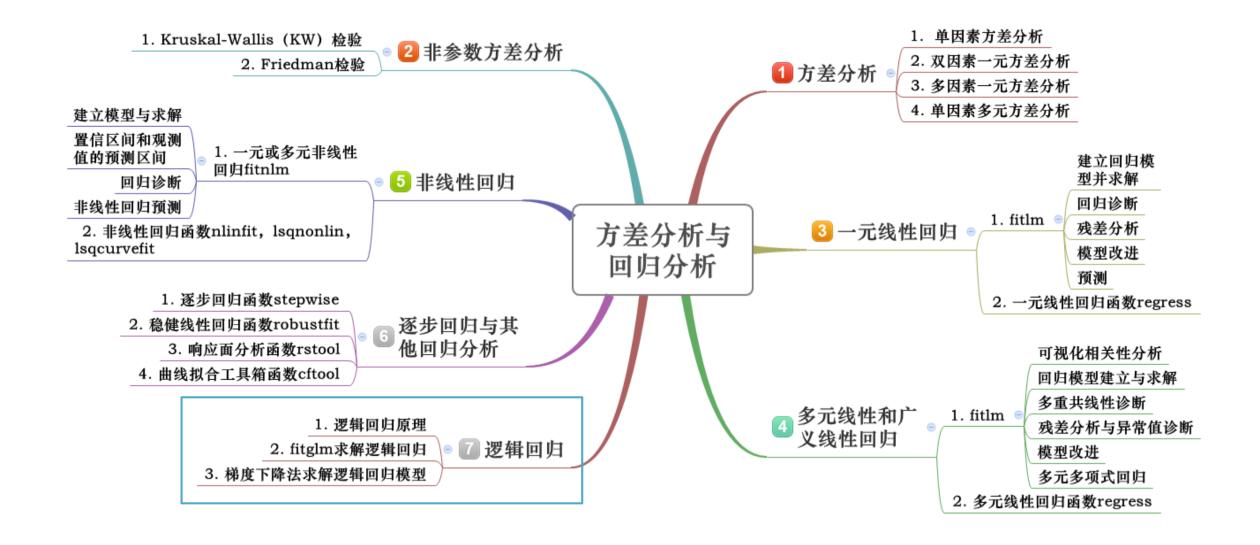




第11章 方差分析与回归分析

∰ 讲授人: 牛言涛
∅ 日期: 2020年4月28日

第11章 方差分析与回归分析知识点思维导图



1. 逻辑回归简介



- 逻辑回归是广义线性回归GLM的一种形式,属于有监督学习。
- 对于某些分类问题,自变量可能是连续的,但是因变量却可能是离散的,例如:根据肿瘤大小判断该肿瘤是否是良性。这种问题不适合用线性回归来解决,虽然可以将连续的因变量值映射到离散的分类上,但是效果和训练复杂度都不尽如人意。
- 因此,逻辑回归 (logistic regression) 就成为了一个解决分类问题的好方法。

无监督学习	有监督学习		
聚类算法 K均值聚类 层次聚类 系统聚类 系统聚类 基于密度的聚类方法 (DBSCAN) ····· 降维算法 主成分分析PCA 线性判断分析LDA 异值分解(SVD)	分类算法 决策树 支持向量机 贝叶斯 K近邻算法 逻辑回归 随机森林 关联规则分类 神经网络	回归算法 线性回归 非线性回归 逻辑回归 最小二乘回归 LOESS局部回归 神经网络 深度学习	

