286	TTTTCAATTAATACAGAGCCTACATGGGACTTAATGGGCTTTATTGTACTACTGTCCTTC	5345			
Query 124	CATTAACTTAGCATCCCCACATAATTCCCTTTGCATTACAAGGGAGGATACAAGG	183			
Sbjct 5346	CATTAACTTAGCATCCCCACATAATTCCCTTTGCATTACAAGGGAGGATACAAGG	5405			
Query 184	GACTGTTAATGGGCTTAAATGCAGGTTCACTCCCTTTCTTATTTTACCTAGGATCCCAT	243			
Sbjct 5406	GACTTTTAAATGGGCTTAAATGCAGGTTCACTCCCTTTCTTATTTTACCTAGGATCCCAT	5465			
Query 244	CCACATAAATCCCTTTGCAAAACACAGAGTACAAGGTACTGTTACTTACTGTACTTAA	303			
Sbjct 5466	CCACATAAATCCCTTTGCAAAACACAGAGTACAAGGTACTGTTACTTACTGTACTTAA	5525			
Query 304	AAGCAGCTATA-GTCACCTTATGTT	326			
Sbjct 5526	AAGCAGCTATAAGATACTCATGTT	5549			

2 号引物：

PREDICTED: Sus scrofa uncharacterized LOC102165344 (LOC102165344), ncRNA					
Sequence ID: <a href="#">reflXR_309232.2</a> Length: 25065 Number of Matches: 1					
Range 1: 11083 to 11364		<a href="#">GenBank</a>	<a href="#">Graphics</a>	▼ Next Match	
Score	Expect	Identities	Gaps	Strand	
464 bits(251)	5e-127	272/282(96%)	1/282(0%)	Plus/Plus	
Query 61	CGCAGAGGGCGCAAGGGA-TGCAAGGTCCTTAAATGCAGGTAGTTGGTTTTTAAACCTA	119			
Sbjct 11083	CGCAGAGGGCGCAAGGAACTGCAAGGTCCTTAAATGCAGGTAGTTGGTTTTTAAACCTA	11142			
Query 120	GGATCCCATTTCCAGCCTGACTTGCTTTGAATTACTATAGAGGCTACAAGGGACTCTTAC	179			
Sbjct 11143	GGATCCCATTTCCAGCCTGACTTGCTTTGAATTACTAAAGAGGCTACAAGGGACTCTTAT	11202			
Query 180	GTGTTTAAAGTGCAGGTACAGTGCCCTTTTGTAACTCGAAATCCATTCTCACCTAACTCC	239			
Sbjct 11203	GTGTTTAAAGTGCAGGTACAGTGCCCTTTTGTAACTCGAAATCCATTCTCACCTAACTCC	11262			
Query 240	CTTTTCTGACTGCAGAGGGTAATTGGGACTGTTAAGGGCTGTACTGCAGCCACATTCC	299			
Sbjct 11263	CTTTTCTGACTGCAGAGGGTAATTGGGACTGTTAAGGGCTGTACTGCAGCCACATTCC	11322			
Query 300	TCTTGAGTCTAGGATCCCAATCCCTCCAATTGATTGTCAT	341			
Sbjct 11323	TCTCATAGTCTAGGATCCCAATCCCTCCAATTGATTGTCAT	11364			

1 号和 2 号引物亚克隆测序结果与已知序列一致。

### 3、RACE 实验

利用 RT-PCR 的筛选出来的引物来分别进行 RACE 试验。（正在进行中）。