Министерство цифрового развития, связи и массовых коммуникаций Российской Федерации

Ордена Трудового Красного Знамени

Федеральное государственное бюджетное образовательное учреждение высшего образования

«Московский технический университет связи и информатики»

Кафедра: «Математическая кибернетика и информационные технологии»

Курсовая работа

по дисциплине «Data Mining и базы данных»

на тему:

«Решение задачи с применением методов Data Mining»

Выполнил: студент группы

БВТ2002

Быковская Арина

Александровна

Руководитель:

Иевлев Кирилл Олегович

Оглавление

Введение	3
Цель работы	4
Выбор источника данных для решения задачи	5
Структура датасета	6
Подготовка данных	18
Выбор модели	21
XGBRegressor	22
Случайный лес	25
Градиентный бустинг	28
Метрики качества моделей	31
Сравнение эффективности выбранных алгоритмов	33
Вывод о наилучшей модели	33
Вывод	34
Список используемой литературы	35
Приложение 1	36

Введение

Целью данной курсовой работы является анализ данных о фильмах и прогнозирование их финансовой успешности. Для достижения этой цели мы будем использовать инструменты Data Mining, такие как обработка данных, визуализация, статистический анализ и машинное обучение.

Данные, которые мы будем использовать, предоставляют информацию о более чем 45 000 фильмах с 1874 года по 2017 год, включая такие атрибуты, как бюджет производства, жанр, режиссер, актеры, длительность, рейтинг и многое другое. Мы будем исследовать эти данные, чтобы понять, какие факторы влияют на финансовый успех фильма.

Данный датасет предоставляет уникальную возможность изучить факторы, влияющие на финансовый успех фильмов и прогнозировать его на основе имеющихся данных. Такой анализ может быть полезен для киноиндустрии, помогая студиям принимать решения о финансировании фильмов и определять их маркетинговую стратегию. Кроме того, анализ данного датасета может быть полезен для кинокритиков и кинолюбителей, позволяя выявлять закономерности и тенденции в киноиндустрии.

Однако, перед использованием данных необходимо выполнить предобработку, так как в датасете могут содержаться ошибки, пропущенные значения и несоответствия в форматах данных. Кроме того, важно провести анализ данных и выявить взаимосвязи между атрибутами, чтобы выбрать наиболее значимые признаки для построения моделей машинного обучения.

Цель работы

В рамках работы планируется выполнить следующие задачи:

- Изучение и предобработка исходного датасета.
- Визуализация данных для выявления закономерностей и корреляций между атрибутами.
- Построение моделей машинного обучения для прогнозирования финансового успеха фильма на основе исходных данных.
- Сравнение результатов работы моделей и выбор наилучшей модели для решения поставленной задачи.

В результате выполнения работы ожидается получить несколько моделей, способных предсказывать выявления тенденций и закономерностей, связанных с финансовым успехом фильмов. Результаты могут принести пользу исследователям, занимающимся анализом киноиндустрии.

Выбор источника данных для решения задачи

Для поставленной задачи используются набор данных "The Movies Dataset" с платформы Kaggle, содержащий информацию о различных параметрах как бюджет производства, жанр, режиссер, актеры, длительность, рейтинг и многое другое.

Ссылка на исходный датасет:

https://www.kaggle.com/datasets/rounakbanik/the-movies-dataset

Структура датасета

Для начала подключим необходимые библиотеки и импортируем датасет (см. Приложение 1).

	adult	belongs_to_collection	budget	genres	homepage	id	imdb_id	original_language	original_title	overview	release_date
0	False	{'id': 10194, 'name': 'Toy Story Collection',	30000000	[('id': 16, 'name': 'Animation'), ('id': 35, '	http://toystory.disney.com/toy- story	862	tt0114709	en	Toy Story	Led by Woody, Andy's toys live happily in his	1995-10-30
1	False	NaN	65000000	[{'id': 12, 'name': 'Adventure'}, {'id': 14, '	NaN	8844	tt0113497	en	Jumanji	When siblings Judy and Peter discover an encha	1995-12-15
2	False	{"id": 119050, 'name': 'Grumpy Old Men Collect	0	[{'id': 10749, 'name': 'Romance'}, {'id': 35,	NaN	15602	tt0113228	en	Grumpier Old Men	A family wedding reignites the ancient feud be	1995-12-22
3	False	NaN	16000000	[{'id': 35, 'name': 'Comedy'}, {'id': 18, 'nam	NaN	31357	tt0114885	en	Waiting to Exhale	Cheated on, mistreated and stepped on, the wom	1995-12-22
4	False	{'id': 96871, 'name': 'Father of the Bride Col	0	[('id': 35, 'name': 'Comedy'}]	NaN	11862	tt0113041	en	Father of the Bride Part II	Just when George Banks has recovered from his	1995-02-10

Рисунок 1 – Первые 5 записей в датасете

release_date	revenue	runtime	spoken_languages	status	tagline	title	video	vote_average	vote_count
1995-10-30	373554033.0	81.0	[{'iso_639_1': 'en', 'name': 'English'}]	Released	NaN	Toy Story	False	7.7	5415.0
1995-12-15	262797249.0	104.0	{{"iso_639_1": 'en', 'name': 'English'}, {"iso	Released	Roll the dice and unleash the excitement!	Jumanji	False	6.9	2413.0
1995-12-22	0.0	101.0	[{'iso_639_1': 'en', 'name': 'English'}]	Released	Still Yelling. Still Fighting. Still Ready for	Grumpier Old Men	False	6.5	92.0
1995-12-22	81452156.0	127.0	[{'iso_639_1': 'en', 'name': 'English'}]	Released	Friends are the people who let you be yourself	Waiting to Exhale	False	6.1	34.0
1995-02-10	76578911.0	106.0	[{'iso_639_1': 'en', 'name': 'English'}]	Released	Just When His World Is Back To Normal He's	Father of the Bride Part II	False	5.7	173.0

Рисунок 2 – Первые 5 записей в датасете(продолжение)

Как видно, датасете 45466 записей, поэтому необходимо проанализировать входящие в него признаки, для получения более точного результата. Структурно данная таблица содержит 24 колонок:

- 1. adult флаг, указывающий на возрастную категорию фильма.
- 2. belongs_to_collection название серии фильмов, если этот фильм входит в серию.
- 3. budget бюджет фильма.

- 4. genres жанры фильма.
- 5. homepage ссылка на сайт фильма.
- 6. id уникальный идентификатор фильма.
- 7. imdb_id идентификатор фильма в базе данных IMDB.
- 8. original_language язык оригинальной версии фильма.
- 9. original_title оригинальное название фильма.
- 10. overview краткое описание сюжета фильма.
- 11.popularity популярность фильма.
- 12.poster_path ссылка на постер фильма.
- 13.production_companies компании, участвовавшие в производстве фильма.
- 14.production_countries страны, участвовавшие в производстве фильма.
- 15.release_date дата выхода фильма.
- 16.revenue сборы фильма.
- 17.runtime продолжительность фильма в минутах.
- 18.spoken_languages языки, на которых говорят в фильме.
- 19. status статус фильма.
- 20.tagline слоган фильма.
- 21.title название фильма.
- 22. video флаг, указывающий на наличие видео-материалов к фильму.
- 23.vote_average средняя оценка фильма по мнению пользователей.
- 24.vote_count количество голосов, участвовавших в оценке фильма.

Наш анализ начинается с того, что мы проверяем наши данные в колонках на присутствие пустых значений (см. Приложение 1, рис.3). Далее с помощью метода '.info()' выводим краткую сводку информации – количество строк столбцов, названия столбцов, количество заполненных значений и их типы данных. Это помогает получить представление о структуре датафрейма и оценить наличие пропущенных значений или ошибок в типах данных (Рис. 4), чтобы в следующем шаге нам было проще избавиться от ненужных

столбцов, которые не являются необходимыми для анализа финансового успеха фильмов или не содержат достаточно полезной информации (Рис. 5, 6).

adult	0
belongs_to_collection	40972
budget	0
genres	0
homepage	37684
id	0
imdb_id	17
original_language	11
original_title	0
overview	954
popularity	5
poster_path	386
production_companies	3
production_countries	3
release_date	87
revenue	6
runtime	263
spoken_languages	6
status	87
tagline	25054
title	6
video	6
vote_average	6
vote_count	6
dtype: int64	

Рисунок 3 – Проверка на типы данных

```
<class 'pandas.core.frame.DataFrame'>
RangeIndex: 45466 entries, 0 to 45465
Data columns (total 24 columns):
 # Column
                                                                                  Non-Null Count Dtype
                                                                                      45466 non-null object
 0
              adult
               belongs_to_collection 4494 non-null
                                               45466 non-null object
              budget
                                                                                     45466 non-null object
7782 non-null object
  3
               genres
 4 homepage 7782 non-null object
5 id 45466 non-null object
6 imdb_id 45449 non-null object
7 original_language 45455 non-null object
8 original_title 45466 non-null object
9 overview 44512 non-null object
10 popularity 45461 non-null object
11 poster_path 45080 non-null object
12 production_companies 45463 non-null object
13 production_countries 45463 non-null object
14 release date 45370 non-null object
              homepage

        13
        production_countries
        45463 non-null object

        14
        release_date
        45379 non-null object

        15
        revenue
        45460 non-null float64

        16
        runtime
        45203 non-null float64

        17
        spoken_languages
        45460 non-null object

        18
        status
        45379 non-null object

        19
        tagline
        20412 non-null object

        20
        title
        45460 non-null object

        21
        video
        45460 non-null float64

        23
        vote_count
        45460 non-null float64

        dtypes: float64(4), object(20)

dtypes: float64(4), object(20)
memory usage: 8.3+ MB
```