1. 逻辑回归简介



- 所谓逻辑回归,就是通过函数模型将因变量的值控制到0~1之间,然后通过梯度下降法或极大似然估计求 出模型的参数,最后使用一个值域在(0,1)的函数进行预测,预测的结果就是分类为1的概率。
- Logistic回归的主要用途:
 - 寻找危险因素: 寻找某一疾病的危险因素等;
 - 预测:根据模型,预测在不同的自变量情况下,发生某病或某种情况的概率有多大;
 - 判别:实际上跟预测有些类似,也是根据模型,判断某人属于某病或属于某种情况的概率有多大, 也就是看一下这个人有多大的可能性是属于某病。
- Logistic回归主要在流行病学中应用较多,比较常用的情形是探索某疾病的危险因素,根据危险因素预测某疾病发生的概率,等等。例如,想探讨胃癌发生的危险因素,可以选择两组人群,一组是胃癌组,一组是非胃癌组,两组人群肯定有不同的体征和生活方式等。这里的因变量就是是否胃癌,即"是"或"否",自变量就可以包括很多了,例如年龄、性别、饮食习惯、幽门螺杆菌感染等。自变量既可以是连续的,也可以是分类的。

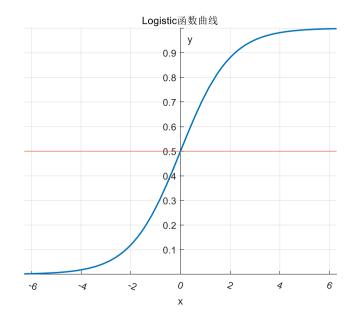
2. 逻辑回归原理



二分类的逻辑回归模型中的因变量只有1或0(如是和否,发生和不发生)两种取值。假设在p个独立的自变量 x_1, x_2, \cdots, x_p 作用下,记y取1的概率p = P(y = 1|X),取0的概率1 - p,取1和取0的概率之比为p/(1-p),称为事件的优势比(odds),对odds取自然对数即得logistic变换:

$$Logit(p) = \ln\left(\frac{p}{1-p}\right)$$

$$\Rightarrow Logit(p) = \ln\left(\frac{p}{1-p}\right) = z$$
 ,则 $p = \frac{1}{1+e^{-z}}$,即为Logistic函数(Sigmoid函数),图像:



当
$$p$$
在(0,1)之间变化时,odds取值范围(0,+ ∞), $\ln\left(\frac{p}{1-p}\right)$

取值范围是 $(-\infty, +\infty)$. 由于p表征样本属于正类(类别为1)的概率,通常将p大于某个阈值(如0.5)的样本预测为"属于正类1",否则预测结果为"属于负类0"。

2. 逻辑回归原理



逻辑回归模型的建立是建立 $\ln\left(\frac{p}{1-p}\right)$ 与自变量的线性回归模型,其模型为:

$$\ln\left(\frac{p}{1-p}\right) = \beta_0 + \beta_1 x_1 + \dots + \beta_p x_p + \varepsilon = w^T x$$

因为 $\ln\left(\frac{p}{1-p}\right)$ 的取值范围是 $(-\infty,+\infty)$,这样,自变量 x_1,x_2,\cdots,x_p 可在任意取直范围。得到

$$p = P(y = 1|X) = \frac{1}{1 + e^{-w^T x}}, \qquad 1 - p = P(y = 0|X) = 1 - \frac{1}{1 + e^{-w^T x}} = \frac{1}{1 + e^{w^T x}}$$

上式表明,逻辑回归的最终目标是根据数据样本确定合适的一组权重w,在对原始输入进行加权组合之后,通过关联函数做非线性变换,得到的结果表示样本x属于正类的概率。

3. 逻辑回归求解函数fitglm



fitglm为广义线性回归函数,其调用格式:

mdl = fitglm(tbl) returns a generalized linear model fit to variables in the table or dataset array tbl. By default, fitglm takes the last variable as the response variable.

mdl = fitglm(X,y) returns a generalized linear model of the responses y, fit to the data matrix X.

mdl = fitglm(____,modelspec) returns a generalized linear model of the type you specify in modelspec.

mdl = fitglm(____,Name,Value) returns a generalized linear model with additional options specified by one or more Name,Value pair arguments.

For example, you can specify which variables are categorical, the distribution of the response variable, and the link function to use.

