# 第十章 文件操作

## 10.1 打开文件

- 10.2 基本的文件方法
- 10.3 基本的目录方法
- 10.4 CSV文件读写
- 10.5 序列化与反序列化对象
- 10.6 实验
- 10.7 小结
- 10.8 习题

Python使用内置函数open()打开文件,创建file对象。在系统中,只有存在file对象后,用户才能对文件进行相应的操作。 语法格式如下:

file object = open(file\_name [, access\_mode][, buffering]
[, encoding ])

#### 各个参数的含义如下:

- file name:要打开的文件名,必选参数项。
- access\_mode:决定了打开文件的模式:只读,写入,追加等,可选参数项。默认访问是只读("r")。且默认以文本方式("t")访问,也可以选择以二进制方式("b")访问。所以默认模式就是"rt"
- buffering:设置文件缓冲区,可选参数项。默认缓冲区大小是4096字节。
- encoding: 读写文本时采用的字符编码器或解码器。The default encoding is platform dependent (whatever locale.getpreferredencoding() returns), but any text encoding supported by Python can be used. See the *codecs* module for the list of supported encodings.

#### 10.1.1文件模式

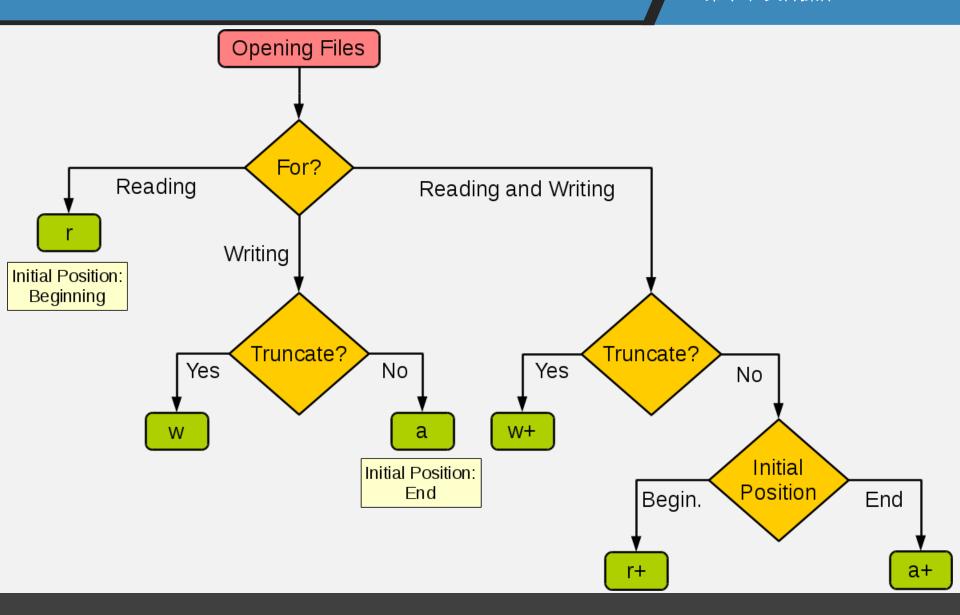
访问文件的模式有:读、写、追加等。以不同模式打开文件,详细功能见下表所示。例如,以写模式打开并创建一个文件,如下所示:

>>> str\_file = open("c:\\test\\file\_test.txt","w")

模式	描述
t	文本模式 (默认)。
X	写模式,新建一个文件,如果该文件已存在则会报错。
b	二进制模式。
+	打开一个文件进行更新(可读可写)。
r	以只读方式打开文件。文件的指针将会放在文件的开头。这是默认模式。
rb	以二进制格式打开一个文件用于只读。文件指针将会放在文件的开头。这是默认模式。一般用于非文本文件如图片等。
r+	打开一个文件用于读写。文件指针将会放在文件的开头。
rb+	以二进制格式打开一个文件用于读写。文件指针将会放在文件的开头。一般用于非文本文件如图片等。

模式	描述
W	打开一个文件只用于写入。如果该文件已存在则打开文件,并从开头开始编辑,即原有内容会被删除。如果该文件不存在,创建新文件。
wb	以二进制格式打开一个文件只用于写入。如果该文件已存在则打开文件, 并从开头开始编辑,即原有内容会被删除。如果该文件不存在,创建新文件。一般用于非文本文件如图片等。
W+	打开一个文件用于读写。如果该文件已存在则打开文件,并从开头开始编辑,即原有内容会被删除。如果该文件不存在,创建新文件。
wb+	以二进制格式打开一个文件用于读写。如果该文件已存在则打开文件,并 从开头开始编辑,即原有内容会被删除。如果该文件不存在,创建新文件。 一般用于非文本文件如图片等。
a	打开一个文件用于追加。如果该文件已存在,文件指针将会放在文件的结 尾。也就是说,新的内容将会被写入到已有内容之后。如果该文件不存在, 创建新文件进行写入。
ab	以二进制格式打开一个文件用于追加。如果该文件已存在,文件指针将会 放在文件的结尾。也就是说,新的内容将会被写入到已有内容之后。如果 该文件不存在,创建新文件进行写入。
a+	打开一个文件用于读写。如果该文件已存在,文件指针将会放在文件的结 尾。文件打开时会是追加模式。如果该文件不存在,创建新文件用于读写。
ab+	以二进制格式打开一个文件用于追加。如果该文件已存在,文件指针将会

放在文件的结尾。如果该文件不存在, 创建新文件用于读写。



#### 10.1.2文件缓冲区

Python文件缓冲区,一般分为三种模式:全缓冲、无缓冲、行缓冲。

- 全缓冲: 默认情况下, Python文件写入采用全缓冲模式, 空间大小为 4096字节。前4096个字节的信息都会写在缓冲区中, 当第4097个字 节写入的时候(即缓冲区满时), 系统会把先前的4096个字节通过系 统调用写入文件。同样,可以用Buffering=n(单位为: 字节)自定义缓 冲区的大小。
- **行缓冲**: Buffering=1, 系统<mark>每遇到一个换行符('\n')</mark>才进行系统调用, 将缓冲区的信息写入文件。
- **无缓冲**: Buffering=0, 当需要将系统产生的信息**实时写入**文件时, 就须要设置为无缓冲的模式。