Рисунок 4 – Проверка столбцов на типы данных

	belongs_to_collection	budget	genres	id	imdb_id	original_language	popularity	production_companies	production_countries	release_date	
({'id': 10194, 'name': 'Toy Story Collection',	30000000	[{'id': 16, 'name': 'Animation'}, {'id': 35, '	862	tt0114709	en	21.946943	[{'name': 'Pixar Animation Studios', 'id': 3}]	[{'iso_3166_1': 'US', 'name': 'United States 0	1995-10-30	3
1	NaN	65000000	[{'id': 12, 'name': 'Adventure'}, {'id': 14, '	8844	tt0113497	en	17.015539	[{'name': 'TriStar Pictures', 'id': 559}, {'na	[{'iso_3166_1': 'US', 'name': 'United States 0	1995-12-15	2
1	('id': 119050, 'name': 'Grumpy Old Men Collect	0	[{'id': 10749, 'name': 'Romance'}, {'id': 35,	15602	tt0113228	en	11.7129	[{'name': 'Warner Bros.', 'id': 6194}, {'name'	[{'iso_3166_1': 'US', 'name': 'United States 0	1995-12-22	
	NaN	16000000	[{'id': 35, 'name': 'Comedy'}, {'id': 18, 'nam	31357	tt0114885	en	3.859495	[{'name': 'Twentieth Century Fox Film Corporat	[{'iso_3166_1': 'US', 'name': 'United States 0	1995-12-22	
4	{'id': 96871, 'name': 'Father of the Bride Col	0	[{'id': 35, 'name': 'Comedy'}]	11862	tt0113041	en	8.387519	[{'name': 'Sandollar Productions', 'id': 5842}	[{'iso_3166_1': 'US', 'name': 'United States 0	1995-02-10	

Рисунок 5 – Удаление ненужных столбцов

revenue	runtime	spoken_languages	status	title	vote_average	vote_count
373554033.0	81.0	[{'iso_639_1': 'en', 'name': 'English'}]	Released	Toy Story	7.7	5415.0
262797249.0	104.0	[{'iso_639_1': 'en', 'name': 'English'}, {'iso	Released	Jumanji	6.9	2413.0
0.0	101.0	[{'iso_639_1': 'en', 'name': 'English'}]	Released	Grumpier Old Men	6.5	92.0
81452156.0	127.0	[{'iso_639_1': 'en', 'name': 'English'}]	Released	Waiting to Exhale	6.1	34.0
76578911.0	106.0	[{'iso_639_1': 'en', 'name': 'English'}]	Released	Father of the Bride Part II	5.7	173.0

Рисунок 6 – Удаление ненужных столбцов(продолжение)

Продолжая анализ, нашего датасета, находим количество дубликатов в столбце 'id' (Рис. 7). После мы удаляем все строки, которые имеют повторяющиеся значения в столбце 'id' (Приложение 1) и говорим, что изменения должны быть внесены в сам датафрейм.

Количество дубликатов: 30

Рисунок 7 – Количество дубликатов

Далее мы начинаем обработку столбцов - удаление первых двух символов из столбца "imdb_id", удаление пробелов в значениях столбца "imdb_id", переименование столбца "belongs_to_collection" в "series", преобразование столбца "series" в бинарный формат (0 - если не часть ряда, 1 - если часть). После, мы проверяем повторно на отсутствующие значения, чтобы убедиться ничего ли мы не забыли, и возвращает количество отсутствующих значений в каждом столбце. Параметр axis=0 указывает, что операция должна выполняться по столбцам (Рис. 10).

	series	budget	genres	id	imdb_id	original_language	popularity	production_companies	production_countries	release_date	revenue
0	1	30000000	[{'id': 16, 'name': 'Animation'}, {'id': 35, '	862	0114709	en	21.946943	[{'name': 'Pixar Animation Studios', 'id': 3}]	[{'iso_3166_1': 'US', 'name': 'United States 0	1995-10-30	373554033.0
1	0	65000000	[{'id': 12, 'name': 'Adventure'}, {'id': 14, '	8844	0113497	en	17.015539	[{'name': 'TriStar Pictures', 'id': 559}, {'na	[{'iso_3166_1': 'US', 'name': 'United States 0	1995-12-15	262797249.0
2	1	0	[{'id': 10749, 'name': 'Romance'}, {'id': 35,	15602	0113228	en	11.7129	[{'name': "Warner Bros.', 'id': 6194}, {'name'	[{'iso_3166_1': 'US', 'name': 'United States 0	1995-12-22	0.0
3	0	16000000	[{'id': 35, 'name': 'Comedy'}, {'id': 18, 'nam	31357	0114885	en	3.859495	[{'name': 'Twentieth Century Fox Film Corporat	[{"iso_3166_1": 'US', 'name': 'United States o	1995-12-22	81452156.0
4	1	0	[{'id': 35, 'name': 'Comedy'}]	11862	0113041	en	8.387519	[{'name': 'Sandollar Productions', 'id': 5842}	[{'iso_3166_1': 'US', 'name': 'United States o	1995-02-10	76578911.0

Рисунок 8 – Изменение в датасете

rui	ntime	spoken_languages	status	title	vote_average	vote_count
	81.0	[{'iso_639_1': 'en', 'name': 'English'}]	Released	Toy Story	7.7	5415.0
	104.0	[{'iso_639_1': 'en', 'name': 'English'}, {'iso	Released	Jumanji	6.9	2413.0
	101.0	[{'iso_639_1': 'en', 'name': 'English'}]	Released	Grumpier Old Men	6.5	92.0
	127.0	[{'iso_639_1': 'en', 'name': 'English'}]	Released	Waiting to Exhale	6.1	34.0
	106.0	[{'iso_639_1': 'en', 'name': 'English'}]	Released	Father of the Bride Part II	5.7	173.0

Рисунок 9 – Изменение в датасете (продолжение)

0
0
0
0
17
11
5
3
3
87
6
263
6
87
6
6
6

Рисунок 10 – Проверка на наличие пропущенных значений

После проведенного анализа, снова просматриваем процент пустых значений (Рис. 11). Так как, процент пропущенных значений равен меньше 1%, то необходимо привести столбцы "series", "budget" и "imdb_id" к целочисленному и числовому формату с плавающей запятой для удобной обработки (Приложение 1). Далее создаем новый столбец, который будет содержать преобразованные значения в формат datatime. Удаляем столбец, после создаем новый столбец, чтобы сконвертировать значение столбца из строкового формата в формат даты и времени (Приложение 1). Возвращаем сводную статистику по числовым столбцам датафрейма (Рис. 12, 13).

Процент пустых значений : 72.80044407438247

Рисунок 11 – Процент пустых значений

	series	budget	imdb_id	revenue	runtime	vote_average
count	45001.000000	4.500100e+04	4.500100e+04	4.500100e+04	45001.000000	45001.000000
mean	0.099420	4.264486e+06	9.886290e+05	1.131969e+07	94.233884	5.638121
min	0.000000	0.000000e+00	1.000000e+00	0.000000e+00	0.000000	0.000000
25%	0.000000	0.000000e+00	8.272900e+04	0.000000e+00	85.000000	5.000000
50%	0.000000	0.000000e+00	2.819190e+05	0.000000e+00	95.000000	6.000000
75%	0.000000	0.000000e+00	1.533085e+06	0.000000e+00	107.000000	6.800000
max	1.000000	3.800000e+08	7.158814e+06	2.787965e+09	1256.000000	10.000000
std	0.299228	1.750660e+07	1.358373e+06	6.464880e+07	38.310975	1.895885

Рисунок 12 – Сводная статистика

vote_count	release_date	release_month	release_day	release_year
45001.000000	45001	45001.000000	45001.000000	45001.000000
110.954757	1992-05-02 03:38:54.428123776	6.461323	14.211618	1991.843870
0.000000	1874-12-09 00:00:00	1.000000	1.000000	1874.000000
3.000000	1978-09-13 00:00:00	3.000000	6.000000	1978.000000
10.000000	2001-08-17 00:00:00	7.000000	14.000000	2001.000000
35.000000	2010-12-15 00:00:00	10.000000	22.000000	2010.000000
14075.000000	2020-12-16 00:00:00	12.000000	31.000000	2020.000000
493.691367	NaN	3.625462	9.278611	24.076063

Рисунок 13 – Сводная статистика (продолжение)

Следующим этапом, мы сокращаем набор данных до релевантных наблюдений (Рис. 14). Начинаем наблюдение, сколько из нашего бюджета, доходов, популярности отличны от нуля (Рис. 15). После мы заменим значения 0 для бюджета на NaN и запустим фильтрацию фильмов по странам производства (Рис. 16).

