

# Daniele Castrovilli

BioInformatic




## Contatti

Via Bolzano, 5  
Verona 37135  
Italy

+39 342-0343653

danielestrife@gmail.com

Web Site 

GitHub: xcloudx8 

## Lingue

Italiano madre lingua  
English Fluente  
French Fluente

## Linguaggi conosciuti

♥ Python  
SQL  
PHP  
JAVA  
C  
Matlab  
CSS3 & HTML5

## Softwares conosciuti

♥ Atom Editor  
Github  
Matlab  
Microsoft Excel  
Pentaho  
MySQL  
PostgreSQL

## About me

Laureato in Bioinformatica presso l'universita' degli studi di Verona acquisendo competenze nei campi di analisi dati e la loro manipolazione. Ho implementato alcuni database per immagazzinare genomi e il recupero delle informazioni in essi contenuti tramite PHP. Nella mia esperienza di studente accademico ho imparato linguaggi di programmazione come Python , C , PHP , SQL , Matlab .

La mia tesi triennale verte sull'analisi , tramite dati proteomici, dicellule murine infette da Leucoencefalopatia mieloide acuta trattati con pantetina IN vivo ed EX vivo.

Successivamente ho lavorato come bioinformatico presso l'ospedale universitario integrato di Verona( AOUI ) nel reparto di cardiologia con il Dott.Fava per l'analisi di dati di pazienti con insufficienza cerebrovascolare.

Mi occupo anche dell'analisi di dati tramite strumenti costruiti ad-Hoc presso l'associazione OpenBioMedical Initiative come volontario.

## Educazione scolastica

2004–2010	<b>Scuola superiore</b> ambito studi scientifici	Liceo scientifico A. Vallone, Galatina(LE)
2010–2013	<b>laurea triennale</b> in Bioinformatica	Universita' degli studi di Verona, Verona
2014–20xx	<b>Laurea magistrale</b> in Bioinformatica e Biotecnologie mediche, Curriculum in Bioinformatica	Universita' degli studi di Verona, Verona

# Experience

## Universita' degli studi di Verona

Set 2012-Feb 2013 **Probabilistic technique for studying multiple sclerosis with proteomic data** Universita'

degli studi di Verona, Bachelor degree final project

*Bioinformatic*

Abbiamo studiato gli effetti della vitamina B5 iniettate in cellule murine creas-ciute IN vivo e EX vivo e studiati i suoi effetti contro la leucoencefalopatia mieloide acuta

Abilita' acquisite:

- Manipolazione di grossi file excel
- Uso di Matlab per la manipolazione di dati

Dic 2015-Mar 2015 **Analisi su batteriofagi e analisi di similarità fra virus attaccanti lo stesso ospite.** Uni-

versita' degli studi di Verona

*Bioinformatic*

Ho analizzato le similarita' fra i genomi dei virus e dello specifico batterio-host, e sottolineate le similarita' fra genomi di virus differenti ma attaccanti la medesima specie batterica. Sono stati analizzati 100 genomi di virus e 1000 genomi di batteri, con automatizzazioni tramite scripting in bash, python e analisi finale tramite IGTtools .

Abilita' acquisite:

- Acquisite abilita' sulla manipolazione di dati tramite bash
- Uso di SED, GREP, AWK per l'analisi
- Interpretazione di grossi mole di dati

Set 2015-Mar 2016 **Report generator**

Universita' degli studi di Verona

*Bioinformatic*

Software per la creazione di PDF dalle analisi genomice tramite NGS per la costruzione di report per i pazienti. Programma scritto in Python combinando la potenza tipografica di Latex.

Abilita' acquisite:

- Gestione di un intero progetto Python
- Uso di GitHub
- Lavoro di squadra
- Uso di web parsers

Set 2015-Mar 2016 **Variant database**

Universita' degli studi di Verona

*Bioinformatic*

Creazione di un database per genomi scritto in MySQL and PHP per l'interrogazione ed il recupero di informazioni da esso ed una migliore gestione dei dati in esso presenti.

Abilita' acquisite:

- Uso del linguaggio SQL
- Uso di MySQL, PostgreSQL
- Uso di PHP
- Uso di HTML and CSS3 per il web front-end

# AOUI, Azienda ospedaliera universitaria integrata

Apr 2013-Lug 2013	<b>Genome-wide association for metabolic syndrome</b> <i>Bioinformatic</i> Analisi con strumenti bionformatici di pazienti affetti da sindrome metabolica per l'interpretazione dei dati ospedalieri Abilita' acquisite: <ul style="list-style-type: none"><li>• Lettura ed interpretazione di dati di genetica di popolazione</li><li>• Uso di Plink</li></ul>	AOUI hospital, Verona
Mag 2013-Lug 2013	<b>GWAAS Database Help</b> <i>Bioinformatic</i> Analisi e creazione di database tramite Hapmap per analisi GWAAS Ablita' acquisite: <ul style="list-style-type: none"><li>• Uso di HapMap</li><li>• Miglioramento in Bash shell scripting</li></ul>	AOUI hospital, Verona

## Volontariato

Valunteer	<b>OpenBioMedical Initiative</b> <i>Bioinformatic</i> Supporto ello sviluppo di codice sorgente e per consulti BioInformati Abilita' acquisite: <ul style="list-style-type: none"><li>• Team management, lavoro di squadra</li></ul>	Nowhere
Volunteer	<b>Ubuntu translator / Bug Tracker</b> <i>Volunteer</i> Supporto nella traduzione e bug discovery per il sistema operativo Ubuntu. Abilita' acquisite: <ul style="list-style-type: none"><li>• Traduzione softwares</li><li>• Come lavora una comunita'</li></ul>	Nowhere
Volunteer	<b>AISM</b> <i>Volunteer</i> Volontario presso l'associazione AISM	Nowhere