Canonical Link Function

The default link function for a generalized linear model is the *canonical link function*.

Distribution	Canonical Link Function Name	Link Function	Mean (Inverse) Function
'normal'	'identity'	$f(\mu) = \mu$	$\mu = Xb$
'binomial'	'logit'	$f(\mu) = \log(\mu/(1-\mu))$	$\mu = \exp(Xb) / (1 + \exp(Xb))$
'poisson'	'log'	$f(\mu) = \log(\mu)$	$\mu = \exp(Xb)$
'gamma'	-1	$f(\mu) = 1/\mu$	$\mu = 1/(Xb)$
'inverse gaussian'	-2	$f(\mu) = 1/\mu^2$	$\mu = (Xb)^{-1/2}$

4. 案例分析

例1:企业到金融商业机构贷款,金融商业机构需要对企业进行评估。例如,Moody公司就是 New York的一家专门评估企业的贷款信誉的公司。设:

$$y = \begin{cases} 0, & \text{企业2}$$
年后破产
$$X_1 = \frac{\text{未分配利润}}{\text{总资产}}, \quad X_2 = \frac{\text{支付利息前的利润}}{\text{总资产}}, \quad X_3 = \frac{\text{销售额}}{\text{总资产}}$$

建立破产特征变量业的回归方程。

>> data = xlsread('business data.xlsx',1,'A2:D67');

>> X = data(:,2:4);

>> Y = data(:,1);

>> GM = fitglm(X,Y,'Distribution','binomial', 'link', 'logit')

$$X_2 = \frac{$$
支付利息前的利润, $X_3 = \frac{$ 销售额
 总资产

GM =

Generalized linear regression model:

 $logit(v) \sim 1 + x1 + x2 + x3$ Distribution = Binomia1

Estimated Coefficients:

	Estimate	SE	tStat	pValue
(Intercept)	-10. 153	10.84	-0. 93666	0.34893
x 1	0. 33125	0.30074	1. 1014	0. 27071
x 2	0. 18088	0. 10692	1. 6916	0.090714
x 3	5. 0875	5. 0821	1.001	0.3168

66 observations, 62 error degrees of freedom

Dispersion: 1

Chi^2-statistic vs. constant model: 85.7, p-value = 1.85e-18

4. 案例分析



对模型进行回归诊断, 编写函数

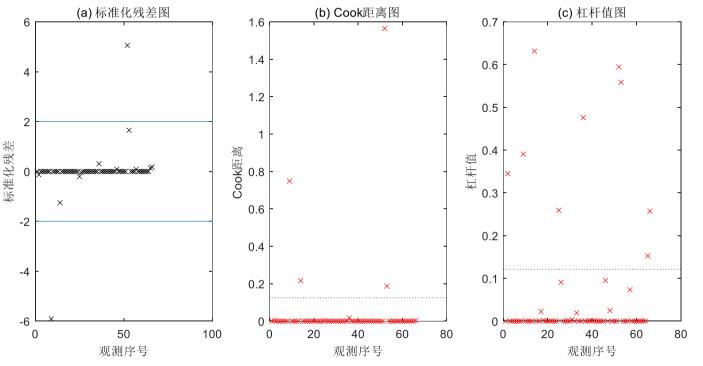
```
function [idout,idinf,idleve] = fitglmplot outliers(model)
  Res = model.Residuals.Raw;
  Res = (Res - mean(Res))./std(Res);
  idout = find(abs(Res) > 2); %绝对值大于2
  subplot(1,3,1);
  plot(Res,'kx');
  refline(0,-2);
  refline(0,2);
  title('(a) 标准化残差图')
  xlabel('观测序号');ylabel('标准化残差');
  subplot(1,3,2);
  model.plotDiagnostics('cookd');
  title('(b) Cook距离图')
```

```
xlabel('观测序号');
  ylabel('Cook距离');
  md = model.Diagnostics;
  %强影响点,大于3倍cook距离均值
  idinf = find(md.CooksDistance > 3*mean(md.CooksDistance));
  subplot(1,3,3);
  model.plotDiagnostics('leverage');
  title('(c) 杠杆值图');
  xlabel('观测序号');
  ylabel('杠杆值');
  idleve = find(md.Leverage > 2*(model.NumCoefficients+1)/...
    size(model.Residuals,1)); % h > 2(p + 1) / n
end
```