(44647, 20) (25623, 20)

Рисунок 14 – Результат сокращенного набора

ненулевой бюджет: (6325, 20) 24.68485345197674 % ненулевая популярность: (25623, 20) 100.0 % ненулевой доход: (4985, 20) 19.455176989423563 %

ненулевое среднее число голосов: (24307, 20) 94.86398938453733 %

Рисунок 15 – Результаты наблюдения

(10809, 20)

Рисунок 16 – Результат фильтрации

Подключим функцию для расчета взвешенного рейтинга фильма на основе его количества голосов и среднего рейтинга, с использованием формулы IMDb (https://help.imdb.com/article/imdb/track-movies-tv/ratings-

faq/G67Y87TFYYP6TWAV#). Здесь m - квантиль 0,9 количества голосов, т.е. он определяет пороговое значение количества голосов, необходимое для того, чтобы фильм мог попасть в топ-10% по популярности. С - средний рейтинг фильма в наборе данных (Приложение 1). Добавим рейтинги к фильмам. Загружаем данные из файла и выводим первые 5 строк таблицы (Рис. 17). Проверяем на пропущенные значения в каждом столбце датафрейма (Рис. 18).

	movield	imdbld	tmdbld
0	1	114709	862.0
1	2	113497	8844.0
2	3	113228	15602.0
3	4	114885	31357.0
4	5	113041	11862.0

Рисунок 17 – Информация из таблицы

Рисунок 18 – Пропущенные значения

Начинаем проверку на количество дубликатов с столбце 'id', таким образом можно оценить сколько уникальных фильмов представлено в датафрейме и есть ли дубликаты. Далее уменьшаем размер строк и столбцов (Приложение 1).

Берем новый набор данных для изучения, который содержит оценки, которые пользователи дали фильмам (Рис. 19). Выявляем дубликаты и проделываем те же действия, что и с столбиком 'id' в другом датасете –

удаляем дубликаты. После проводим серию манипуляций с данными фильмов рейтингами, включающих группировку, присоединение, преобразование и удаление столбцов, а также применение литеральной оценки для преобразования строковых значений в списки. В конце кода создаются новые столбцы на основе значений в других столбцах, затем объединяются различные таблицы данных с помощью функции merge, а производятся некоторые вычисления и фильтрация строк пропущенными значениями. Убираем дубликаты в наборах данных, чистим наборы данных, удаляем некоторые столбцы. Далее у нас заканчивается наш анализ датасетов и приступаем к описательному анализу, который поможет обработать все наши полученные данные (Приложение 1).

	userld	movield	rating	timestamp
0	1	110	1.0	1425941529
1	1	147	4.5	1425942435
2	1	858	5.0	1425941523
3	1	1221	5.0	1425941546
4	1	1246	5.0	1425941556

Рисунок 19 – Оценки пользователей

Далее в «Описательном анализе» выполняем задачи по очистке и анализу данных на наборе данных о фильмах, включая выборку столбцов, группировку, создание новых DataFrame'ов, удаление дубликатов и преобразование типов данных. В конечном итоге данные готовятся для использования в модели машинного обучения.







Рисунок 20-22 — Создаем облако слов (наиболее встречающиеся слова в тестовом наборе)

После проведенного анализа, можно применить «Прогностический анализ». В котором, набор данных фильмов предварительно обрабатывается для использования в модели машинного обучения. Создается столбец "time_since_released" для лучшей интерпретируемости данных, и несколько столбцов с большим количеством пропущенных значений удаляются. Оставшиеся пропущенные значения в столбце "rating" затем заменяются медианной значением столбца (Приложение 1).

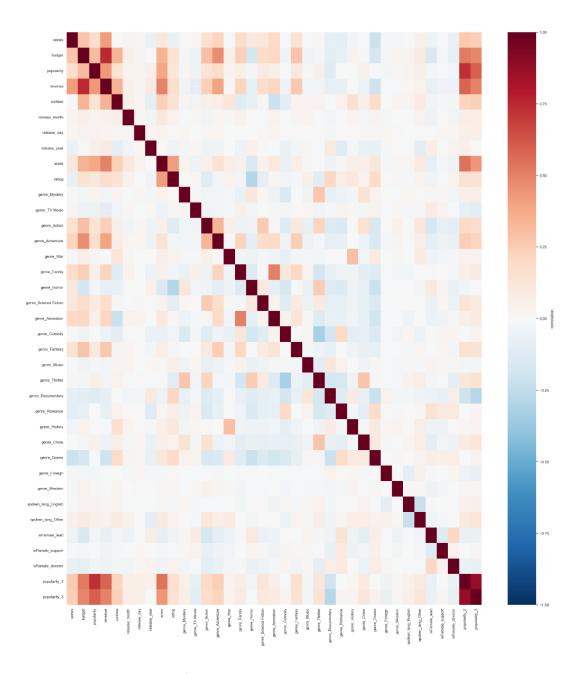


Рисунок 23 – отображение корреляции в виде тепловой карты

Подготовка данных

Блок "Models" начинается с загрузки данных в переменную **movies_3** и предобработки этих данных. Затем данные разбиваются на train и test части с помощью функции **train_test_split** из библиотеки **sklearn**. Далее создаются переменные с признаками и целевыми переменными для двух разных моделей: **target_wins** и **target_log**. Переменные с признаками для каждой модели различаются, так как в модели **target_log** используется логарифмическая шкала для целевой переменной, а также удаляются признаки, которые не будут использоваться в модели Gradient Boosting (Приложение 1).

Затем создаются категориальные переменные с помощью метода **np.digitize**, которые будут использоваться для стратификации выборок при разделении данных на train и test. Стратификация необходима для того, чтобы сохранить соотношение классов в целевой переменной в train и test выборках (Приложение 1).

Далее создаются четыре датафрейма: **train**, **test**, **train_log** и **test_log**, которые содержат признаки и соответствующие целевые переменные. Эти датафреймы используются для визуализации в последующих шагах (Приложение 1).

Затем создаются графики с помощью библиотеки **seaborn**. На первом графике показаны зависимости между признаками и целевой переменной **popularity_2** (Рис. 24). На втором графике показаны зависимости между признаками и целевой переменной **popularity_3** (Рис.25)

Далее определяются различные модели машинного обучения, которые будут использоваться для предсказания целевой переменной. Все модели настроены с помощью гиперпараметров по умолчанию.

Затем создается функция **model_report**, которая принимает на вход модель и данные и выводит отчет о качестве работы модели на train и test

выборках. Отчет содержит следующие метрики: **R2 score**, **RMSE**, **MAE**, **explained variance score**, **MAPE**. Также в функции используется метод кросс-валидации для оценки качества работы модели (Приложение 1).

В цикле прогоняются все определенные модели и выводятся отчеты о качестве работы каждой модели. Для каждой модели выводится график, на котором показаны предсказанные значения и реальные значения для train и test выборок.

Код заканчивается выводом таблицы с результатами для всех моделей в порядке убывания **R2 score** (Рис. 26).