# 第十章 文件操作

10.1 打开文件

## 10.2 基本的文件方法

- 10.3 基本的目录方法
- 10.4 CSV文件读写
- 10.5 序列化与反序列化对象
- 10.6 实验
- 10.7 小结
- 10.8 习题

#### 10.2.1 读和写

1. read()方法

语法格式如下:

string = fileobject.read([size])

bytes = fileobject.read([size])

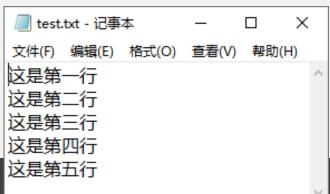
- size——从文件中读取的字节数(二进制方式)或字符数(文本方式),如果未指定则读取文件的全部信息。
- 返回值为从文件中读取的字节或字符串。

## 例如:从文本文件读取若干字符—以文本方式打开并读取

```
# 打开文件
fo = open("test.txt", "r+", encoding="utf-8") # 以文本方式、可读可写模
式打开文件
print("文件名为: ", fo.name)

text = fo.read(10) # 读取10个字符(包括换行符)
print(f"读取的字符串:\n{text}")

# 关闭文件
fo.close()
```



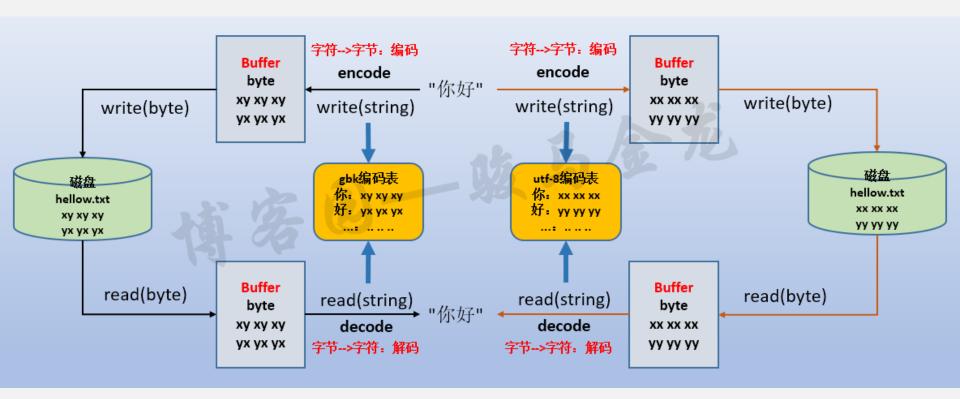
文件名为: test.txt

读取的字符串:

这是第一行

这是第二

#### 关于字符编码与解码



## 例如:从文本文件读取所有字符---以字节方式打开并读取

#打开文件

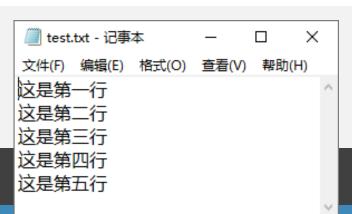
fo = open("test.txt", "br+") # 以二进制方式、可读可写模式打开文件 print("文件名为: ", fo.name)

some\_byte = fo.read() # 读取所有字节,返回字节序列对象,bytes类型 text = some\_byte.decode(encoding='utf-8') # 对字节序列解码,返回字 符串

print(f"读取的字符串:\n{text}")

#关闭文件

fo.close()



文件名为: test.txt

读取的字符串:

这是第一行

这是第二行

这是第三行

这是第四行

这是第五行

## 例如:从文本文件读取所有字符---以字节方式打开并读取,改变解码方式

#打开文件

fo = open("**test.txt**", "**br+**") # 以二进制方式、可读可写模式打开文件 print("文件名为: ", fo.name)

some\_byte = fo.read() # 读取所有字节,返回字节序列对象,bytes类型 text = some\_byte.decode(encoding='ASCII') # 对字节序列解码(错误则 产生异常),返回字符串

print(f"读取的字符串:\n{text}")

#*关闭文件* fo.close()

UnicodeDecodeError: 'ascii' codec can't decode byte 0xe8 in position 0: ordinal not in range(128).

#### 原因:

bytes.decode(encoding='utf-8', errors='strict')

error参数默认为'strict', 则解码错误将产生异常。该参数也可以设置为'ignore', 'replace' 等值,表示忽略、符号替代等含义。

## 例如:从文本文件读取所有字符---以字节方式打开并读取,改变解码方式

#打开文件

fo = open("test.txt", "br+") # 以二进制方式、可读可写模式打开文件 print("文件名为: ", fo.name)

some\_byte = fo.read() # 读取所有字节,返回字节序列对象,bytes类型 text = some\_byte.decode(encoding='ASCII', errors='replace') # 对字节 序列解码(错误则替换),返回字符串

print(f"读取的字符串:\n{text}")

#*关闭文件* fo.close()

文件名为: test.txt

读取的字符串:





#### 10.2.1 读和写

2. write()方法

write()方法将字符串或字节序列写入一个打开的文件。语法格式如下:

fileobject.write(string)

fileobject.write(bytes)

如果以二进制方式写入字符串,则需要先将字符串按指定规则编码为字节序列,然后写入。

文本方式访问时,write()方法不会自动在字符串的末尾添加换行符('\n'),需要人为在字符串末尾添加换行符。

## 例如:分别以文本方式和二进制方式,向文本文件写入字符串

```
# 打开文件
fo = open("out.txt", "w", encoding='utf-8')

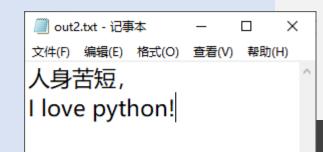
fo.write('人生苦短, \n') # 注意手工换行
fo.write('I love python!')

# 关闭文件
fo.close()
```

```
# 打开文件
fo = open("out2.txt", "bw")
```

```
fo.write('人生苦短, \n'.encode(encoding='utf-8'))
fo.write('I love python!'.encode(encoding='utf-8'))
```

```
#关闭文件 fo.close()
```