4. 案例分析



```
[idout,idinf,idleve] = fitglmplot outliers(model)
%回代, 进行正确率判断:
>> Y1 = predict(GM,X); %回代预测
>> k = find(Y1>0.5); %查找大于0.5的行索引
>> class = zeros(length(Y1),1);
>> class(k) = 1; %预测值大于0.5赋值1
>> correct = find(class == Y);
>> errorind = find(class ~= Y) %错误样本
errorind =
  9
  52
>> acc = length(correct)/length(Y)
acc =
  0.9697
```



对模型进行回归诊断,识别异常值、高杠杆值和强影响点。对于三个图像,尤其以第9号样本和第52号样本特殊,既是异常值,又是高杠杆值和强影响点,可对此进一步分析,如第9号样本具备还款能力的概率较大,而52号样本正好相反,但数据与我们预期不符。

5. 评价指标



• 评价指标:混淆矩阵

	预测类别			
实		Yes	No	总计
际 类 别	Yes	True positives(TP)	False negatives(FN)	P (实际为Yes)
别	No	False positives(FP)	True negatives(TN)	N (实际为No)
	总计	P'(被分为Yes)	N' (被分为No)	P+N

- 1. 正确率 (accuracy): accuracy = (TP+TN) /(P+N), 即被分对的样本数除以所有的样本数, 通常来说, 正确率越高, 分类器越好;
- 2. 错误率 (error rate): 错误率则与正确率相反,描述被分类器错分的比例, error rate = (FP+FN)/(P+N), 对某一个实例来说,分对与分错是互斥事件,所以accuracy =1 error rate;

5. 评价指标



- 3. 灵敏度 (sensitive): sensitive = TP/P,表示的是所有正例中被分对的比例,衡量了分类器对正例的识别能力;
- 4. 特效度 (specificity): specificity = TN/N,表示的是所有负例中被分对的比例,衡量了分类器对负例的识别能力;
- 5. 精度 (precision): 精度是精确性的度量,表示被分为正例的示例中实际为正例的比例, precision=TP/(TP+FP);
- 6. 召回率 (recall) : 召回率是覆盖面的度量,度量有多个正例被分为正例, recall = TP/(TP+FN) = TP/P = sensitive,可以看到召回率与灵敏度是一样的。

7. 其他评价指标

计算速度:分类器训练和预测需要的时间;鲁棒性:处理缺失值和异常值的能力;可扩展性:处理大数据集的能力;可解释性:分类器的预测标准的可理解性,像决策树产生的规则就是很容易理解的,而神经网络的一堆参数就不好理解,只好把它看成一个黑盒子。

案例分析



例2:乳腺癌数据一共有569组32维。其中两个分类,良性 benign样本357个、恶性 malignant样

本212个。

```
>> load('breast-cancer-data.mat')
>> data(:,1) = [];
>> Y = data(:,1)-1;
>> X = data(:,2:end);
>> GM = fitglm(X,Y,'Distribution','binomial', 'link', 'logit')
GM =
Generalized linear regression model:
  y ~ [Linear formula with 31 terms in 30 predictors]
  Distribution = Binomial
569 observations, 538 error degrees of freedom
Dispersion: 1
Chi^2-statistic vs. constant model: 247, p-value = 6.2e-36
```

```
>> Y1 = predict(GM,X);
>> k = find(Y1>0.5);
>> class = zeros(length(Y1),1);
>> class(k) = 1;
>> correct = find(class == Y);
>> acc = length(correct)/length(Y)
acc =
    0.9877
```

