

Daniele Castrovilli

Via Bolzano, 5 - 37135 - Verona (VR)

□ (+39) 3420343653 | Manielecastrovilli@gmail.com | Maxcloudx8.github.io | Incomplex Cloudx8 | Maxcloudx8 | Incomplex Cloudx8 | Incomplex Cloudx

castrovillidaniele | ♥@xcloudx8 | Scloud_dany

Formazione

Universita' degli studi di Verona

Verona (VR)

LAUREA MAGISTRALE BIOINFORMATICA E BIOTECNOLOGIE MEDICHE — CURRICULUM IN BIOINFORMATICA

10/2014 - 03/2017

Universita' degli studi di Verona

Verona (VR)

Laurea triennale in Bioinformatica

10/2010 - 03/2013

Liceo scientifico A. Vallone

Galatina (LE)

SCUOLA SUPERIORE SCIENTIFICA

2004-2010

Skills

Programmazione Python, Java, C, SQL, LaTeX, Matlab, Bash Shell

Programmazione Web HTML5, CSS, Javascript
Sistemi operativi Mac Os, Linux, Windows

Softwares Pentaho BI, MS SQL Server Management studio, SSRS, SSIS, Github, MySQL, PostreSQL, OracleDB, Atlassian JIRA, Atlassian

Confluence

Lingue conosciute Italian (Madrelingua), Francese (B1), Inglese(B1)

Esperienze _____

Trueblue S.R.L.

Verona, VR

Business Intelligence analyst

Nov. 2016 - PRESENT

- Gestione reportistica, manutenzione data warehouse ed estrazione dati
 Creazione del flusso ETL, dal caricamento dei dati da diverse fonti sorgente alla pulizia e creazione di report intelligenti in grado di offrire una visione completa dei dati estratti.
- Comprensione dei dati ed estrazione delle informazioni dai dati Interpretazione dei dati di vendita attraverso informazioni di SELLIN e SELLOUT e predizione di possibili scenari evolutivi.
- Uso della suite di sviluppo Microsoft SQL server
 Assistante di SQL Sarran Management Tank SQL Sarran 200013 1
 - Ampio uso di SQL Server Management Tool, SQL Server 200812-16 ed SQL Server Reporting Service e SQL Server Integration Services
- Scrittura documenti UAT conformi allo standard qualitativo Redazione di documenti per il testing delle varie componenti del data warehouse sia lato software che lato customer. Per assicurare il corretto funzionamento e sviluppo.

Universitá degli studi di Verona

Verona

TESI MAGISTRALE

Set. 2016 - Mar. 2017

Lug. 2016 - ott. 2016

- · Modeling and implementing a data warehouse to support genomic analyses
- Sviluppato un datawarehouse per genomi

Sviluppo di un data warehouse capace di supportare sequenze genomiche in formato gVCFinsieme al flusso ETL per una pulizia ed integrazione dei dati attraverso data base esterni.

Inoltre è stato sviluppata una dashboard in grado di mostrare i dati finali attraverso grafici per una migliore comprensione.

AOUI Verona

· Supporto bionformatico per data mining

Manipolazione ed estrazione di dati di pazienti affetti da sindrome metabolica, attraverso l'uso di SPSS, EXCEL, Python
 Attraverso l'uso di Python è stato possibile effettuare l'integrazione dei dati provenienti da diversi studi sulla sindrome metabolica per una
 migliore analisi complessiva della patologia.

SEPTEMBER 11, 2017

BIOINFORMATICO

BIOINFORMATICO Set. 2016 - Mar. 2016

· Report generator

Software per la creazione di reportistica in PDF attraverso l'uso di Python e di librerie LaTex
 Attraverso l'uso di Python assieme a Latex è stato possibile realizzare un sistema automatizzato di creazione di report informativi a partire dai
 risultati delle analisi di pazienti sequenziati.

Universitá degli studi di Verona

Verona

BIOINFORMATICO

Dic. 2015 - Mar. 2015

· Analisi Similaritá batteriofagi

Sviluppo di tool in python per l'analisi di similaritá fra i genomi di batteriofagi e virus.
 Attraverso python è stato creato un software per l'analisi di sequenze genomiche di batteri e virus per effettuare un confronto sulle similaritá o differenze evolutive.

AOUI Verona

BIOINFORMATICO

Apr. 2013 - Lug. 2013

Set. 2012 - Feb. 2013

· Genome wide association study for metabolic syndrome

Attraverso l'uso di PLINK ed SPSS si è osservato ed estratto dati significativi di pazienti affetti da sindrome metabolica automatizzando i processi
attraverso bash shell programming.

Universitá degli studi di Verona

Verona

TESI TRIENNALE

Probabilistic techniques for studying Multiple Sclerosis with proteomic data

 Sviluppato un sistema, attraverso Matlab, di analisi di dati proteomici per lo studio dell'efficacia della Pantetina su pazienti affetti da Sclerosi Multipla.

Certificazioni

Udemv

PYTHON FOR DATA SCIENCE AND MACHINE LEARNING BOOTCAMP

Sept. 2017

• Url: ude.my/UC-HI5Q6CLE

• Codice certificato: UC-HI5Q6CLE

Attivitá personali

AISM Verona Verona (VR)

Volontariato

Nov. 2012 - PRESENT

 Volontario presso l'associazione AISM di Verona come supporto per pazienti affetti da Sclerosi multipla e vendita delle Mele dell'AISM e gardenie dell'AISM

Open BioMedical initiative

<u>Мемвек</u> *Арт 2014 - Gen 2017*

 Supporto come bioinformatico presso l'associazione no-profit OpenBiomedical initiative. Sviluppato tool e meccanismi per l'estrazione di dati utili e comprensione di questi.

Ubuntu Bug tracker member

ovunque

MEMBER

Sep. 2010 - Actual

 nel tempo libero aiuto gli sviluppatori della distribuzione Linux Ubuntu attraverso la segnalazione, bug triaging e sviluppo di correzione per bugs

RunLover Ovunque

Runner

Jun. 2010 - PRESENT

• Amante della corse come metodo di scarico stress e miglioramento delle proprie prestazioni psico-fisiche

Musicista Ovunque

BATTERISTA

Sempre

· Amante non solo della corsa ma anche della musica, batterista nel tempo libero per diletto.

Autorizzazione trattamento dei dati

Autorizzo il trattamento dei dati personali contenuti nel mio curriculum vitae in base art. 13 del D. Lgs. 196/2003.