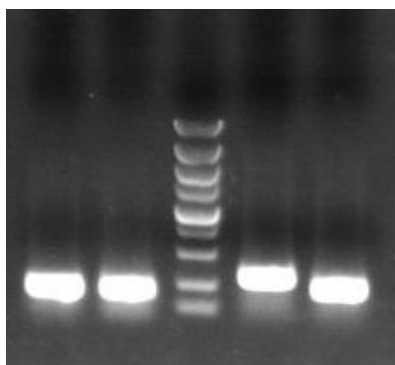


## fabI 基因及 pmxA 基因 5'race 实验进展报告

合同编号: PG1-1601001

1. 根据 fabI 基因及 pmxA 基因序列, 我们分别设计两对引物, 依据引物进行 RT-PCR,
2. 以提取的 RNA 逆转录后的 cDNA 为模板, 进行 RT-PCR, 电泳检测结果如下:

FabI-1 fabI-2 M pmxA-1 pmxA-2



3. 并将测序结果进行比对, 比对结果如下:

Paenibacillus polymyxa SQR-21, complete genome  
Sequence ID: [gb|CP006872.1](#) Length: 5828436 Number of Matches: 1

Range 1: 81030 to 81202 [GenBank](#) [Graphics](#)

▼ Next Match ▲ Previous Match

Score	Expect	Identities	Gaps	Strand
283 bits(153)	7e-73	169/176(96%)	4/176(2%)	Plus/Plus
Query 16	GGCTGCGTCCCTCT-CGTACTTTTGGCCGCCTTCTGGCATTCAAGATTTTAACACAATGCT	74		
Sbjct 81030	GGCTG-GTCCTATACGTAC-TTTGGCCGCC-TATGGCATTAAAGATTTTAACACAATGCT	81086		
Query 75	AAAGCATATTGAAGAACTACGCCCTACGCAAGACGGTCGATACGCTGAAGTCGGAGA	134		
Sbjct 81087	AAAGCATATTGAAGAACTACGCCCTACGCAAGACGGTCGATACGCTGAAGTCGGAGA	81146		
Query 135	TACGGCGTTATTCCTATTTTCCCATTTATCGAGAGGCATTACGGGTGAAGTTATCC	190		
Sbjct 81147	TACGGCGTTATTCCTATTTTCCCATTTATCGAGAGGCATTACGGGTGAAGTTATCC	81202		

Paenibacillus polymyxa SQR-21, complete genome  
Sequence ID: [gb|CP006872.1](#) Length: 5828436 Number of Matches: 1

Range 1: 5061826 to 5062012 [GenBank](#) [Graphics](#)

▼ Next Match ▲ Previous Match

Score	Expect	Identities	Gaps	Strand
335 bits(181)	2e-88	186/188(99%)	2/188(1%)	Plus/Plus
Query 14	GGA-GCGCTGCCCACTTTCTCCGAAAGCGTTCCACCGACGGTTGTCATAATGGGCGTC	72		
Sbjct 5061826	GGACGCGCTGCCCACT-TTCCTCCGAAAGCGTTCCACCGACGGTTGTCATAATGGGCGTC	5061884		
Query 73	AGGGAGCTTGGAGCTTTGCTGTAAGGTAGCCGCGTCAAGGTATAATCGTCGCTACCGAAT	132		
Sbjct 5061885	AGGGAGCTTGGAGCTTTGCTGTAAGGTAGCCGCGTCAAGGTATAATCGTCGCTACCGAAT	5061944		
Query 133	TTTTCGTCCAAAACACGTTTCTTTTCAAAAGCCATCTGGATCGTCCCTCTCTTCA	192		
Sbjct 5061945	TTTTCGTCCAAAACACGTTTCTTTTCAAAAGCCATCTGGATCGTCCCTCTCTTCA	5062004		
Query 193	TCGGTAAA	200		
Sbjct 5062005	TCGGTAAA	5062012		

4. 比对结果正确, 根据 RACE 试剂盒进行两个基因 5'端的 PCR 扩增, PCR 产物回收后



送测序。

5. 下一步安排，根据测序结果进行比对，看是否需要亚克隆测序。