11.7 逻辑回归



```
load('breast-cancer-data.mat')
data(:,1) = [];
Y = data(:,1)-1;
X = data(:, 2:end);
acc = [];
for i = 1:10
  n = length(Y);
  rp = randperm(n, round(n*0.2));
  Xtest = X(rp,:);
  Ytest = Y(rp);
  Xtrain = X; Xtrain(rp,:) = [];
  Ytrain = Y; Ytrain(rp) = [];
  GM = fitglm(Xtrain, Ytrain, 'Distribution', 'binomial', 'link', 'logit');
  preY = predict(GM,Xtest);
  k = find(preY > 0.5);
```

```
class = zeros(length(preY),1);
  class(k) = 1;
  correct = find(class == Ytest);
  acclv = length(correct)/length(Ytest);
  acc = [acc,acclv];
end
macc = mean(acc)
```

```
      acc = 0.9561
      0.9298
      0.9386
      0.9561
      0.9561

      0.9386
      0.9561
      0.9386
      0.9737
      0.9474

      macc =
      0.9491

      %十次交叉验证正确率为94.91%
```



误差的度量就是代价函数。误差越大,代价函数的值就越高。对于监督学习,主要有两种代价函数:

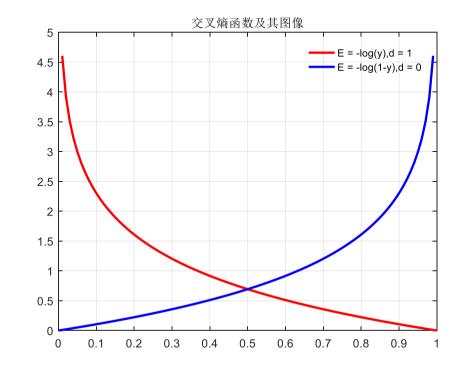
$$J = \sum_{i=1}^{M} \frac{1}{2} (d_i - y_i)^2 \qquad J = \sum_{i=1}^{M} \{-d_i \ln(y_i) - (1 - d_i) \ln(1 - y_i)\}$$

 y_i 是模型预测节点输出, d_i 是训练数据的实际数值,M是训练样本量

交叉熵函数对误差更敏感,且与误差是成正比的,通常认为交叉熵函数导出的学习规则能够得到更好的性能。交叉熵函数与二次函数最主要的不同是,<u>交叉熵函数随着误差的增大而呈几何上升趋势</u>。

$$J = \sum_{i=1}^{M} \left\{ -d_i \ln(y_i) - (1 - d_i) \ln(1 - y_i) \right\}$$

$$E = \begin{cases} -\ln(y), & d = 1 \\ -\ln(1 - y), & d = 0 \end{cases}$$





找到预测函数,一般表示为h函数,用来预测输入数据的判断结果。分类边界为线性边界时,预

测函数为
$$h_{\theta}(x) = g(\theta^T x) = \frac{1}{1 + e^{-\theta^T x}}$$
, $h_{\theta}(x)$ 函数的值表示结果取1的概率。

找到损失函数,记为 $J(\theta)$ 函数,表示所有训练数据预测值和实际类别的偏差。基于极大似然估计,

得到损失函数:

$$Cost(h_{\theta}(x), y) = \begin{cases} -\log(h_{\theta}(x)), & y = 1 \\ -\log(1 - h_{\theta}(x)), & y = 0 \end{cases}$$

$$J(\theta) = \frac{1}{m} \sum_{i=1}^{m} Cost(h_{\theta}(x^{(i)}), y^{(i)}) = -\frac{1}{m} \left[\sum_{i=1}^{m} y^{(i)} \log(h_{\theta}(x^{(i)})) + (1 - y^{(i)}) \log(1 - h_{\theta}(x^{(i)})) \right]$$