#### 例如:以二进制方式向数据文件写入整数序列

fo = open("out3.dat", "bw") # 打开文件

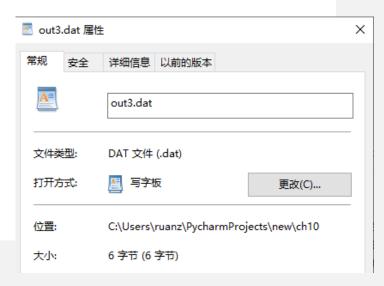
a = [2, 10, 25]

for x in a:

# 两个字节表示的整型, 且为大端优先

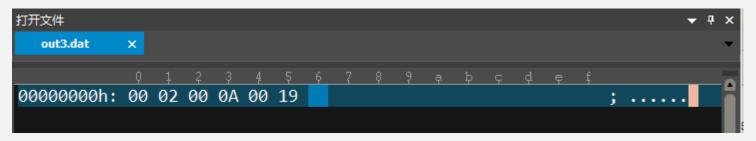
fo.write(int(x).to\_bytes(2, byteorder='big'))

fo.close() # 关闭文件





#### 例如:以二进制方式从数据文件读取整数序列



```
fo = open("out3.dat", "br") # 打开文件
buf = fo.read() # 读取所有字节
print(len(buf), '字节')
a = []
for i in range(0, int(len(buf) / 2)):
  x = int.from_bytes(buf[i * 2:i * 2 + 2], byteorder='big')
  a.append(x)
                                                    6 字节
print(a)
                                                     [2, 10, 25]
fo.close() # 关闭文件
```

## 10.2.2 读取行

1.readline()方法

用于从文本文件中读取整行,包括"\n"字符。语法如下:

## string = fileObject.readline([size])

- size -- 从文件中读取的字符数,如果参数为正整数,则返回指定长度的字符串数据。
- 注意,读到文件末尾返回空字符'',而空行则返回换行符'\n'
- 2. readlines()方法

用于读取文本文件中所有行,直到结束符 EOF,并返回列表,包括所有行的信息。该列表可以由Python 的"for… in …"结构进行处理。语法如下:

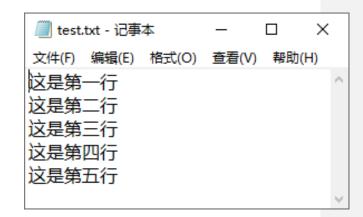
list=fileObject.readlines()

## 例如:按行读取文本文件的部分行

```
# 打开文件
fo = open("test.txt", "r+", encoding='utf-8')
print("文件名为: ", fo.name)

line = fo.readline()
print("读取第一行 %s" % (line))

line = fo.readline(4)
print("读取第二行前4个字符为: %s" % (line))
```



#*关闭文件* fo.close()

文件名为: test.txt 读取第一行 这是第一行

读取第二行前4个字符为: 这是第二

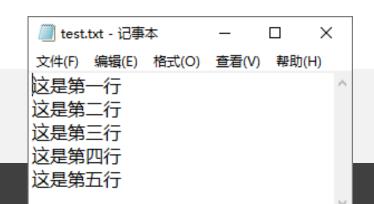
## 例如:按行读取文本文件的所有行---循环读取行

```
# 打开文件
fo = open("test.txt", "r+", encoding='utf-8')

i = 0
line = fo.readline()
while line != ": # 每一行都包括了一个换行符'\n', 除了文件末尾
i += 1
```

print("读取第%d行: %s" % (i, line)) line = fo.readline() # 读取下一行

#*关闭文件* fo.close()



读取第1行: 这是第一行

读取第2行: 这是第二行

读取第3行: 这是第三行

读取第4行: 这是第四行

读取第5行: 这是第五行

## 例如:按行读取文本文件的所有行---用readlines()方法

```
#打开文件
fo = open("test.txt", "r+", encoding='utf-8')
i = 0
lines = fo.readlines() # 读取所有行
for line in lines:
 i += 1
  print("读取第%d行: %s" % (i, line))
# 关闭文件
```

fo.close()

I test.txt - 记事本 × 文件(F) 编辑(E) 格式(O) 查看(V) 帮助(H) 这是第一行 这是第二行 这是第三行 **这是第四行** 这是第五行

读取第1行: 这是第一行

读取第2行: 这是第二行

读取第3行: 这是第三行

读取第4行: 这是第四行

读取第5行: 这是第五行

#### 10.2.3 写入一行或多行

writelines()方法:

向文本文件写入文本行。 语法格式如下:

fileObject. writelines(lines)

lines为字符串列表。

注意,该方法不会自动写入换行符,因此如果lines中的每一个字符串需要换行,则需要在字符串的结尾提供换行符,例如:

lines = ['众志成城, 共克时艰\n', '亿万人民同舟共济、守望相助\n',

'筑起一道抗击疫情的钢铁长城,铸就一座令人瞩目的精神丰碑']

## 例如:使用writelines()方法向文本文件写入多行字符串

fo = open("out4.txt", "w", encoding='utf-8') # 打开文件

lines = ['众志成城, 共克时艰\n', '亿万人民同舟共济、守望相助\n', '筑起一道抗击疫情的钢铁长城, 铸就一座令人瞩目的精神丰碑']

fo.writelines(lines)

fo.close() # 关闭文件



#### 10.2.4 关闭文件

close()方法:

用于关闭该文件,并清除文件缓冲区里的信息,关闭文件后不能再进行 写入。 语法格式如下:

## fileObject.close()

当一个文件对象的引用被重新指定给另一个文件时,系统会关闭先前打开的文件。

#### 10.2.5 文件重命名

rename()方法:

用于将当前文件名称重新命名为一个新文件名称。

语法格式如下:

## os.rename(current filename, new filename)

current\_filename: 当前文件的名称; new\_filename: 重新命名后的文件名称。

注意:要使用这个内置函数rename(),你必须先导入**os模块**,然后才可以调用相关的功能。

## 该方法也用于更改名录名称。

#### 10.2.6 删除文件

remove()方法:

用于删除系统中已经存在的文件。

语法格式如下:

## os.remove(file\_name)

file\_name——系统中已经存在的文件名称,即将删除的文件名称。

注意:要使用这个内置函数remove(),你必须先导入os模块,然后才可以调用相关的功能。

# 第十章 文件操作

- 10.1 打开文件
- 10.2 基本的文件方法
- 10.3 基本的目录方法
- 10.4 CSV文件读写
- 10.5 序列化与反序列化对象
- 10.6 实验
- 10.7 小结
- 10.8 习题

#### 10.3.1创建目录

(1) 使用os.mkdir()方法创建目录

语法格式如下:

#### os.mkdir("newdir")

newdir——新建的目录名称,必须要带目录的完整路径。

注意:要使用目录操作相关的内置函数,必须先导入os模块,然后才可以调用相关的功能。

#### 例如:

>>> import os

>>> os.mkdir("C:\\test\\test\_dir")

#### 10.3.2 显示当前工作目录

(2) 使用getcwd()方法显示当前工作目录

语法格式如下:

os. getcwd()

显示当前的工作目录。例如:

>>> os.getcwd()

'C:\\Users\\ruanz\\PycharmProjects\\classTest'

#### 10.3.3 改变目录

(3) 使用chdir()方法改变当前工作目录

语法格式如下:

#### os.chdir("newdir")

newdir——要改变的新的工作目录名称,需要带目录的完整路径。 os.chdir()方法应用如下所示:

>>> os.getcwd()

'C:\\Users\\ruanz\\PycharmProjects\\classTest'

- >>> os.chdir('C:\\Users\\ruanz\\PycharmProjects\\new')
- >>> os.getcwd()

'C:\\Users\\ruanz\\PycharmProjects\\new'

#### 10.3.4 删除目录

(4) 使用rmdir()方法删除目录

语法格式如下:

## os.rmdir(path)

path——要删除的目录名称,需要带目录的完整路径。 删除path指定的空目录,如果目录非空,则抛出一个OSError异常。例如:

>>> os.rmdir("C:\\test\\test\_dir")

os.removedirs(path)方法则用于递归删除目录。 也要求个目录必须为空,否则抛出OSError异常。

#### 10.3.5 列出目录中的所有文件和子目录名称

(5) 使用listdir() 方法

语法格式如下:

os.listdir(path)

path——需要列出的目录路径。

返回指定路径下的文件和文件夹列表。例如:

>>> os.listdir("C:\\test")

['a.txt', 'a 1.txt', 'b.txt', ....., 'workspace', ....., '随钻曲线.jpg']

#### 示例: 递归删除当前目录下的某个子目录

```
# 列出目录和文件
print("目录为: %s" % os.listdir(os.getcwd()))
# 递归移除目录
os.removedirs("/test")
# 列出移除后的目录
print("移除后目录为:" % os.listdir(os.getcwd()))
```

## 10.3.6 os.path模块

os.path 模块主要用于获取文件的属性以及判断某个路径是否为文件或目录

方法	说明
os.path.abspath(path)	返回绝对路径
os.path. <b>basename</b> (path)	返回文件名
os.path.dirname(path)	返回文件路径
os.path. <b>exists</b> (path)	路径存在则返回True,路径损坏返回False
os.path.getatime(path)	返回最近访问时间 (浮点型秒数)
os.path.getmtime(path)	返回最近文件修改时间
os.path.getctime(path)	返回文件 path 创建时间
os.path. <b>getsize</b> (path)	返回文件大小,如果文件不存在就返回错误

## 10.3 基本的目录方法

## 10.3.6 os.path模块

方法	说明
os.path.isabs(path)	判断是否为绝对路径
os.path. <b>isfile</b> (path)	判断路径是否为文件
os.path. <b>isdir</b> (path)	判断路径是否为目录
os.path.join(path1[, path2[,]])	把目录和文件名合成一个路径
os.path.abspath(path)	返回一个目录或文件的绝对路径
os.path. <b>realpath</b> (filename)	返回指定文件的标准路径,而非软链接所在的路径
os.path.samefile(path1, path2)	判断目录或文件是否相同
os.path.sameopenfile(fp1, fp2)	判断fp1和fp2是否指向同一文件
os.path.split(path)	把路径分割成 dirname 和 basename,返回一个 元组
os.path.splitdrive(path)	返回驱动器名和路径组成的元组
os.path. <b>splitext</b> (path)	分割路径中的文件名与扩展名

#### 示例:输出指定目录下的所有文件名

```
import os
import pprint
my_dir = r"c:\test"
paths = os.listdir(my_dir) # 获取所有子目录和文件
files = [x for x in paths]
        if os.path.isfile(my_dir + '\\' + x)]
#列出所有文件
pp = pprint.PrettyPrinter()
print(f"{my_dir}目录中文件为:")
pp.pprint(files)
```

```
c:\test目录中文件为:
['a.txt',
'a 1.txt',
'b.txt',
'b1.txt',
'Hello.txt',
'Hello2.txt',
'hello FOS.txt',
'json test.json',
'note.txt',
'top10.CSV',
'top10.html',
'XingLL sinx2.gif',
'随钻曲线.jpg']
```

## 示例:输出指定目录下的所有后缀为txt文件的文件名

```
import os
import pprint
my_dir = r"c:\test"
paths = os.listdir(my_dir) # 获取所有子目录和文件
# 所有txt文件
files = [x \text{ for } x \text{ in } paths]
        if os.path.splitext(x)[1] == '.txt']
#列出所有文件
pp = pprint.PrettyPrinter()
print(f"{my_dir}目录中txt文件为:")
pp.pprint(files)
```

```
c:\test目录中txt文件为:
['a.txt',
    'a_1.txt',
    'b.txt',
    'b1.txt',
    'bookinf.txt',
    'Hello.txt',
    'Hello2.txt',
    'hello_FOS.txt',
    'note.txt',
    'top10.txt']
```

