

# Daniele Castrovilli

BioInformatic



## About me

Laureato in Bioinformatica (Triennale e magistrale) presso l'universita' degli studi di Verona acquisendo competenze nei campi di analisi dati e la loro manipolazione. Ho implementato alcuni database per immagazzinare genomi e il recupero delle informazioni in essi contenuti tramite PHP. Nella mia esperienza di studente accademico ho imparato linguaggi di programmazione come Python , C , PHP , SQL , Matlab . La mia tesi triennale verte sull'analisi , tramite dati proteomici, cellule murine infette da Leucoencefalopatia mieloide acuta trattati con pantetina IN vivo ed EX vivo. Successivamente ho lavorato come bioinformatico presso l'ospedale universitario integrato di Verona( AOUI ) nel reparto di cardiologia per l'analisi di dati di pazienti con insufficienza cerebrovascolare. Mi occupo anche dell'analisi di dati tramite strumenti costruiti ad-Hoc presso l'associazione OpenBioMedical Initiative come volontario. La mia tesi magistrale è stata la costruzione di un data warehouse capace di estrarre, manipolare e memorizzare dati genomici di varianti alleliche. Attualmente ricopro la posizione di Business Intelligence analyst presso Trueblue S.r.l lavorando su data warehouse per aziende farmaceutiche, estraendo, manipolando ed interpretando dati core dei vari business farmaceutici.

## Educazione scolastica

2004–2010	<b>Scuola superiore</b> ambito studi scientifici	Liceo scientifico A. Vallone, Galatina(LE)
10/2010 – 03/2013	<b>Laurea triennale</b> in Bioinformatica	Universita' degli studi di Verona, Verona
10/2014 – 03/2017	<b>Laurea magistrale</b> in Bioinformatica e Biotecnologie mediche, Curriculum in Bioinformatica	Universita' degli studi di Verona, Verona

## Contatti

Via Bolzano, 5  
Verona 37135  
Italy

+39 342-0343653

E-mail  
Web Site   
GitHub: xcloudx8 

## **Competenze:**

### **Lingue parlate/conosciute**

- Italiano madre lingua
- English Scritto/Orale livello: B1
- French Scritto/Orale livello: Scolastico

### **Linguaggi di programmazione conosciuti**

- ♥ Python
- SQL
- PHP
- JAVA
- C
- Matlab
- CSS3 & HTML5

### **Softwares conosciuti**

- ♥ Atom Editor
- Github
- Matlab
- Microsoft Excel
- Pentaho-BI
- MySQL
- PostgreSQL
- Microsoft SQL Integration Service
- Microsoft SQL Reporting Service
- Microsoft SQL Server Management

# Esperienza

## Esperienze lavorative

Nov 2016 - Attuale

### **Business Intelligence analyst**

Trueblue S.R.L.

Mansione presso Trueblue S.r.l. come Business Intelligence Analyst. Il lavoro comprende la fornitura alle aziende farmaceutiche informazioni sull'andamento del business aziendale. Fornendo scenari possibili di previsione con l'aiuto di tecniche e tecnologie Big Data.

Abilita' acquisite:

- Manipolazione di dati
- Uso di MS SQL Integration Service
- Uso di MS SQL Reporting Service
- Uso di MS SQL Server Management
- Interpretazione ed elaborazione dati farmaceutici core business

## Universita' degli studi di Verona

Set 2012-Feb 2013

### **Probabilistic technique for studying multiple sclerosis with proteomic data** Universita'

degli studi di Verona, tesi di laurea

*Bioinformatico*

Abbiamo studiato gli effetti della vitamina B5 iniettate in cellule murine creas-ciute IN vivo e EX vivo e studiati i suoi effetti contro la leucoencefalopatia mieloide acuta

Abilita' acquisite:

- Manipolazione di grossi file excel
- Uso di MATLAB per la manipolazione di dati

Dic 2015-Mar 2015

### **Analisi di similarita' fra batteriofagi.**

Universita' degli studi di Verona

*Bioinformatico*

Ho analizzato le similarita' fra i genomi dei virus e dello specifico batterio-host, e sottolineate le similarita' fra genomi di virus differenti ma attaccanti la medesima specie batterica. Sono stati analizzati 100 genomi di virus e 1000 genomi di batteri, con automatizzazioni tramite scripting in bash, python e analisi finale tramite IGTtools .