找到J(θ)函数的最小值。根据梯度下降的公式,得到迭代公式 (α为一常量,1/m一般省略)

$$\theta_{j} = \theta_{j} - \alpha \frac{1}{m} \sum_{i=1}^{m} \left(h_{\theta} \left(x^{(i)} \right) - y^{(i)} \right) x_{j}^{(i)} \implies \theta_{j} = \theta_{j} - \alpha \sum_{i=1}^{m} \left(h_{\theta} \left(x^{(i)} \right) - y^{(i)} \right) x_{j}^{(i)}, \quad j = 0, 1, \dots, n$$



```
数学与统计学院
  gradientDes LR.m × +
                                                                                            968.4、批量随机梯度下降法求解模型参数
                                                                                31
     function [theta, acc. L. prev] = gradientDes LR (data, alpha, lamda, threshold, maxiter)
                                                                                            I_{\cdot}(1) = 1
       % gradientDes LR采用拟量梯度下降法更新参数,求解逻辑回归系数,使得代价最小化
                                                                                32 -
       % data是样本数据,其中最后一列为标准输出值(限定0-1),只针对二分类
                                                                                33 -
                                                                                            for i = 1:maxiter
3
       % alpha是学习率, threshold是代价阈值, maxiter最大迭代次数, lamda是正则化系数
4
                                                                                34 -
                                                                                                dt = zeros(1.ft num) \cdot \% - \pi
       % 输出参数: theta逻辑回归最优系数。acc是测试样本正确率. I.是每次迭代平均代价
                                                                                35 —
                                                                                                10ss = 0
                                                                                                for i = 1:m1 % 每次循环取一个样本用于训练。一行
6
                                                                                36 -
           9696 1、样本数据的处理
                                                                                                    x = Xtrain(i...)' - % - 行代表 - 个样本, 转置后成为 - 列
                                                                                37 -
           label = data(:,end): %分类标志,对应标准的0或1值,因变量
8 —
                                                                                                    v = Ytrain(i): %真实标准输出
                                                                                38 -
9 _
           n = length(label): %总的样本量
                                                                                                    h = 1/(1+exp(-theta*x)) - %函数值表示结果取1的概率
                                                                                39 -
           %自变量样本、具有多个特征、一列代表一个特征
10
                                                                                                    dt = dt + (h - v)*x'· %一行、增量
                                                                                40 -
           Xdata = [data(:.1:end-1), ones(n.1)]:
11 -
                                                                                                    %代价函数,也可采用softmax交叉熵代价函数
                                                                                41
           Xdata = zscore(Xdata): %中心化
12 —
                                                                                                    \%1oss = 1oss + v*1og(h) + (1-v)*1og(1-h)
                                                                                42
13
                                                                                                    1oss = 1oss + (h-v)^2: %平方和损失函数
                                                                                43 -
           %%2、选择80%的样本作为训练样本,20%用于测试
14
                                                                                44 -
                                                                                                end