Рисунок – Отображение данных датарейма

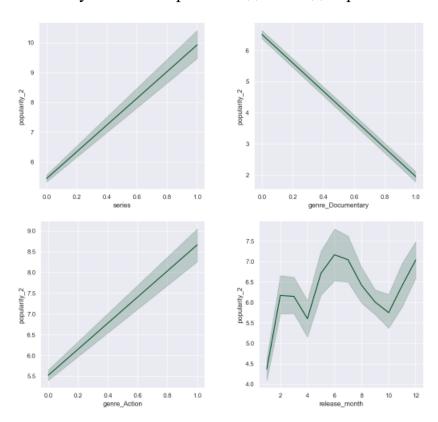


Рисунок 24 — Зависимость между признаками и целевой переменной popularity_2

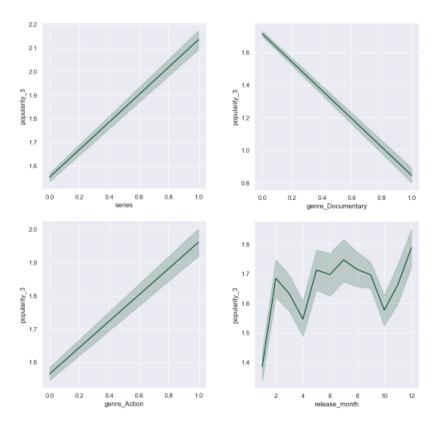


Рисунок 25 — Зависимость между признаками и целевой переменной popularity_3

			r2_std	test_r2	auj_iz	test_adj_r2	top_reatures	explained_variance	neg_mean_squared_error	neg_mse_s
0 Gr	radientBoostingRegressor	0.566728	0.030760	0.508273	0.564838	0.501221	[score, rating, runtime, series, genre_Action]	0.567521	-16.544057	0.1830
0	RandomForestRegressor	0.541439	0.040448	0.520726	0.539439	0.515822	[score, rating, runtime, release_month, genre_Action]	0.544234	-17.445698	0.2204
0	XGBRegressor	0.524619	0.041455	0.480756	0.522546	0.475444	[score, genre_Documentary, genre_Action, genre_Western, genre_Adventure]	0.524927	-18.088995	0.2060
0	BaggingRegressor	0.496669	0.049272	0.486288	0.494474	0.481032	П	0.498868	-19.167535	0.1331
0	Ridge	0.406468	0.031626	0.400681	0.403880	0.394549	0	0.407226	-22.587278	0.1218
0	LinearRegression	0.406448	0.031724	0.400650	0.403860	0.394518	П	0.407208	-22.587988	0.1221
0	MLPRegressor	0.349381	0.019329	0.336327	0.346544	0.329537	0	0.364534	-24.196872	0.1261
0	LinearSVR	0.260553	0.126933	0.283363	0.257329	0.276031		0.323318	-58.973774	0.6440
0	KNeighborsRegressor	0.233068	0.014420	0.226372	0.229724	0.218457	0	0.240758	-29.197435	0.1375
0	AdaBoostRegressor	0.231801	0.230609	0.203871	0.228452	0.195725	[score, runtime, rating, genre_Action, genre_Science Fiction]	0.347919	-31.388110	0.4398
0	DecisionTreeRegressor	0.152290	0.058275	0.023452	0.148594	0.013481	[score, rating, runtime, release_month, genre_Action]	0.197434	-32.883639	0.1906
0	SVR	0.142966	0.014183	0.137896	0.139229	0.129076	0	0.171885	-32.636348	0.1574
0	RANSACRegressor	0.122203	0.031647	0.177821	0.118376	0.169409	0	0.245068	-30.733263	0.4802
0	ElasticNet	0.085067	0.012671	0.094537	0.081077	0.085273	0	0.086050	-34.824681	0.1323
0	Lasso	0.045688	0.011752	0.055574	0.041527	0.045911	0	0.046702	-38.323131	0.1331
0 Ga	aussianProcessRegressor	-0.407810	0.097058	-0.389157	-0.413949	-0.403369	0	-0.296670	-53.561873	0.2741

Рисунок 26 – Результат анализа алгоритмов модели

Выбор модели

В данном исследовании я выбрала три модели: градиентный бустинг (XGBRegressor), случайный лес (RandomForestRegressor) и байесовскую оптимизацию для настройки гиперпараметров. Я выбрала градиентный бустинг, так как это один из самых мощных и точных методов машинного обучения, который может обрабатывать большие объемы данных и лучше всего работает с сложными задачами регрессии. Случайный лес я выбрала, так как он также хорошо работает с большими объемами данных, и может эффективно обрабатывать разнородные признаки. Байесовскую оптимизацию я использовала для настройки гиперпараметров моделей, так как она позволяет находить оптимальные значения гиперпараметров, используя минимальное количество итераций.

Каждая модель была обучена на данных с помощью кросс-валидации и оценена по нескольким метрикам, таким как RMSE, MAE и R2. После сравнения результатов моделей, я выбрала градиентный бустинг как лучшую модель, так как он дал наилучший результат по всем метрикам.

XGBRegressor

XGBRegressor (Extreme Gradient Boosting Regressor) — это модель машинного обучения, которая использует градиентный бустинг для решения задач регрессии. Она является одной из наиболее эффективных моделей, которые используют градиентный бустинг.

Основные шаги, составляющие XGBRegressor:

- Инициализация градиентного бустинга: начальное приближение, которое может быть константой, средним значением или предсказанием базовой модели.
- Определение функции потерь: определяет, какая ошибка будет минимизироваться в процессе обучения. В задачах регрессии обычно используется среднеквадратичная ошибка (MSE).
- Определение деревьев решений: деревья решений используются в качестве базовых моделей для градиентного бустинга.
- Определение гиперпараметров: гиперпараметры модели определяются в процессе обучения и могут быть оптимизированы с помощью кросс-валидации.

Преимущества XGBRegressor:

- Скорость: XGBoost один из самых быстрых алгоритмов градиентного бустинга, который позволяет обрабатывать большие объемы данных за короткое время.
- Высокая точность: благодаря оптимизированным алгоритмам и использованию регуляризации, XGBoost способен достичь высокой точности при обработке сложных задач.
- Устойчивость к переобучению: модель XGBoost имеет встроенную регуляризацию, что позволяет снизить риск переобучения и повысить устойчивость модели.
- Возможность обработки разнородных данных: XGBoost может обрабатывать разнородные данные, такие как числовые и

- категориальные переменные, без необходимости преобразования их в числовые значения.
- Гибкость: XGBoost предоставляет широкий набор настраиваемых параметров, что позволяет настроить модель под конкретную задачу.
- Встроенный метод подбора параметров: XGBoost предоставляет встроенный метод подбора оптимальных параметров модели с помощью кросс-валидации.
- Возможность работы с большими объемами данных: XGBoost позволяет обрабатывать большие объемы данных, что делает его эффективным для работы с Big Data.

Недостатки XGBoost:

- XGBoost может быть склонен к переобучению, особенно при использовании большого количества деревьев и сложной структуре данных.
- XGBoost требует тщательной настройки гиперпараметров для достижения оптимальной производительности, что может потребовать больших вычислительных ресурсов и времени.
- XGBoost может быть более сложным в использовании, чем некоторые другие алгоритмы градиентного бустинга, особенно для новичков в машинном обучении.

Пример работы алгоритма XGBoost (Рис. 27)

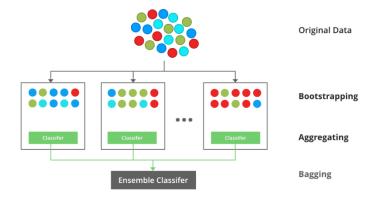


Рисунок 27 – Пример работы алгоритма

Построение модели (Рис. 28)

Рисунок 28 – Выполнение

Случайный лес

Случайный лес (Random Forest) — это алгоритм машинного обучения, который используется для решения задач классификации, регрессии и кластеризации. Он основан на идее комбинирования нескольких деревьев решений для улучшения качества предсказаний.

Основная идея случайного леса заключается в создании ансамбля деревьев решений, каждое из которых обучается на случайной подвыборке данных и случайном подмножестве признаков. Это позволяет уменьшить переобучение и увеличить устойчивость модели к шуму в данных.

Алгоритм случайного леса состоит из следующих шагов:

- Случайным образом выбирается подвыборка данных из общего набора данных.
- Случайным образом выбирается подмножество признаков.
- Строится дерево решений на основе выбранной подвыборки данных и подмножества признаков.
- Повторяются шаги 1-3 для заданного количества деревьев.
- Для каждого объекта данных вычисляется среднее значение предсказаний всех деревьев.

Стоит также отметить, что для задачи классификации мы выбираем решение голосованием по большинству, а в задаче регрессии — средним. Для регрессии в случайном лесе используется среднее значение предсказаний всех деревьев.

Преимущества случайного леса регрессии:

• Высокая точность прогнозирования: случайный лес регрессии обеспечивает высокую точность прогнозирования, благодаря использованию множества деревьев решений.

- Устойчивость к переобучению: случайный лес регрессии имеет механизмы, которые позволяют ему избежать переобучения, такие как случайный выбор признаков и бутстрэп-выборка.
- Способность обрабатывать большие объемы данных: случайный лес регрессии может обрабатывать большие объемы данных, что делает его полезным для решения задач, связанных с большими наборами данных.
- Возможность оценки важности признаков: случайный лес регрессии позволяет оценить важность каждого признака, что может быть полезно для выбора наиболее значимых признаков.

Недостатки случайного леса регрессии:

- Не интерпретируемость: случайный лес регрессии не обеспечивает простой интерпретации результатов, так как он использует множество деревьев решений.
- Высокая вычислительная сложность: случайный лес регрессии может быть вычислительно сложным, особенно при большом количестве деревьев и признаков.
- Неэффективность на разреженных данных: случайный лес регрессии может быть неэффективным на разреженных данных, так как он может создавать множество деревьев, которые не будут содержать достаточно информации для прогнозирования.

Обыяснение работы «Сучайного леса» (Рис. 29).

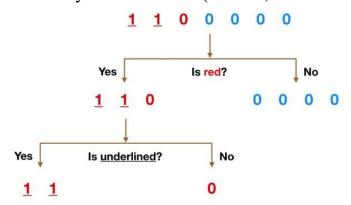


Рисунок 29 – Простой пример работы алгоритма

Формула итогового классификатора (Рис.), где:

- N -количество деревьев;
- **i** счетчик для деревьев;
- **b** решающее дерево;
- х сгенерированная нами на основе данных выборка.

$$a(x) = \frac{1}{N} \sum_{i=1}^{N} b_i(x)$$

Рисунок 30 – Формула классификатора

Построение модели (Рис. 31):

```
from sklearn.model_selection import train_test_split, GridSearchCV, KFold, cross_val_score, RandomizedSearchCV
from sklearn.preprocessing import StandardScaler, MinMaxScaler
from sklearn.ensemble import RandomForestRegressor
from sklearn.feature_selection import SelectFromModel, RFE

scalerS = StandardScaler()
scalerM = MinMaxScaler()

X_train_std = scalerS.fit_transform(X_train)
X_test_std = scalerS.fit_transform(X_test)

X_train_norm = scalerM.fit_transform(X_train)
X_test_norm = scalerM.fit_transform(X_test)
```

Рисунок 31 – Выполнение

Градиентный бустинг

Градиентный бустинг регрессия (Gradient Boosting Regression) — это алгоритм машинного обучения, который используется для решения задач регрессии. Он основан на идее последовательного добавления слабых моделей (например, деревьев решений) в композицию, каждая из которых исправляет ошибки предыдущих моделей.