## 示例:输出指定目录下的所有大于1字节txt文件的文件名

```
import os
import pprint
my_dir = r"c:\test"
paths = os.listdir(my_dir) # 获取所有子目录和文件
files = [x for x in paths]
        if os.path.splitext(x)[1] == '.txt' # 所有txt文件
        and os.path.getsize(my_dir + "\\" + x) > 1024] # 文件>1k字节
#列出所有文件
pp = pprint.PrettyPrinter()
print(f"{my_dir}目录中所有大于1k字节txt文件为:")
pp.pprint(files)
```

c:\test目录中所有大于1k字节txt文件为: ['bookinf.txt'] 示例:输出本程序的绝对路径和所在目录

```
import os
print('__file__: ', __file__) # __file__ 是用来获得模块(本程序)所在路径
abs_path = os.path.abspath(__file__)
print('abspath: ', abs_path)
real_path = os.path.realpath(__file__)
print('realpath:', real_path)
print('split:', os.path.split(real_path)[0]) # 获取本程序所在目录
```

\_\_file\_\_: D:/PycharmProjects/new/ch10/demo\_10\_02\_14.py abspath: D:\PycharmProjects\new\ch10\demo\_10\_02\_14.py realpath: D:\PycharmProjects\new\ch10\demo\_10\_02\_14.py split: D:\PycharmProjects\new\ch10

# 第十章 文件操作

- 10.1 打开文件
- 10.2 基本的文件方法
- 10.3 基本的目录方法

## 10.4 CSV文件读写

- 10.5 序列化与反序列化对象
- 10.6 实验
- 10.7 小结
- 10.8 习题

#### 10.4.1 什么是 CSV 文件?

CSV 全称是 "Comma-Separated Values" ,中文叫做【逗号分割的值】。

- CSV文件以纯文本的形式存储表格数据,后缀为csv
- 每行中的各数据项用逗号分隔。通常,第一行标识每个数据列的名称, 之后的每一行都是实际数据,仅受文件大小限制。
- 比Excel文件更加简洁, XLS文本是电子表格, 包含文本、数值和公式格式等内容, CSV则不包含这些。
- CSV 文件也可以通过 Excel 打开,数据以电子表格的样式进行显示, 因此 CSV 文件也被视为一种简化版的电子表格。



□ ~ · · · · · · · · · · · · 学生体检表.csv - Excel					
文	件 开始	插入绘图	页面布局	公式 数据	审阅 视图
C9 - : × - fx					
	Α	В	С	D	Е
1	Name	Height	Weight		
2	Mike	180	76		
3	Bob	160	65		
4	Andy	170	72		
5					

#### 10.4.2 CSV 文件读写的常用方法

- 方法1: 使用文件对象直接读写
  - 内置函数open打开文件文件后,使用其readline/readlines和writelines方法 直接读写
  - 分隔符和换行符都需要处理,数据行需要程序分割成数据项,或数据项合并成数据行
- 方法2:使用文件对象 + csv 模块完成读写
  - 程序中数据行由嵌套列表组成:使用csv模块的reader和writer对象完成
  - 程序中数据行由字典列表组成:使用csv模块的DictReader和DictWriter对象 完成
- 方法3: 使用Pandas库中的 read csv 方法和 to csv 方法完成读写
  - 讲解Pandas库时再介绍

## (1) 方法1: 使用文件对象直接读写

示例:将嵌套列表数据写入csv文件

```
demo_10_04_01.py × 量体检1.csv ×

Name, Height, Weight

Mike, 180, 76

Bob, 160, 65

Andy, 170, 72

5
```

```
with open('体检1.csv', 'wt', encoding='utf-8-sig') as fp:
```

fp.write(','.join(header) + '\n') # 写入标题行(表头)

#循环写入数据行

for row in rows:

fp.write(','.join(row) + '\n') #写入一行数据

注意数据项用逗 号连接合并,并 在末尾的换行符

demo\_10\_04\_01.py × 🖆 体检1.csv ×

## (1) 方法1: 使用文件对象直接读写

```
Name, Height, Weight
示例:从csv文件读取数据到嵌套列表
                                              Mike, 180, 76
                                              Bob, 160, 65
                                              Andy, 170, 72
rows = []
   line = fp.readline() # 读取标题行(表头)
```

```
with open('体检1.csv', 'tr', encoding='utf-8-sig') as fp:
   line = line[0:-1] # 去掉末尾的换行符
   header = line.split(',') #分割字符串
   for line in fp.readlines(): # 读取剩余的所有行(即数据行)
       line = line[0:-1] # 去掉末尾的换行符
       rows.append(line.split(',')) #追加到嵌套列表
print(header)
print(rows)
```

#### 注意

- 解码与编码-
- 去除末尾换行符
- 分割字符串

['Name', 'Height', 'Weight']

[['Mike', '180', '76'], ['Bob', '160', '65'], ['Andy', '170', '72']]

#### (2) 方法2: 使用文件对象 + csv 模块完成读写

csv 模块是 Python 标准库中的内置模块,作用是用于处理 csv 文件。

- 程序中数据行由嵌套列表组成:使用csv模块的reader和writer对象完成
  - ■首先,构造reader或writer必须传入一个已经用内置函数open打开的csv 文件对象
  - ■然后,调用writerow方法写入一行或writerows方法写入多行,或遍历 reader对象获取数据行(表头行用next(reader)单独获取)
- 数据行由**字典列表**组成:使用csv模块的DictReader和DictWriter对象完成
  - ■首先,先构造DictReader或DictWriter必须传入一个已经用内置函数 open打开的csv文件对象
  - ■然后,调用writeheader方法写入表头,或filenames属性获取表头
  - ■最后,调用writerow/writerows方法写入一行/多行,或遍历变量 DictReader对象获取数据行(表头行用next(DictReader)单独获取)

#### 10.4 CSV文件读写

#### 第十章 文件操作

🌈 demo\_10\_04\_03.py 🗡 🗯 体检2.csv 🗡

Mike, 180, 76

Bob, 160, 65

Andy, 170, 72

Name, Height, Weight

## (2) 方法2: 使用文件对象 + csv 模块完成读写

示例:用csv.writer对象将<mark>嵌套列表</mark>数据写入csv文件

with open('体检2.csv', 'tw', encoding='utf-8-sig', newline=") as fp:
csv\_writer = csv.writer(fp) # 构造csv的writer对象
csv\_writer.writerow(header) # 写入一行数据,此处是标题行(表头)
csv\_writer.writerows(rows) # 写入多行数据