           rind = randperm(n): %随机打乱样本序列
15 —
                                                                                45
                                                                                                %loss = -loss/ml· %每次迭代后的代价均值,对应交叉熵cost.
           label = label(rind):
16 —
                                                                                                1oss = 1oss/m1/2- %每次迭代后的代价均值,对应平方和cost
                                                                                46 -
           Xdata = Xdata(rind.:):
17 —
                                                                                47 —
                                                                                                L(i+1) = loss
           18
                                                                                                %模型参数的迭代更新, 1amda是正则化系数, 防止过拟合
           k = round(0.8*n):
19 -
                                                                                                theta = theta - alpha*dt/m1 - lamda*theta/m1;
                                                                                49 -
           Xtrain = Xdata(1:k.:): %训练样本
20 -
                                                                                                %代价函数平均损失小于等于给定阈值, 退出迭代
           Ytrain = label(1:k): %训练样本的标准输出标签
                                                                                50
21 -
                                                                                                if abs(L(i+1) - L(i)) <= threshold
           Xtest = Xdata(k+1:end,:): %测试样本
                                                                                51 -
22 -
           Ytest = label(k+1:end): %测试样本的标准输出标签
23 -
                                                                                52 -
                                                                                                    break
24
                                                                                53 -
                                                                                                end
           96%3、参数的初始化
25
                                                                                54 —
                                                                                            end
           ft num = size(Xdata, 2): %取特征数,即模型参数个数
26 -
           theta = rand(1,ft num): %模型参数的初始化,用0-1均匀分布的随机数,行向量
27 -
                                                                      \begin{vmatrix} \theta_j \\ \theta_j \end{vmatrix} = \theta_j - \frac{\alpha}{m} \sum_{i=1}^m \left( h_\theta \left( x^{(i)} \right) - y^{(i)} \right) x_j^{(i)} - \frac{\lambda}{m} \theta_j, \quad j = 0, 1, \dots, n
           m1 = size(Xtrain, 1): %训练样本数量
28 -
           m2 = size(Xtest, 1): %测试样本数量
29 -
```



```
96% 5、对测试样本、进行预测判别、计算正确率
           Pacc = 0. %正样本,对应1
           Nacc = 0: %负样本,对应0
58 -
           prev = zeros(m2.1)
59 —
           for i = 1 \cdot m2
60 -
               prev(i) = 1/(1+exp(-theta*Xtest(i,:)')): %函数值表示结果取1的概率
61 -
               if prev(i) >= 0.5 \&\& Ytest(i) == 1
62 -
                   Pacc = Pacc + 1-
               elseif prev(i) \langle 0.5 \&\& \forall \text{test(i)} == 0
64 -
                   Nacc = Nacc + 1
65 -
66 -
               end
            end
            acc = (Pacc + Nacc)/m2: %正确率
68 -
           Pto1 = length(find(Ytest == 1)):
69 -
           Nto1 = length(find(Ytest == 0)):
70 -
           disp('测试样本的混淆矩阵。')
71 -
            fuzzMat = [Pacc, Pto1 - Pacc; Nto1 - Nacc, Nacc]
72 -
73
           %%6、损失cost可视化,可能得不到图像,因为交叉熵函数的log问题。
           plot(L,'r--','LineWidth',1.5) %绘制损失曲线,查看是否收敛
76 —
           title('Cost下降曲线'):xlabel('训练次数K'):vlabel('损失Cost')
77 -
           grid on
78 -
       end
```

```
% 交叉熵损失函数测试
```