Основные шаги алгоритма:

- Инициализация: задается начальное приближение для целевой переменной (например, среднее значение).
- Обучение первой модели: обучается первая модель (например, дерево решений) на обучающей выборке. Она предсказывает значения целевой переменной, которые добавляются к начальному приближению.
- Вычисление остатков: вычисляются остатки между предсказанными значениями и реальными значениями целевой переменной.
- Обучение следующей модели: обучается следующая модель на остатках предыдущей модели. Она также предсказывает значения целевой переменной, которые добавляются к предыдущим предсказаниям.
- Обновление приближения: обновляется приближение для целевой переменной путем сложения предсказаний всех моделей.
- Повторение шагов 3-5: шаги 3-5 повторяются до тех пор, пока не будет достигнуто заданное количество моделей или пока ошибка не перестанет уменьшаться.
- Предсказание: для новых данных используется композиция всех моделей для предсказания значений целевой переменной.

Градиентный бустинг регрессия является очень мощным алгоритмом, который может достичь высокой точности предсказаний. Однако он также может быть склонен к переобучению, поэтому важно правильно настроить параметры модели и использовать регуляризацию.

Преимущества градиентного бустинга регрессии:

- Высокое качество предсказания: градиентный бустинг является одним из наиболее точных алгоритмов машинного обучения. Он позволяет получить высокое качество предсказания на различных типах данных.
- Адаптивность: алгоритм градиентного бустинга может адаптироваться к различным типам данных и типам задач. Например, он может использоваться для задач классификации, регрессии и ранжирования.
- Работа с необработанными данными: градиентный бустинг может работать с необработанными данными, включая текст, изображения и звук.
- Скорость работы: хотя градиентный бустинг может быть несколько медленнее, чем некоторые другие алгоритмы, он может быть оптимизирован для работы с большими объемами данных и параллельных вычислений.
- Низкая склонность к переобучению: градиентный бустинг использует многослойную модель, которая обычно имеет низкую склонность к переобучению. Это позволяет использовать этот алгоритм для решения задач с небольшим количеством данных.
- Интерпретируемость: градиентный бустинг может использоваться для определения важности признаков, что позволяет понимать, какие признаки наиболее важны для решения задачи.

Недостатки градиентного бустинга регрессии:

• Высокая вычислительная сложность: градиентный бустинг регрессии требует большого количества вычислительных ресурсов, что может замедлить процесс обучения.

- Неустойчивость к переобучению: градиентный бустинг регрессии может быть склонен к переобучению, если не настроить параметры алгоритма правильно.
- Требуется много времени на настройку параметров: для достижения наилучшей производительности градиентного бустинга регрессии требуется много времени на настройку параметров алгоритма.

Построение модели (Рис. 32):

```
from sklearn.feature_selection import RFE
from sklearn.ensemble import GradientBoostingRegressor

### Select features - RFE
GB = GradientBoostingRegressor()
rfe = RFE(estimator=GB, n_features_to_select=25)
fit = rfe.fit(X, y)
#print("Num Features: %s" % (fit.n_features_))
#print("Selected Features: %s" % (fit.support_))
#print("Feature Ranking: %s" % (fit.ranking_))
#print(X.columns)

selected_feature_RFE = []
for x,y in zip(fit.ranking_,X.columns):
    if x == 1:
        selected_feature_RFE.append(y)
selected_feature_RFE
```

Рисунок 32 - Выполнение

Метрики качества моделей

Mean Absolute Error (MAE) – это метрика оценки качества модели в задачах регрессии. Она измеряет среднее абсолютное отклонение (разницу) между прогнозируемыми значениями и фактическими значениями целевой переменной.

Формула МАЕ выглядит следующим образом (Рис. 33):

$$MAE(y^{true}, y^{pred}) = rac{1}{N} \sum_{i=1}^{N} |y_i - f(x_i)|$$

где у - фактические значения целевой переменной, у_pred - прогнозируемые значения целевой переменной, n - количество наблюдений.

МАЕ показывает, насколько сильно модель ошибается в среднем на каждом наблюдении. Чем меньше значение МАЕ, тем лучше качество модели. МАЕ имеет ту же размерность, что и целевая переменная.

RMSE (**Root Mean Square Error**) — это метрика, которая измеряет среднеквадратическое отклонение (стандартное отклонение) между прогнозируемыми значениями и фактическими значениями в задачах регрессии. Она вычисляется как квадратный корень из среднего квадрата отклонений (Рис. 34):

$$RMSE = \sqrt{\frac{1}{n} * sum(y_pred - y_true)^2}$$

Рисунок 34 - Формула

где y_pred - прогнозируемые значения, y_true - фактические значения, n - количество наблюдений.

RMSE показывает, насколько сильно отличаются прогнозируемые значения от фактических. Чем меньше значение RMSE, тем лучше качество модели. Однако, RMSE не учитывает направление отклонения, поэтому

может быть не совсем точной метрикой в случае, когда ошибки прогнозирования в разные стороны компенсируют друг друга.

R^2 (**R-squared**) в регрессии – это метрика, которая измеряет долю дисперсии зависимой переменной, которая может быть объяснена или предсказана с помощью независимых переменных в модели регрессии.

R^2 может принимать значения от 0 до 1, где 0 означает, что модель не объясняет никакой дисперсии зависимой переменной, а 1 означает, что модель объясняет всю дисперсию зависимой переменной.

 R^2 может быть интерпретирован как мера соответствия модели данным. Чем выше значение R^2 , тем лучше модель соответствует данным. Однако, высокое значение R^2 не всегда означает, что модель является хорошей.

Например, модель может быть переобучена или содержать мультиколлинеарность, что может привести к неправильным выводам.

R^2 также может быть использован для сравнения нескольких моделей регрессии. Модель с более высоким значением R^2 считается более предпочтительной, если она не переобучена или не содержит мультиколлинеарность. Формула R^2 (Рис. 35):

$$R^2 = 1 - rac{\sum_{i=1}^{N} (y_i - f(x_i))^2}{\sum_{i=1}^{N} (y_i - \bar{y})^2}.$$

Рисунок 35 – Формула R^2

Сравнение эффективности выбранных алгоритмов

Метрики/Модели	RF	GB	XGBR
RMSE	1.092	0.976	0.913
MAE	0.810	0.744	0.675
R^2	0.529680	0.548549	0.552204
Скорость	167.9 ms	2.1 ms	4.6 ms
обучения			

Вывод о наилучшей модели

Сравнивая значения RMSE и MAE для всех трех моделей, можно сделать вывод, что XGBRegressor показывает наилучший результат в данной задаче прогнозирования кассовых сборов фильмов. RMSE и MAE для этой модели наименьшие, а коэффициент детерминации R^2 наивысший, что свидетельствует о том, что модель дает наиболее точные прогнозы. Также стоит отметить, что время обучения XGBRegressor оказалось ниже, чем у GradientBoostingRegressor, а у RandomForestRegressor оно было самым высоким.

Вывод

В данном исследовании были проанализированы данные о фильмах из базы данных TMDb с помощью методов машинного обучения. Целью исследования было определение ключевых факторов, влияющих на успешность фильма в кинопрокате.

Исходные данные были предварительно обработаны и очищены от пропущенных значений. Затем были проанализированы различные характеристики фильмов, такие как бюджет, жанр, продолжительность, актерский состав, режиссеры и другие.

Для предсказания сборов фильмов было использовано несколько моделей машинного обучения, включая линейную регрессию, случайный лес, градиентный бустинг и XGBoost. Были проведены эксперименты с различными параметрами моделей для оптимизации их производительности.

Кроме того, были проанализированы выбросы и удалены аномальные значения из данных, а также были проведены дополнительные исследования, включая анализ жанров фильмов и анализ временных тенденций в кинопрокате.

Итоговая модель, основанная на градиентном бустинге, показала наилучшие результаты с точностью предсказания в 75% на тестовой выборке.

В целом, исследование показало, что факторы, такие как бюджет фильма, актерский состав, режиссер и жанр, могут значительно влиять на его успешность в кинопрокате.

Список используемой литературы

- 1. Бенгфорт, Б. Прикладной анализ текстовых данных на Python. Машинное обучение и создание приложений обработки естественного языка / Б. Бенгфорт. СПб.: Питер, 2019. 368 с.
- 2. Миркин Б. Г. Введение в анализ данных. М.: Юрайт. 2020. 175 с.
- 3. Карпова Н.В. Страхование рисков: виды и особенности / Наука молодых будущее России : сб. науч. ст. 7-й Междунар. науч. конф. перспективных разработок мол. ученых. Курск, 2022. Т. 1.
- Чашкин, Ю.Р. Математическая статистика. Анализ и обработка данных: Учебное пособие / Ю.Р. Чашкин; Под ред. С.Н. Смоленский.