Abilita' acquisite:

- Acquisite abilita' sulla manipolazione di dati tramite bash
- Uso di SED, GREP, AWK per l'analisi
- Interpretazione di grossi mole di dati

Set 2015-Mar 2016

### **Report generator**

Universita' degli studi di Verona

*Bioinformatico*

Software per la creazione di PDF dalle analisi genomiche tramite NGS per la costruzione di report per i pazienti. Programma scritto in Python combinando la potenza tipografica di LaTeX.

Abilita' acquisite:

- Gestione di un intero progetto Python
- Uso di GITHUB
- Lavoro di squadra
- Uso di web parsers

Set 2015-Mar 2016

### **Variant database**

Universita' degli studi di Verona

*Bioinformatico*

Creazione di un database per genomi scritto in MySQL and PHP per l'interrogazione ed il recupero di informazioni da esso ed una migliore gestione dei dati in esso presenti.

Abilita' acquisite:

- Uso del linguaggio SQL
- Uso di MYSQL, POSTGRESQL
- Uso di PHP
- Uso di HTML and CSS3 per il web front-end

Set 2016-Mar 2017

### **Modeling and implementing a data warehouse to support genomic analyses** Universita'

degli studi di Verona

*Bioinformatico*

Creazione di un data warehouse utile nell'analisi di varianti genetiche presenti in popolazioni di DNA. Lavoro a supporto del laboratorio di genomica funzionale dell'universita' degli studi di Verona.

Abilita' acquisite:

- Uso del linguaggio SQL
- Uso di PENTAHO SOFTWARE SUITE, POSTGRESQL
- Interpretazione dei dati genomici
- Interpretazione statistica

# AOUI, Azienda ospedaliera universitaria integrata

Lug 2016-Ott 2016	<b>Supporto bioinformatico per data mining</b> <i>Bioinformatico</i> Attraverso i dati di alcuni pazienti affetti da sindrome metabolica o obesità sono stati manipolati i dati per una migliore comprensione e visualizzazione attraverso grafici. Abilità acquisite: <ul style="list-style-type: none"><li>• Migliorate abilità di estrapolazione dei dati e del loro significato</li></ul>	AOUI hospital, Verona
Apr 2013-Lug 2013	<b>Genome-wide association for metabolic syndrome</b> <i>Bioinformatico</i> Analisi con strumenti bioinformatici di pazienti affetti da sindrome metabolica per l'interpretazione dei dati ospedalieri Abilità acquisite: <ul style="list-style-type: none"><li>• Lettura ed interpretazione di dati di genetica di popolazione</li><li>• Uso di PLINK</li></ul>	AOUI hospital, Verona
Mag 2013-Lug 2013	<b>GWAAS Database Help</b> <i>Bioinformatico</i> Analisi e creazione di database tramite Hapmap per analisi GWAAS Abilità acquisite: <ul style="list-style-type: none"><li>• Uso di HapMap</li><li>• Miglioramento in BASH SHELL SCRIPTING</li></ul>	AOUI hospital, Verona

## Volontariato

Volontario	<b>OpenBioMedical Initiative</b> <i>Bioinformatico</i> Supporto allo sviluppo di codice sorgente e per consulti BioInformatici Abilità acquisite: <ul style="list-style-type: none"><li>• Team management, lavoro di squadra</li></ul>	Nowhere
Volontario	<b>Ubuntu traduttore / Bug Tracker</b> <i>Volontario</i> Supporto nella traduzione e bug discovery per il sistema operativo Ubuntu. Abilità acquisite: <ul style="list-style-type: none"><li>• Traduzione softwares</li><li>• Come lavora una COMUNITA'</li></ul>	Nowhere
Volontario	<b>AISM</b> <i>Volontario</i> Volontario presso l'associazione AISM	Nowhere

Autorizzo il trattamento dei dati personali contenuti nel mio curriculum vitae in base art. 13 del D. Lgs. 196/2003.