注意为 open() 函数指定关键字 参数 new ine= ', 否则没写入 一行,后面会添加一个空白行 (2) 方法2: 使用文件对象 + csv 模块完成读写

示例:用csv.reader对象从csv文件读取数据到

嵌套列表

注意csureader是一个生成器,可以用next()函数得到下一个元素,也可以迭代。

['Name', 'Height', 'Weight']

[['Mike', '180', '76'], ['Bob', '160', '65'], ['Andy', '170', '72']]

## (2) 方法2: 使用文件对象 + csv 模块完成读写

示例:用csv.DictWriter对象将字典列表数据写入csv文件

1 Name, Height, Weight
2 Mike, 180, 76
3 Bob, 160, 65
4 Andy, 170, 72

注意为 open() 函数指定关键字 参数 new ince ', 否则没写入 一行,后面会添加一个空白行

#### (2) 方法2: 使用文件对象 + csv 模块完成读写 🐌 demo 10 04 05.py 🗡 🚪 体检3.csv 🗡 Name, Height, Weight 示例: 用csv.DictReader对象从csv文件读取数 Mike, 180, 76 注意csv.DictReader是一个生 据到字典列表 Bob, 160, 65 成器,可以用next()函数得到 Andy, 170, 72 import csv 下一个元素, 也可以迭代。 rows = [] with open('体检3.csv', 'tr', encoding='utf-8-sig') as fp: dict\_reader = csv.DictReader(fp) # 构造csv的DictReader对象,若数据 有表头行,它们将作为字典的键 # header = ['Name', 'Height', 'Weight'] # dict\_reader = csv.DictReader(fp, fieldnames=header) # 若数据无表头 行,则指定表头作为字典的键 firstRow = next(dict\_reader) # 得到第一行数据对应的字典 rows.append(firstRow) **for** row **in** dict\_reader: # 读取剩余的各行,并以字典形式加入列表 rows.append(row) [{'Name': 'Mike', 'Height': '180', 'Weight': '76'}, print(rows)

{'Name': 'Andy', 'Height': '170', 'Weight': '72'}]

{'Name': 'Bob', 'Height': '160', 'Weight': '65'},

# 第十章 文件操作

- 10.1 打开文件
- 10.2 基本的文件方法
- 10.3 基本的目录方法
- 10.4 CSV文件读写

## 10.5 序列化与反序列化对象

- 10.6 实验
- 10.7 小结
- 10.8 习题

## 10.5.1 pickle 模块

对象序列化 (serializing) 是指将对象转换为文本或字节序列;如果对象还以文件的形式存放在磁盘上,便于以后检索,则称对象具有了持久性;反序列化 (de-serializing)则是相反的过程。pickle 模块实现了用于序列化和反序列化Python对象结构的二进制协议。

- "Pickling"是将Python对象转换为字节流的过程, "unpickling"是反向操作, 从而将字节流(二进制文件或类似字节的对象)转换回对象。
- Python中几乎所有的数据类型(列表,字典,集合,类等)都可以用 pickle来序列化与反序列化。
- pickle 数据格式是特定于Python的,不便于在非python程序间数据 共享(与文本文件、CSV文件、Excell文件、数据库等不同)。
- pickle 数据格式使用相对紧凑的二进制表示,如果需要最佳尺寸特征, 则可以有效地压缩数据。
- pickle序列化后的数据,可读性差,人一般无法识别。

pickling (和 unpickling) 也被称为"序列化","编组"或"平面化"。 为了避免混乱,此处采用术语"封存 (pickling)"和"解封 (unpickling)"。

## pickle协议和JSON (JavaScript Object Notation) 的区别

- JSON是一种文本序列化格式(它输出unicode文本,虽然大部分时间它被编码utf-8),而pickle是二进制序列化格式。
- JSON是人类可读的,而pickle则不是。
- JSON是可互操作的,并且在Python生态系统之外广泛使用;而pickle数据格式是特定于Python的,它的优点是没有外部标准强加的限制,例如 JSON; 但是这意味着非Python程序可能无法重建pickled Python对象。
- 默认情况下, JSON只能表示Python内置类型的子集, 而不能表示自定义类; pickle可以表示极其庞大的Python类型(其中许多是自动的, 通过巧妙地使用Python的内省工具; 复杂的案例可以通过实现特定的对象API来解决)。
- 与pickle不同,反序列化不受信任的JSON本身不会造成任意代码执行漏洞。

## 10.5.2 pickle 模块接口

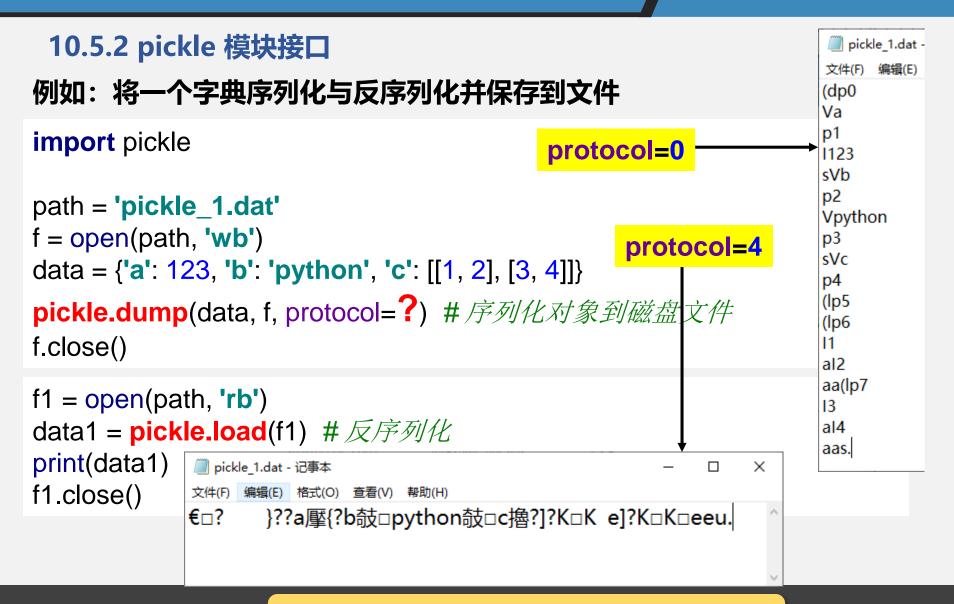
要序列化对象,只需调用该模块的dumps()方法即可。同样,要对数据流进行反序列化,请调用该模块的loads ()方法。但是,如果想要更多地控制序列化和反序列化,则可以分别创建一个Pickler或一个Unpickler对象。