0.9231

```
>> data = xlsread('business_data.xlsx',1,'A2:D67');
>> X = [data(:,2:end),data(:,1)];
```



% 平方和损失函数测试

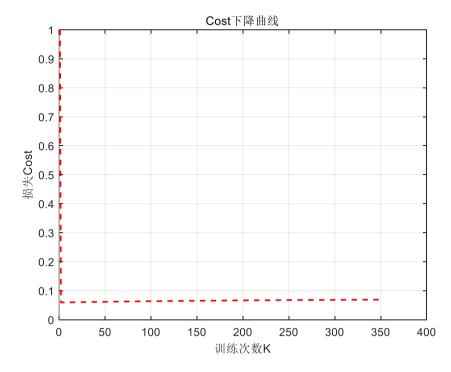
>> [theta,acc,L,prey] = gradientDes_LR(X,0.01,0.2,0.00001,1000);

测试样本的混淆矩阵:

fuzzMat =

8 (

0 5



```
for i = 1:10
```

 $[theta,acc,L,prey] = gradientDes_LR(X,0.01,0.2,0.00001,1000);$

ACC(i) = acc;

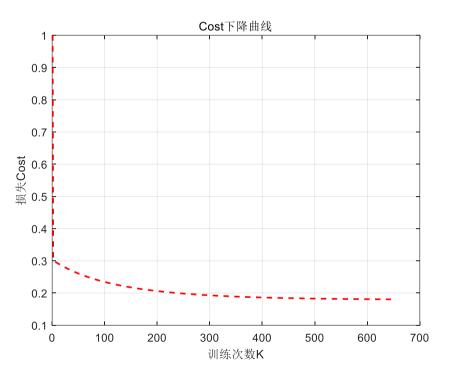
end

acc = mean(ACC)

acc = 0.9462 %十次交叉验证, 平均正确率



```
例: 鸢尾花案例二分类
[iris,class] = xlsread('iris.xlsx');
class = class(2:end,5);
for i = 1:length(class)
  if isequal(class{i},'setosa')
     Y(i) = 0;
  elseif isequal(class{i},'versicolor')
     Y(i) = 1;
                               测试样本的混淆矩阵:
  end
                               fuzzMat =
end
                                      0
X = iris(1:100,:);
                                      14
Y = Y';
data = [X,Y];
[theta,acc,L,prey] = gradientDes LR(data,0.01,0.2,0.00001,1000);
```



```
>> theta  
theta =  
0.3477  -0.3808  0.6797  0.5405  0.1908  
>> acc  
acc =
```



例:数据集是MostPopular Data Sets (hits since 2007) 中的wine数据集,是对在意大利同一地区生产的三种不同品种的酒,做大量分析所得出的数据。第一列为类标志属性,共有三类,分别记为"1","2","3"。数据包括了三种酒中13种不同成分的数量。13种成分分别为:Alcohol,Malicacid,Ash,Alcalinity of ash,Magnesium,Total phenols,Flavanoids,Nonflavanoid phenols,Proanthocyanins,Color intensity,Hue,OD280/OD315 of diluted wines,Proline。

load wine.data	测试样本的混淆矩阵:
wine = wine(1:130,:); %取两个类别数据	fuzzMat =
Y = wine(:,1) - 1; %数据类别限定为0或1	17 0
X = wine(:,2:end);	1 8
>> [theta,acc,L,prey] = gradientDes_LR([X,Y],0.01,0.2,0.00001,1000);	>> acc
theta =	acc =
-0.4860 -0.0360 -0.2298 0.4247 -0.1308 -0.1208 -0.2814	0.9615
0.1805	



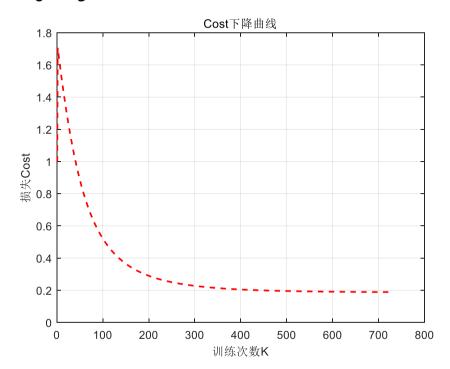
%采用交叉熵损失函数结果

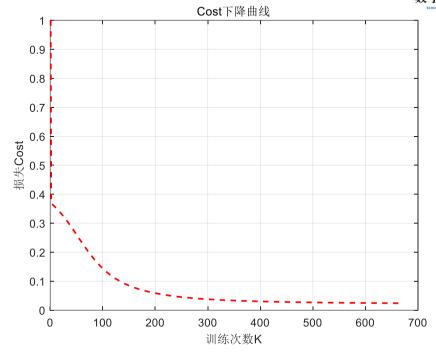
>> [theta,acc,L,prey] = gradientDes_LR([X,Y],0.01,0.2,0.00001,1000); 测试样本的混淆矩阵:

fuzzMat =

17 0

0 9





上图为平方和损失函数,左图为交叉熵损失函数。交叉熵损失函数的损失向量L可能存在NAN值,得不到图像。这是因为交叉熵函数中log的问题,即预测值h非常小的时候,可能存在计算的NAN。这是可采用二次项函数作为代价函数。



感谢聆听