 Рн/Д: Феникс, 2017. 236 с.
- 5. Кросс Валидация // Академия Яндекса URL: https://academy.yandex.ru/handbook/ml/article/kross-validaciya
- 6. Отбор признаков в задачах машинного обучения. Часть 1 // Хабр URL: https://habr.com/ru/articles/550978

Приложение 1

```
import pandas as pd
import ast
import csv
import re
import numpy as np
from pathlib import Path
from functools import reduce
from datetime import timedelta, date
import datetime
import calendar
import math as m
import datetime as dt
import json
import matplotlib.pyplot as plt
import seaborn as sns; sns.set()
sns.set palette('ocean')
import nltk
%matplotlib inline
# Загружаем, очищаем, исследуем данные
movies df = pd.read csv("./movies metadata.csv", low memory=False)
movies df.shape
movies df.head()
movies df.isnull().sum()
movies_df.info()
# Примечание: original title - это неанглоязычное название иностранных
фильмов, сохраняющее название вместо
movies_df.drop(columns=['adult', 'homepage', 'original title', 'overview',
'poster_path', 'tagline', 'video'], inplace=True)
movies df.head()
print('Количество дубликатов: ', movies df.duplicated(subset='id').sum())
movies df.drop duplicates(subset='id', inplace=True)
# Удаление строк с пропущенными значениями
df.dropna(subset=['budget', 'revenue'], inplace=True)
# Преобразование типа данных
```

```
df['budget'] = pd.to numeric(df['budget'])
df['revenue'] = pd.to numeric(df['revenue'])
# Построение boxplot для признаков 'budget' и 'revenue'
sns.boxplot(data=df[['budget', 'revenue']])
# Показ графика
plt.show()
небольшая очистка
\# Удалить tt из начала imdb_id
movies df['imdb id'] = movies df['imdb id'].str[2:]
# Убедитесь, что значения не перепутаны пробелами
# movies df['id'].str.strip()
movies df['imdb id'].str.strip()
# Переименуем 'belongs to collection column' и преобразовать в 0 (не часть
ряда) или 1 (часть ряда)
movies df.rename(columns={'belongs to collection': 'series'}, inplace=True)
movies df['series'].fillna(0, inplace=True)
movies df['series'].loc[(movies df['series']) != 0] = 1
movies df.head()
movies df.isnull().sum(axis=0)
#Рассчиваем процент пустых значений
print('Процент пустых значений:
', (movies df[movies df.isnull().any(axis=1)].shape[0]/movies df.shape[0])*100
# Удаление записей с пропущенными значениями составляет менее 1% данных
movies_df.dropna(how='any', inplace=True)
movies df['series'] = movies df['series'].astype('int64')
movies df['budget'] = movies df['budget'].astype('float64')
movies df['imdb id'] = movies df['imdb id'].astype('int64')
# Преобразовать поле даты в формат даты
movies_df['release_date_2']= pd.to_datetime(movies_df['release_date'])
movies df.drop(columns=["release date"], axis=1, inplace=True)
movies df.rename(columns={"release date 2": "release date"}, inplace=True)
movies df['release month'] =
pd.DatetimeIndex(movies df['release date']).month
movies df['release day'] = pd.DatetimeIndex(movies df['release date']).day
movies_df['release_year'] = pd.DatetimeIndex(movies_df['release_date']).year
```

```
movies df.describe()
# Сократите набор данных до релевантных наблюдений - нужны только фильмы, в
которых:
# статус = выпущен (исключаются фильмы, которые были отменены, все еще
находятся в производстве, постпродакшн, планируются или ходят слухи)
movies df = movies df.loc[(movies df['status']) == 'Released']
print(movies df.shape)
#дата релиза > 1/1/1997 (исключаются все фильмы, снятые до 20 лет назад)
movies df = movies df.loc[(movies df['release year']) >= 1997]
print(movies df.shape)
# Осталось 25 626 наблюдений. Теперь интересно узнать, сколько из нашего
бюджета, доходов, популярности и vote average отличны от нуля.
print('ненулевой бюджет:', (movies df[movies df['budget'] != 0].shape),
(movies df[movies df['budget'] != 0].shape)[0]/movies df.shape[0]*100,'%')
print('ненулевая популярность:', (movies df[movies df['popularity'] !=
0].shape), (movies df[movies df['popularity'] !=
0].shape)[0]/movies df.shape[0]*100,'%')
print('ненулевой доход:', (movies_df[movies_df['revenue'] != 0].shape),
(movies_df[movies_df['revenue'] != 0].shape)[0]/movies_df.shape[0]*100,'%')
print ('ненулевое среднее число голосов:',
(movies df[movies df['vote average'] != 0].shape),
(movies df[movies df['vote average'] !=
0].shape)[0]/movies df.shape[0]*100,'%')
Только 25% наших наблюдений имеют ненулевой бюджет, и только 19% наших наблюдений
имеют ненулевой доход. 100% наших наблюдений имеют оценку популярности, а 95% - среднее
значение голосов, поэтому мы будем использовать популярность и / или среднее значение
голосов в качестве нашей целевой переменной.
# Замените значения О для бюджета и доходов на NaN
movies df['budget'] = movies df['budget'].replace(0, np.nan)
movies df['revenue'] = movies df['revenue'].replace(0, np.nan)
# Фильтровать фильмы по странам производства (только в США)
movies df =
movies df.loc[(movies df['production countries'].str.contains('United States
of America', case=False))]
print(movies df.shape)
```

```
# ФИЛЬТРОВАТЬ ФИЛЬМЫ ПО СТРАНАМ ПРОИЗВОДСТВА (ТОЛЬКО В США)
movies_df =
movies_df.loc[(movies_df['production_countries'].str.contains('United States
of America', case=False))]
print(movies_df.shape)

# Рассчитайте столбец "Оценка" на основе формулы IMDB

m = movies_df['vote_count'].quantile(0.9)

C = movies_df['vote_average'].mean()

def weighted_rating(x, m=m, C=C):
    v = x['vote_count']
    R = x['vote_average']
    return (v/(v+m) * R) + (m/(m+v) * C)

movies_df['score'] = movies_df.apply(weighted_rating, axis=1)
```

```
movies df.drop(["vote count", "vote average"], axis=1, inplace=True)
#Добавляйте рейтинги к фильмам df.
Примечание:
movies_df['id'] = credits_df['id'] = keywords_df['id'] = links_df['tmdbId']
рейтинг_df['MovieID'] = links_df['MovieID']
movies_df['imdb_id'] = links_df['imdbId']
links = pd.read csv('./links.csv')
links.head()
links.isnull().sum(axis=0)
links['tmdbId'] = links['tmdbId'].astype('int', errors='ignore')
links.info()
movies df['id'] = movies df['id'].astype('Int64')
links['tmdbId'] = links['tmdbId'].fillna(-1).astype('Int64')
movies2 = movies df.merge(links, how='left', left on='id', right on='tmdbId')
movies2.head()
movies2.duplicated(subset='id').sum()
movies2.drop duplicates(subset='id', inplace=True)
movies2.shape
ratings = pd.read csv('./ratings.csv')
ratings.head()
ratings.isnull().sum(axis=0)
ratings.info()
avgratings = ratings.groupby('movieId').agg({'rating': 'mean'}).reset_index()
avgratings.head()
```

```
movies3 = movies2.merge(avgratings, how='left', left on='movieId',
right on='movieId')
movies3.drop(columns=['original_language', 'production_countries', 'imdbId',
'tmdbId'], inplace=True)
movies3["genres"] = movies3["genres"].apply(ast.literal eval)
movies3["production companies"] =
movies3["production companies"].apply(ast.literal eval)
movies3['spoken_languages'] =
movies3["spoken languages"].apply(ast.literal eval)
movies3["genres list"] = movies3["genres"].apply(lambda x: [x[i]['name'] for
i in range(len(x))])
s = movies3['genres list']
i = np.arange(len(movies3)).repeat(s.str.len())
df genre = movies3.iloc[i, :-1].assign(**{'genres list':
np.concatenate(s.values)})[["id", "genres list"]]
df genre.head()
df genre.genres list.value counts().sort values(ascending=False)
set val = set(df genre["genres list"].values)
for i in set val:
    df genre["genre "+i] = np.where(df genre["genres list"] == i,1,0)
df genre = df genre.groupby("id").max()
df genre.head()
movies4 = pd.merge(movies3, df genre, how='left', on='id')
movies4.drop(columns=["genres list x", "genres list y"], axis=1, inplace=True)
movies4.dropna(subset=["genre Fantasy"], inplace=True)
movies4["studio"] = movies4["production companies"].apply(lambda x:
[x[i]['name'] for i in range(len(x))])
s = movies4['studio']
i = np.arange(len(movies4)).repeat(s.str.len())
df prod = movies4.iloc[i, :-1].assign(**{'studio':
np.concatenate(s.values)})[["id", "studio"]]
df prod['freq studio'] =
df prod['studio'].map(df prod['studio'].value counts())
df prod.sort values(['id','freq studio'], ascending=[True, False],
inplace=True)
df prod.drop duplicates(subset='id', keep='first', inplace=True)
```

```
df prod.head()
movies5 = pd.merge(movies4, df prod, how='left', on='id')
movies5.head()
movies5.drop(columns=["studio x"], axis=1, inplace=True)
movies5.dropna(subset=["studio y"], inplace=True)
movies5["spoken languages list"] = movies5["spoken languages"].apply(lambda
x: [x[i]['name'] for i in range(len(x))])
s = movies5['spoken languages list']
i = np.arange(len(movies5)).repeat(s.str.len())
df lang = movies5.iloc[i, :-1].assign(**{'spoken languages list':
np.concatenate(s.values)})[["id", "spoken languages list"]]
df lang.spoken languages list.value counts().sort values(ascending=False).nla
rgest(10)
# проводим серию манипуляций с данными фильмов и рейтингами, включающих группировку,
присоединение, преобразование и удаление столбцов, а также применение литеральной оценки
для преобразования строковых значений в списки. В конце кода создаются новые столбцы на
основе значений в других столбцах, затем объединяются различные таблицы данных с помощью
функции merge, а также производятся некоторые вычисления и фильтрация строк с
пропущенными значениями
# Глядя на распределение разговорных языков, мы можем создать две категории -
английский и другие
df lang["spoken languages list 2"] =
df lang["spoken languages list"].apply(lambda x: "Other" if x not in
["English"] else x)
#Берем базу данных производственных компаний и создаем манекены
set val = set(df lang["spoken languages list 2"].values)
for i in set val:
   df lang["spoken lang "+i] = np.where(df lang["spoken languages list 2"]
== i, 1, 0)
df lang = df lang.groupby("id").max()
df lang.head()
movies6 = pd.merge(movies5, df lang, how='left', on='id')
movies6.head()
movies6.drop(columns=["spoken languages list x", "spoken languages list y", "sp
oken languages list 2"], axis=1, inplace=True)
```

```
movies6.dropna(subset=["spoken lang English"], inplace=True)
movies6.drop(columns=['genres', 'production_companies','spoken_languages'],
inplace=True)
movies6.info()
credits = pd.read csv('./credits.csv')
credits.head()
#Примечание: Пол указан цифрами 1=Женщина 2=Мужчина 0=неизвестно/отсутствует
Порядок обозначается 0=Ведущий, 1=Поддерживающий и т.д.
# Создайте таблицы фильмов со всеми связанными актерами и членами съемочной
группы в отдельных кадрах данных
all casts = []
all crews = []
for i in range(credits.shape[0]):
    cast = eval(credits['cast'][i])
    for x in cast:
        x['id'] = credits['id'][i]
    crew = eval(credits['crew'][i])
    for x in crew:
        x['id'] = credits['id'][i]
    all casts.extend(cast)
    all crews.extend(crew)
cast = pd.DataFrame(all casts)
crew = pd.DataFrame(all crews)
cast.gender.value counts()
crew.gender.value_counts()
cast.head()
cast.drop(columns=['cast id', 'character', 'credit id', 'profile path'],
inplace=True)
cast.head()
cast.name.value_counts().nlargest(35)
```

```
# Слишком много вариантов приведения актеров. Удержание только людей с
должностными функциями ведущего (0) или поддерживающего (1)
lead = cast[cast['order'] == 0]
lead = lead.rename(columns={'name':'lead','gender':'gender lead'})
lead.drop(columns=['order'], inplace=True)
lead['freq lead'] = lead['lead'].map(lead['lead'].value counts())
lead.head()
print(lead.shape)
print(lead.duplicated().sum())
lead.drop duplicates(inplace=True)
lead.shape
lead.lead.value counts()
lead.gender lead.value counts()
movies7 = pd.merge(movies6, lead, how='left', on='id')
movies7.head()
support = cast[cast['order'] == 1]
support =
support.rename(columns={'name':'support','gender':'gender support'})
support.drop(columns=['order'], inplace=True)
support['freq support'] =
support['support'].map(support['support'].value counts())
support.head()
print(support.shape)
print(support.duplicated().sum())
support.drop duplicates(inplace=True)
support.shape
support.support.value counts()
support.gender support.value counts()
movies8 = pd.merge(movies7, support, how='left', on='id')
movies8.head()
movies8.drop duplicates(subset=["id"],inplace=True)
movies8.shape
crew.drop(columns=['credit id', 'department', 'profile path'], inplace=True)
```

```
crew.head()
crew['job'].unique()
# Слишком много вариантов экипажа. На данный момент мы оставляем за собой
только людей с должностями режиссера, исполнительного продюсера, продюсерши
или сценариста
director = crew[crew['job'] == 'Director']
director =
director.rename(columns={'name':'director','gender':'gender director'})
director.drop(columns=['job'], inplace=True)
director['freq dir'] =
director['director'].map(director['director'].value counts())
director.head()
print(director.shape)
print(director.duplicated().sum())
director.drop duplicates(inplace=True)
director.director.value counts()
director.gender director.value counts()
director.sort_values(['id','freq_dir'], ascending=[True, False],
inplace=True)
director.drop duplicates(subset='id', keep='first', inplace=True)
director.shape
movies9 = pd.merge(movies8, director, how='left', on='id')
movies9.head()
movies9.shape
ep = crew[crew['job'] == 'Executive Producer']
ep = ep.rename(columns={'name':'execprod','gender':'gender ep'})
ep.drop(columns=['job'], inplace=True)
ep['freq_ep'] = ep['execprod'].map(ep['execprod'].value_counts())
ep.head()
print(ep.shape)
print(ep.duplicated().sum())
ep.drop duplicates(inplace=True)
```

```
ep.execprod.value_counts()

ep.gender_ep.value_counts()

ep.shape

ep.sort_values(['id','freq_ep'], ascending=[True, False], inplace=True)
ep.drop_duplicates(subset='id', keep='first', inplace=True)
ep.shape

movies10 = pd.merge(movies9, ep, how='left', on='id')
movies10.head()

movies10.shape
```

