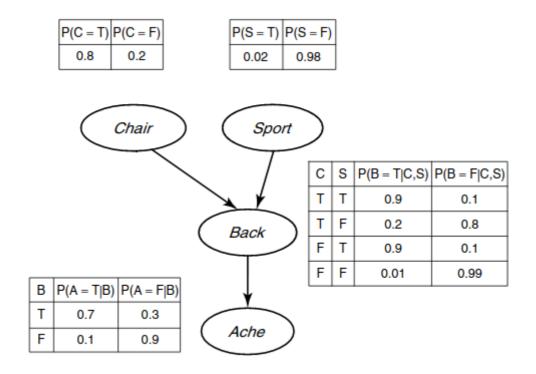
Ćw. 7 - Sieci Bayesowskie. Aleksander Drwal.

Tematem zadania jest implementacja losowego generatora danych działającego zgodnie z rozkładem reprezentowanym przez poniższą sieć bayesowską



Implementacja

Sieć jest wczytywana z pliku .json . Dla tej konkretnej sieci ma on poniższą strukturę.

```
"value": 0.02
       }
    ]
},
    "name": "Back",
    "parents": [
        "Chair",
        "Sport"
    ],
    "probabilities": [
        {
            "parentsValues": [
               true,
               true
            "value": 0.90
        },
        {
            "parentsValues": [
               true,
               false
            ],
            "value": 0.2
        },
        {
            "parentsValues": [
               false,
               true
            ],
            "value": 0.9
        },
        {
            "parentsValues": [
                false,
                false
            "value": 0.01
        }
    ]
},
{
    "name": "Ache",
    "parents": [
       "Back"
    ],
    "probabilities": [
```

Algorytm jest uruchamiany jako aplikacja konsolowa:

Wyniki

Dane wygenerowane przez sieć są używane do trenowania drzewa ID3 z ćwiczenia nr. 4.

Dla zestawu danych składającego się z 1000 losowo wygenerowanych zbiorów, algorytm osiąga następujące wyniki:

$$egin{aligned} \textit{Macierz pomylek} &pprox egin{bmatrix} 294.55 & 36.3 \ 23.45 & 46.85 \end{bmatrix} \ & Dokładność &pprox 85\% \ & Czułość &pprox 92.6\% \ & Swoistość &pprox 55\% \ & Precyzja &pprox 89\% \end{aligned}$$

Dla porównania w poprzednim zadaniu dla zbiorów <u>Breast cancer</u> i <u>mushroom</u>, wyniki były następujące:

Breast cancer:

$$Macierz~pomylek pprox egin{bmatrix} 10.7 & 17.25 \ 21.35 & 63.2 \end{bmatrix} \ Dokładność pprox 66\%$$

$$Czułośćpprox79\%$$
 $Swoistośćpprox33\%$ $Precyzjapprox72\%$

mushroom:

$$Macierz\ pomylek pprox egin{bmatrix} 1672.4 & 0 \ 0 & 1555.6 \end{bmatrix}$$
 $Dokładność pprox 100\%$
 $Czułość pprox 100\%$
 $Swoistość pprox 100\%$
 $Precyzja pprox 100\%$

Obserwacje

Algorytm radzi sobie lepiej niż w przypadku zbioru **Breast Cancer**, natomiast nie jest w stanie w pełni odwzorować zbioru jak jest to w przypadku danych z zestawu **mushroom**.

Może to być spowodane tym, że taki sam zbiór danych nie oznacza zawsze takiego samego wyniku. Np. istnieje możliwość, że dla chair=true sport=true back=true wynikiem będzie ache=true lub ache=false.

Oprócz tego, szansa na to, że ache=true jest prawie 5 razy mniejsza niż ache=true. Z tego powodu algorytm może być bardziej skłonny do przypisania wartości ache=false w miejscach gdzie nie powinien tego zrobić.

Taki stan rzeczy widać w wynikach, gdzie ache=true jest klasą negatywną a ache=false klasą pozytywną. Przy takim stanie rzeczy mamy:

$$rac{FP}{TP+FP}pprox 0.11 \, , \; rac{FN}{TN+FN}pprox 0.33$$

Czyli wartości z klasy negatywnej są niepoprawnie zgadywane 3 razy częściej niż te z pozytywnej.