- pickle.dump(obj, file, protocol=None, \\*, fix\_imports=True, ...)
  - 序列化对象obj,并将结果数据流写入到文件对象file中。参数protocol是序列化模式,python3中默认值为4,0表示以文本的形式序列化,为原始版本,还可以是1、2、3、4,表示以二进制的形式序列化,不同Python版本有所区别。如果参数fix\_imports为true,则pickle将尝试将旧的Python 2名称映射到Python 3中使用的新名称。
  - 相当于Pickler(file,protocol).dump(obj)。
- obj=pickle.load(file, \\*, fix\_imports=True, encoding="ASCII", ...)
  - 从打开的文件对象file中读取pickle对象表示,并返回其中指定的重构对象obj。
  - 相当于obj=Unpickler(file).load()。

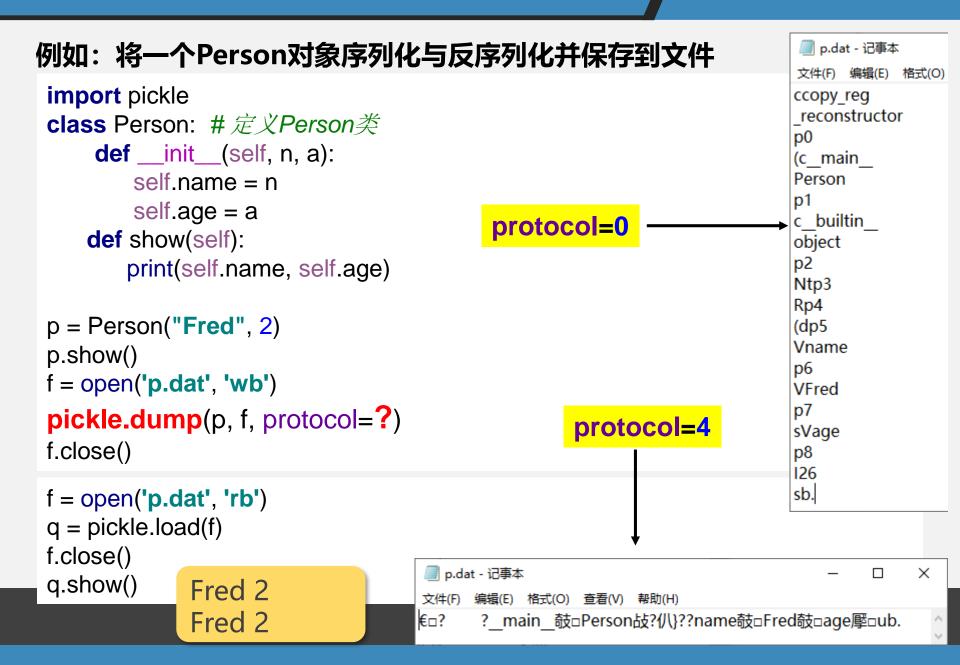
## 10.5.2 pickle 模块接口

要序列化对象,调用该模块的dumps()或dump()方法即可;要对数据流进行反序列化,请调用该模块的loads ()或load()方法。但是,如果想要更多地控制序列化和反序列化,则可以分别创建一个Pickler或一个Unpickler对象。

- data=pickle.dumps(obj, protocol=None, \\*, fix\_imports=True, ...)
  - 序列化对象obj,并将返回对象的pickle对象表示。
  - 相当于data=Pickler(protocol).dumps(obj)。
- obj=pickle.loads(data, \\*, fix\_imports=True, encoding="ASCII", ...)
  - 从data中读取pickle对象表示,并返回其中指定的重构对象。
  - 相当于obj=Unpickler(data).loads()。



{'a': 123, 'b': 'python', 'c': [[1, 2], [3, 4]]}



## 10.5.2 pickle 模块接口

例如:将一个字典序列化与反序列化

import pickle

<class 'bytes'>
b'(dp0\nVa\np1\nl123\nsVb\np2\n
Vpython\np3\nsVc\np4\n(lp5\n(lp6
\nl1\nal2\naa(lp7\nl3\nal4\naas.'

```
data = {'a': 123, 'b': 'python', 'c': [[1, 2], [3, 4]]}
pickle_data = pickle.dumps(data, protocol=?) #序列化对象
print(type(pickle_data))
print(pickle_data)
```

data1 = **pickle.loads**(pickle\_data) # 反序列化 print(data1)

protocol=4

{'a': 123, 'b': 'python', 'c': [[1, 2], [3, 4]]}

## 例如:将一个Person对象序列化与反序列化

```
b'ccopy reg\n reconstructor\np0\n(
import pickle
                                 c main \nPerson\np1\nc builtin
class Person: #定义Person类
                                 \nobject\np2\nNtp3\nRp4\n(dp5\nV)
    def __init__(self, n, a):
                                 name\np6\nVFred\np7\nsVage\np8\
       self.name = n
                                 nI26\nsb.'
       self.age = a
   def show(self):
      print(self.name, self.age)
                                                protocol=0
p = Person("Fred", 2)
                                                protocol=4
pickle_data = pickle.dumps(p, protocol=?)
print(pickle_data)
```

```
q = pickle.loads(pickle_data)
q.show()
```

Fred 2

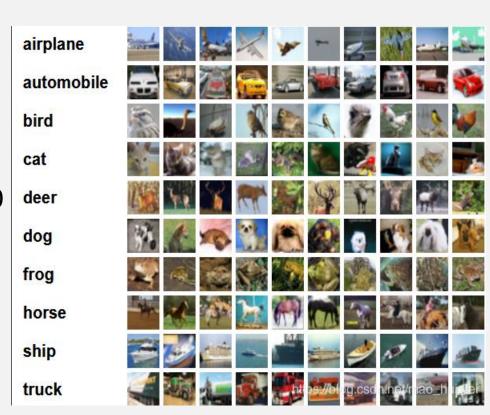
b'\x80\x04\x955\x00\x00\x00\x00\x0 0\x00\x00\x8c\x08\_main\_\x94\x8c\ x06Person\x94\x93\x94)\x81\x94}\x9 4(\x8c\x04name\x94\x8c\x04Fred\x9 4\x8c\x03age\x94K\x1aub.'