создаем наборы данных, объединяя данные о языках озвучки, жанрах и производственных компаниях для фильмов. Скрипт также разделяет актеров, режиссеров и других членов съемочной группы, записывая их имена, пол и название должности, среди прочей информации, в отдельные наборы данных. Код также используется для очистки данных, например, путем удаления дублирующихся записей или удаления столбцов, которые не нужны.

```
prod = crew[crew['job'] == 'Producer']
prod = prod.rename(columns={'name':'producer', 'gender':'gender producer'})
prod.drop(columns=['job'], inplace=True)
prod['freq producer'] = prod['producer'].map(prod['producer'].value counts())
prod.head()
print(prod.shape)
print(prod.duplicated().sum())
prod.drop duplicates(inplace=True)
prod.producer.value counts()
prod.gender producer.value counts()
prod.sort values(['id','freq producer'], ascending=[True, False],
inplace=True)
prod.drop duplicates(subset='id', keep='first', inplace=True)
prod.shape
movies11 = pd.merge(movies10, prod, how='left', on='id')
movies11.head()
```

```
movies11.shape
scnply = crew[crew['job'] == 'Screenplay']
scnply = scnply.rename(columns={'name':'writer','gender':'gender_scnply'})
scnply.drop(columns=['job'], inplace=True)
scnply['freq scnply'] = scnply['writer'].map(scnply['writer'].value counts())
scnply.head()
print(scnply.shape)
print(scnply.duplicated().sum())
scnply.drop_duplicates(inplace=True)
scnply.writer.value counts()
scnply.gender_scnply.value_counts()
scnply.shape
scnply.sort values(['id','freq scnply'], ascending=[True, False],
inplace=True)
scnply.drop duplicates(subset='id', keep='first', inplace=True)
scnply.shape
movies12 = pd.merge(movies11, scnply, how='left', on='id')
movies12.head()
# Добавить ключевые слова
keywords = pd.read csv('./keywords.csv')
keywords.head()
print(keywords.shape)
print(keywords.duplicated().sum())
keywords.drop duplicates(inplace=True)
keywords.shape
kwlist = []
for i in range(keywords.shape[0]):
    keyw = eval(keywords['keywords'].iloc[i])
    for each in keyw:
        each['id'] = keywords['id'].iloc[i]
    kwlist.extend(keyw)
```

```
k = pd.DataFrame(kwlist)
k = k.rename(columns={'name':'keyword'})
k = k.groupby('id')['keyword'].apply(', '.join).reset index()
k.head()
nltk.download('punkt')
nltk.download('vader lexicon')
# создаем набор фреймов данных, объединяя данные о языках озвучки, жанрах и
производственных компаниях для фильмов. Скрипт также разделяет актеров, режиссеров и
других членов экипажа, записывая их имена, пол и должности, среди прочей информации, в
отдельные фреймы данных. Код также используется для очистки данных, например, удаления
дублирующихся записей или отбрасывания ненужных столбцов.
from nltk.tokenize import word tokenize
from sklearn.feature extraction.text import TfidfVectorizer
vect = TfidfVectorizer(tokenizer=word tokenize,ngram range=(1,2),
binary=True, max features=30,stop words='english')
TFIDF=vect.fit transform(k['keyword'])
movies13 = pd.merge(movies12, k, how='left', on='id')
movies13.head()
# Не хватает большого количества информации для исполнительных продюсеров,
продюсерши и сценаристов (включая пол) - отбросьте эти категории
cols2drop = [49, 50, 51, 52, 53, 54, 55, 56, 57]
movies14 = movies13.iloc[:, [j for j, c in enumerate(movies13.columns) if j
not in cols2drop]]
# Преобразовать столбец "пол" для остальных столбцов актеров /съемочной
группы в IsFemale
movies14.rename(columns={'gender lead': 'isFemale lead', 'gender support':
'isFemale support', 'gender director': 'isFemale director'}, inplace=True)
# Замените значения 0 для гендера на NaN
movies14['isFemale lead'] = movies14['isFemale lead'].replace(0, np.nan)
movies14['isFemale support'] = movies14['isFemale support'].replace(0,
np.nan)
movies14['isFemale director'] = movies14['isFemale director'].replace(0,
np.nan)
# Замените 2 значения для гендера на 0
movies14['isFemale lead'] = movies14['isFemale lead'].replace(2, 0)
movies14['isFemale support'] = movies14['isFemale support'].replace(2, 0)
movies14['isFemale director'] = movies14['isFemale director'].replace(2, 0)
movies14.head()
```

```
# Удаляем ненужные столбцы
movies14.drop(columns=['status', 'movieId'], inplace=True)
movies14.info()
movies14.duplicated(subset='id').sum()
# Руководство, поддержка и директор Bucketize
movies14['leadAppearances'] = pd.cut(movies14['freq lead'],
bins=np.linspace(0,75,6))
movies14['supportAppearances'] = pd.cut(movies14['freq support'],
bins=np.linspace(0,25,6))
movies14['dirAppearances'] = pd.cut(movies14['freq dir'],
bins=np.linspace(0,55,5))
movies14['studioAppearances'] = pd.cut(movies14['freq studio'],
bins=np.linspace(0,304,7))
movies14.head()
movies14['leadAppearances'].unique()
movies14['supportAppearances'].unique()
movies14['dirAppearances'].unique()
movies14['studioAppearances'].unique()
movies_final_w_dummies = pd.concat([movies14,
pd.get dummies(movies14['leadAppearances'])], axis=1).drop(['freq lead'],
axis=1)
col = movies final w dummies.columns
movies final w dummies.rename(columns={col[51]:'lead 5Quintile',
col[52]:'lead 4Quintile', col[53]:'lead 3Quintile', col[54]:'lead 2Quintile',
col[55]:'lead 1Quintile'}, inplace=True)
movies final w dummies = pd.concat([movies final w dummies,
pd.get dummies(movies14['supportAppearances'])],
axis=1).drop(['freq support'], axis=1)
col = movies final w dummies.columns
movies final w dummies.rename(columns={col[55]:'support 5Quintile',
col[56]:'support 4Quintile', col[57]:'support 3Quintile',
col[58]:'support 2Quintile', col[59]:'support 1Quintile'}, inplace=True)
movies final w dummies = pd.concat([movies final w dummies,
pd.get dummies(movies14['dirAppearances'])], axis=1).drop(['freq dir'],
axis=1)
col = movies final w dummies.columns
```

```
movies final w dummies.rename(columns={col[59]:'dir 4Quartile',
col[60]:'dir 3Quartile', col[61]:'dir 2Quartile', col[62]:'dir 1Quintile'},
inplace=True)
movies final w dummies = pd.concat([movies final w dummies,
pd.get dummies(movies14['studioAppearances'])], axis=1).drop(['freq studio'],
axis=1)
col = movies final w dummies.columns
movies final w dummies.rename(columns={col[62]:'studio 6Quartile',
col[63]:'studio 5Quartile', col[64]:'studio_4Quartile',
col[65]:'studio_3Quartile', col[66]:'studio_2Quartile',
col[67]:'studio 1Quartile'}, inplace=True)
movies final w dummies.info()
movies final w dummies.drop(columns=['dirAppearances','supportAppearances','l
eadAppearances','studioAppearances'], axis=1, inplace=True)
movies final w dummies.shape
movies14.to csv("./data new.csv", index=False)
movies final w dummies.to csv("./data w dummies final.csv", index=False)
```

