Questão

Saiba que se $X_i \sim \text{Weibull}(\alpha, \beta)$ então

$$f(x_i|\alpha,\beta) = \frac{\alpha}{\beta} \left(\frac{x_i}{\beta}\right)^{\alpha-1} \exp\left\{-\left(\frac{x_i}{\beta}\right)^{\alpha}\right\}, \quad \text{para} \quad x_i \ge 0.$$

Nesta distribuição contínua temos que $\alpha>0$ é o parâmetro de forma e $\beta>0$ é o parâmetro de escala.

Suponha que X_1, \dots, X_n seja uma amostra aleatória proveniente da distribuição Weibull $(\alpha, 1)$. Implemente o método de Newton, usando o software R, para obter a estimativa de máxima verossimilhança de α . Utilize o conjunto de dados fornecido na página do curso.

Solução:

é:

O gráfico da Figura 1, refere-se ao histograma dos dados fornecidos.

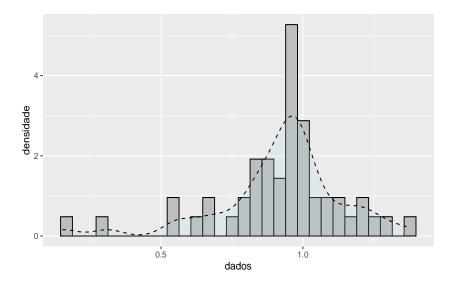


Figure 1: Histograma dos dados Weibull. A linha tracejada corresponde a densidade.

A função de veros similhança, para α proveniente de uma amostra da distribuição Weibull ($\alpha,1$),

$$f(\mathbf{x}|\alpha) = \prod_{i=1}^{n} \frac{\alpha}{1} \left(\frac{x_i}{1}\right)^{\alpha-1} \exp\left\{-\left(\frac{x_i}{1}\right)^{\alpha}\right\}$$
$$= \alpha^n \left[\prod_{i=1}^{n} (x_i)^{\alpha-1}\right] \exp\left\{-\sum_{i=1}^{n} (x_i)^{\alpha}\right\}$$

E assim, a log-verossimilhança, função que queremos otimizar, é dada por:

$$\ln f(\mathbf{x}|\alpha) = n \ln \alpha + (\alpha - 1) \sum_{i=1}^{n} (\ln x_i) - \sum_{i=1}^{n} (x_i)^{\alpha}$$

A fim de utilizar o método de Newton para encontrar uma estimativa de máxima verossimilhança para α , teremos que encontrar a primeira e segunda derivada da função log-verossimilhança. Desta forma, $f(\alpha)$ é a função que queremos encontrar as raizes utilizando o método de newton, e além dela também precisamos de $f'(\alpha)$ para implementar o algoritmo, tais funções são as respectivas derivadas da função log-verossimilhança:

$$f(\alpha) = \frac{\partial}{\partial \alpha} \ln f(\mathbf{x}|\alpha) = \frac{n}{\alpha} + \sum_{i=1}^{n} (\ln x_i) - \sum_{i=1}^{n} (\ln x_i) (x_i)^{\alpha}$$

$$f'(\alpha) = \frac{\partial^2}{\partial \alpha^2} \ln f(\mathbf{x}|\alpha) = -\frac{n}{\alpha^2} - \sum_{i=1}^{n} (\ln x_i)^2 (x_i)^{\alpha}$$

Para implementação do algoritmo no R foi utilizado a fórmula de recorrência do método de newton:

$$\alpha_{k+1} = \alpha_k - \frac{f(\alpha_k)}{f'(\alpha_k)}, \quad k = 0, 1, 2, \cdots$$

Além disso, foi escolhido uma precisão de 10^{-7} , ou seja, o critério de parada do programa será quando o valor absoluto da diferença entre o valor anterior e o atual forem menores que esta precisão. Outra característica importante do programa é a necessidade da entrada de um chute inicial para o parâmetro (ou seja, é necessário que esteja dentro do espaço paramétrico) que se deseja realizar a estimação, neste caso α .

Os códigos em R estão na parte final deste trabalho, a partir daqui serão mostrados alguns resultados utilizando esses algoritmos.

Para os dados fornecidos, o $\hat{\alpha}$ estimado que irá maximizar a função de verossimilhança será: $\hat{\alpha}=4.965997$. O chute inicial utilizado foi $\hat{\alpha}_0=10$.

A Tabela 1 mostra alguns resultados de estimações do parâmetro α utilizando o algoritmo desenvolvido, foram geradas amostras com diferentes tamanhos de n, e com $\alpha=5$. O chute inicial utilizado nestas simulações foram todos iguais, $\hat{\alpha}_0=2$.

Table 1: Simulação para diferentes tamanhos de amostras.

n	10	30	100	1000
$\overline{\alpha}$	5.595741	4.692904	5.088293	5.0562

Podemos observar que quanto maior a amostra, o algoritmo tem um melhor desempenho quanto a estimação do verdadeiro valor para o parâmetro α . Não foram obtidos problemas na estimação do parâmetro, quando foram introduzidos diferentes valores nos chutes iniciais de α .

Código R

Veja abaixo os códigos em R utilizados.

```
rm(list=ls(all=TRUE))
set.seed(22)
\tt setwd("C:\Wyara Silva\Meu Drive\disciplina-isolada-ufmg-2022\Wyara Silva\Meu Drive\disciplina-isolada-ufmg-2022\Meu Drive\disciplina-isolada-ufmg-2022\Meu Drive\Meu Drive\M
inferencia-estatistica\\trabalho-1")
dados.f = read.table("Dados_Weibull.txt")
dados = unlist(dados.f, use.names = FALSE)
library(ggplot2)
ggplot(dados.f, aes(x=V1)) +
     geom_histogram(aes(y=..density..), bins = 30, color="black", fill="grey")+
     geom_density(alpha=.2, linetype = 2, fill="light blue") +
     labs(x="dados", y = "densidade")
newton.raphson.w = function(x.dados, alpha.0=10, precisao = 1e-7, n=100){
     #primeira e segunda derivada da log-verossimilhança com relação a alpha
     dlogLikW = function(y){(length(x.dados)/y) + sum(log(x.dados)) -
     sum(log(x.dados)*(x.dados^y))}
     ddlogLikW = function(z){-(length(x.dados)/z^2) -
     sum((log(x.dados)^2)*(x.dados^z))}
     for (i in 1:n) {
          #equação de recorrência de newton-raphson
          alpha.1 = alpha.0 - dlogLikW(alpha.0)/ddlogLikW(alpha.0)
          #verificar se convergiu
          if(abs(alpha.1 - alpha.0) < precisao){</pre>
               res = list(alpha.1,i)
               names(res) = c("alpha.estimado","n.iter")
               return(res)
          }
          #nova iteração
          alpha.0 = alpha.1
    print("com o número de iterações não houve convergência")
newton.raphson.w(dados)
#simulação
n = c(10,30,100,1000)
estimativas = array(NA, dim=c(1, length(n)))
```

```
for (i in 1:length(n)){
    #a parametrização da distribuição weibull na função 'rweibull'
    #é igual a utilizada neste trabalho.
    dat = rweibull(n[i], shape=5, scale=1)
    estimativas[,i] = newton.raphson.w(dat,2)$alpha.estimado
}
estimativas
```