## 例如:从CIFAR-10 数据集(序列化存储)文件中读取图片数据并显示图片

CIFAR-10 是由 Hinton 的学生整理的一个用于识别普适物体的小型数据集。

该数据集共有60000张彩色图像,这些图像是32\*32,分为10个类,每类6000张图。

- 其中有50000张用于训练,构成了5 个训练批,每一批含10000张图;
- 另外10000张图用于测试,单独构成一批。



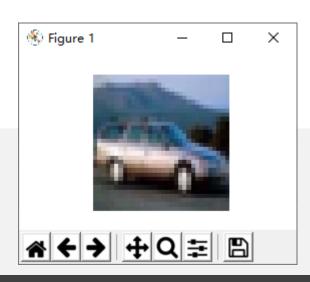
## 例如:从CIFAR-10数据集(序列化存储)文件中读取图片数据并显示图片

```
import pickle
import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
path1 = r'C:\cifar-10-python\cifar-10-batches-py\data_batch_1'
with open(path1, 'rb') as fo:
  data = pickle.load(fo, encoding='bytes')
  print(data[b'batch_label']) # b'training batch 1 of 5'
  print(data[b'labels']) # [6, 9, 9, 4, 1, 1, 2, 7...] 每张图片对应的分类标签
  print(len(data[b'labels'])) # 10000
  print(data[b'filenames']) # [b'leptodactylus_pentadactylus_s_000004.png',
b'camion_s_000148.png', ...] 每张图片对应的(文件)名称
  print(data[b'data'].shape) # (10000, 3072) 10000张照片,每张一行存
储,大小为32*32*3=3072
```

## 例如:从CIFAR-10 数据集(序列化存储)文件中读取图片数据并显示图片

```
images_batch = np.array(data[b'data'])
images = images_batch.reshape([-1, 3, 32, 32])
print(images.shape)
imgs = images[4, :, :, :].reshape([3, 32, 32]) # 第5张照片的数据
img = np.stack((imgs[0, :, :], imgs[1, :, :], imgs[2, :, :]), 2) # 取出红、绿、蓝三色对应的三个矩阵,并按第三个轴堆叠成一个三维数组
print(img.shape) # (32, 32, 3)彩色图像是三维数组,
```

plt.imshow(img) plt.axis(**'off'**) plt.show()



# 第十章 文件操作

- 10.1 打开文件
- 10.2 基本的文件方法
- 10.3 基本的目录方法
- 10.4 CSV文件读写
- 10.5 序列化与反序列化对象
- 10.6 实验
- 10.7 小结
- 10.8 习题

- 10.6.1 文件操作
- 10.6.2 目录操作
- 10.6.3 I/O函数的使用

# 第十章 文件操作

- 10.1 打开文件
- 10.2 基本的文件方法
- 10.3 基本的目录方法
- 10.4 CSV文件读写
- 10.5 序列化与反序列化对象
- 10.6 实验
- 10.7 小结
- 10.8 习题

本章系统学习了文件的读写操作、CSV文件的读写、文件的各种系统操作以及存储对象等。

保存文件时,如果遇到是列表、字典、集合,甚至是类的实例这些更加复杂的数据类型的时候,我们就变得不知所措了,也许我们会把这些数据类型转换成字符串再保存到一个文本文件里,但是我们发现把这个过程反过来,从文本文件恢复数据对象,把一个字符串恢复成列表,恢复成字典,甚至恢复成集合,类,类的实例,我们发现会是一件异常困难的事情,庆幸的是Python提供了一个功能强大的标准模块"pickle",使我们将非常复杂的数据类型(比如列表,字典等)转换为二进制文件。

注意,Python的json模块用于处理JSON文件与字典的相互转化,第七章模块中已经介绍了其使用方法。

# 第十章 文件操作

- 10.1 打开文件
- 10.2 基本的文件方法
- 10.3 基本的目录方法
- 10.4 CSV文件读写
- 10.5 序列化与反序列化对象
- 10.6 实验
- 10.7 小结
- 10.8 习题

# 习题:

- 1. 二进制文件与文本文件有什么区别?
- 2. 从给定的一段英文文本中选出以'er'结尾的单词,并将结果写入 文本文件,每个单词单独占用一行。
- 3. 写函数,函数接收四个参数分别是:姓名、性别、年龄和学历,其中性别默认为男。该函数的功能是将传入的这四项内容(逗号分割)作为一行追加到一个student.txt文件中。测试代码则支持用户持续输入,Q或者q退出,输入一个学生信息前给出提示"是否继续录入学生信息(输入Q退出):",学生的各项信息也分别提示,例如"请输入姓名:"。
- 4. 给定若干表示学生信息数据(姓名、性别、年龄和学历)的嵌 套列表, 然后写入csv文件。
- 5. 从国家海洋科学数据中心爬取到相关数据存放在文件"全球海平面观测数据文件信息.csv"内,请读取其数据到字典列表中。

# 习题:

- 6. 文本文件depth.xyz中存储了用Tab分割的3列数据,分别表示某区域的经度、纬度和水深值。尝试使用正则表达式提取其中的水深为负值的各行数据,并将其中的负号(-)去除,并将结果保存至文件depth2.xyz。
- 7. 编程实现jpg、pdf、word、txt、zip等任意文件的复制。
- 8. 编写一个梯形类,然后创建一个对象并将其序列化至磁盘文件,在另一个python程序中对其进行反序列化。
- 9. 从CIFAR-10 数据集文件中随机读取两张图片,然后将两张图片像素点按一定比例融合,最后显示这两张原图及其融合图。

# 感谢聆听

