

SSR 引物初筛实验进展报告

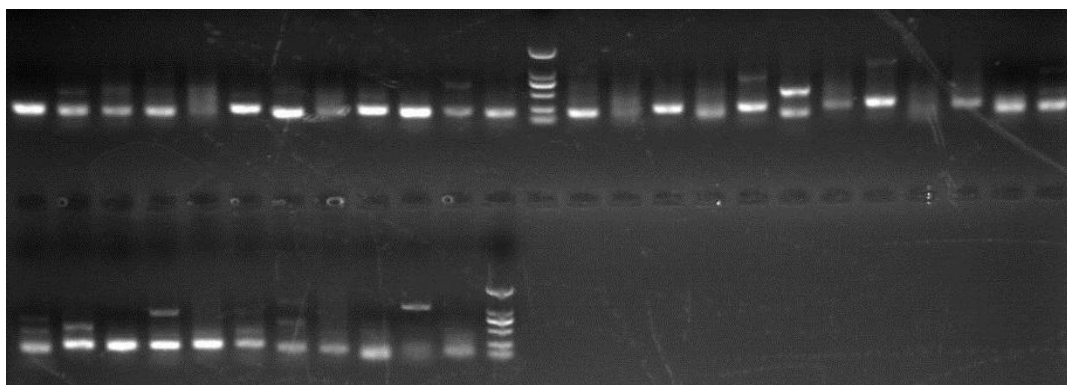
合同号：PG1-1602002

1. 利用 misa 软件进行 SSR 位点查找，primer3.0 进行引物的设计，从中挑选出 35 对引物进行引物的初筛工作。
2. 从菊黄（Y）、红鳍（R）及冀研（Z）三个不同类别的样品中各选择 1 个 DNA 样品为模板，用 35 对引物分别进行扩增，PCR 产物经琼脂糖凝胶电泳检测结果如下：

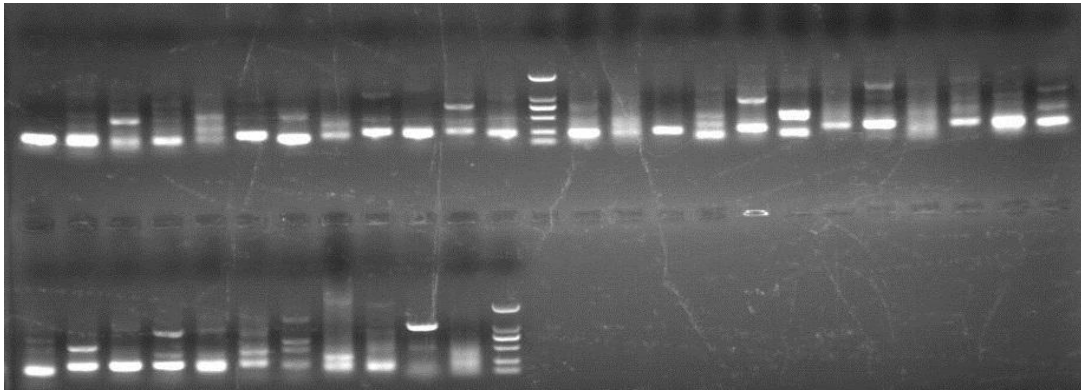
引物 编号	产物大小 bp	引物 编号	产物 大小 bp	引物 编号	产物大 小 bp	引物 编号	产物大 小 bp	引物 编号	产物大 小 bp
1	231	8	240	15	253	22	266	29	246
2	209	9	264	16	170	23	255	30	256
3	224	10	242	17	263	24	209	31	244
4	215	11	268	18	180	25	219	32	205
5	232	12	228	19	274	26	276	33	198
6	268	13	225	20	275	27	260	34	232
7	211	14	217	21	212	28	279	35	209

凝胶电泳检测说明：样品电泳顺序依次为引物 1-35，Marker 大小采用 DL2000，从上到下大小依次为：2000、1000、750、500、250、100bp

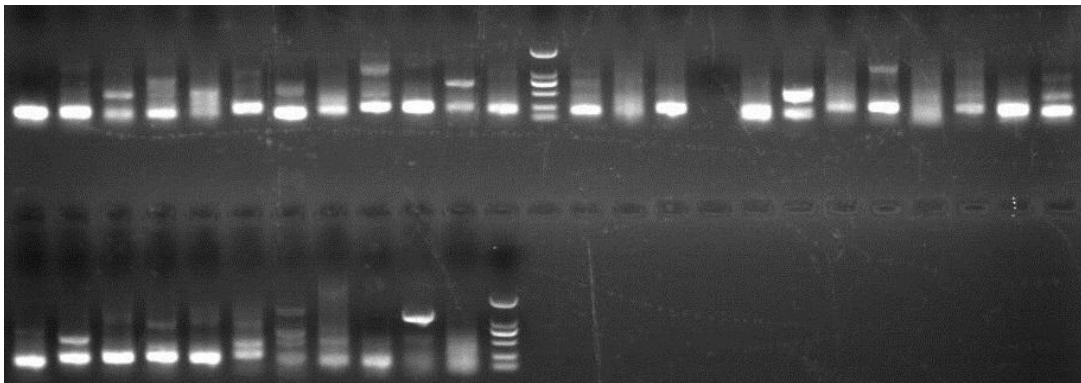
A. Y 样品对应 35 对引物检测结果



B. R 样品对应 35 对引物检测结果



C. Z 样品对应 35 对引物检测结果



从电泳检测结果来看, 扩增效果较好(个别有杂带, 杂带大小与目的条带可以进行区分, 不影响后续实验的分析), 可以进行荧光引物合成的引物编号依次为: 1、2、3、4、6、7、9、10、12、13、15、17、18、19、20、22、23、24、25、26、27、28、29。