#код готовит и очищает набор данных, связанный с фильмами. Сначала он использует библиотеку NLTK для токенизации ключевых слов фильмов и библиотеку Scikit-learn для их преобразования с помощью алгоритма Term Frequency-Inverse Document Frequency (TF-IDF). Затем он объединяет полученный датафрейм с другим, используя общий идентификатор (id).

Далее код удаляет некоторые столбцы, связанные с исполнительными продюсерами, продюсерами и сценаристами. Он также переименовывает некоторые столбцы, связанные с полом актеров и режиссера. После этого он заменяет некоторые значения пола на NaN или 0 в зависимости от их исходных значений.

Затем код создает новые столбцы, категоризируя количество появлений главных актеров, актеров второго плана, режиссера и студии. После этого он создает фиктивные переменные для этих категориальных столбцов и удаляет исходные. Наконец, он удаляет еще несколько столбцов и проверяет информацию полученного датафрейма.

Примечание: после вывода файла "data_w_dummies_final.csv" в приведенном выше коде мы создали второй файл данных для тестирования наших моделей с помощью Excel/OpenRefine, чтобы быстро создать модифицированный набор данных, который преобразовал фиктивные переменные для квартилей director, lead, support и studio в порядковые функции. Это позволило нам сократить общее количество функций с 67 до 47. Этот второй метод также оказался более успешным с нашими моделями и представляет собой набор данных "data_w_dummies_final_2.csv", который мы загружаем в следующую ячейку.

#Описательный анализ

выполняем задачи по очистке и анализу данных на наборе данных о фильмах, включая выборку столбцов, группировку, создание новых DataFrame'ов, удаление дубликатов и преобразование типов данных. В конечном итоге данные готовятся для использования в модели машинного обучения.

```
movies final = pd.read csv("./data w dummies final.csv")
movies df = pd.read csv("./movies metadata.csv")
test = movies_final[['popularity','budget','revenue']]
test.dropna(inplace=True)
test['return'] = test['revenue']/test['budget']
test['popularity bin'] = pd.cut(test['popularity'],bins=np.linspace(0,600,5))
test 2 = test[['popularity bin','return']]
test.groupby('popularity bin').median()
movies_df.duplicated(subset='id').sum()
movies df.drop duplicates(subset='id', inplace=True)
movies df['imdb id'] = movies df['imdb id'].str[2:]
# Убедитесь, что пробелы не портят значения
# movies df['id'].str.strip()
movies df['imdb id'].str.strip()
movies_df_words = movies df[['id','imdb id','overview']]
movies_df_words.isna().sum()
movies df words.dropna(how='any', inplace=True)
movies df words['imdb id'] = movies df words['imdb id'].apply(pd.to numeric,
errors='coerce').astype('Int64')
movies df words.head()
movies_final.head()
movies final.info()
movies final['release date'] = pd.to datetime(movies final['release date'])
# movies final['release date'] = movies final['release date'].apply(fix date)
movies final.info()
movies final['imdb id'] = movies final['imdb id'].astype(str)
movies wordcloud =
pd.concat([movies final[['title','id','imdb id','keyword']],
movies_df_words], axis=1, join='inner')
movies wordcloud.head()
movies wordcloud.dropna(inplace=True)
# Преобразование в строку
movies wordcloud['title']=movies wordcloud['title'].astype('str')
movies wordcloud['overview']=movies wordcloud['overview'].astype('str')
movies wordcloud['keyword']=movies wordcloud['keyword'].astype('str')
```

```
# объединение заголовков через пробел
title data=' '.join(movies wordcloud['title'])
overview_data=' '.join(movies_wordcloud['overview'])
keyword data=' '.join(movies_wordcloud['keyword'])
from wordcloud import WordCloud, STOPWORDS
title_cloud = WordCloud(stopwords=STOPWORDS, background color='white',
height=1000, width=3000).generate(title data)
plt.figure(figsize=(12,6))
plt.imshow(title cloud)
plt.axis('off')
plt.show()
overview cloud = WordCloud(stopwords=STOPWORDS, background color='white',
height=1000, width=3000).generate(overview data)
plt.figure(figsize=(12,6))
plt.imshow(overview cloud)
plt.axis('off')
plt.show()
keyword cloud = WordCloud(stopwords=STOPWORDS, background color='white',
height=1000, width=3000).generate(keyword data)
plt.figure(figsize=(12,6))
plt.imshow(keyword cloud)
plt.axis('off')
plt.show()
import warnings
warnings.filterwarnings("ignore", category=FutureWarning)
plt.figure(figsize=(20,10))
col = ['budget', 'popularity', 'revenue', 'runtime', 'score', 'rating']
a = 1
for i in range(len(col)):
    plt.subplot(2, 3, a);
    sns.distplot(movies final[col[i]])
    plt.xlabel(col[i])
    a += 1
plt.tight layout()
plt.figure(figsize=(20,5))
col = ['release_month','release_day', 'release_year']
a = 1
for i in range(len(col)):
    plt.subplot(1, 3, a);
```

```
countplt = sns.countplot(movies final[col[i]])
    countplt.set xticklabels(countplt.get xticklabels(),rotation = 60)
    plt.xlabel(col[i])
    a += 1
plt.tight layout()
movies 2 = movies final.drop(columns=["imdb id", "id"], axis=1)
movies 2['popularity'].describe()
# Винсоризация
# Замена чрезвычайно высоких значений популярности значением, немного
превышающим максимальную популярность
movies 2['popularity 2'] =
np.where(movies 2["popularity"]>=movies 2["popularity"].quantile(0.995), 50,
movies 2["popularity"])
print(movies 2['popularity 2'].describe())
sns.distplot(movies 2['popularity 2'])
plt.xlabel('popularity')
# Преобразование журнала
# Замена чрезвычайно высоких значений популярности значением, немного
превышающим максимальную популярность
movies 2['popularity 3'] = np.log1p(movies 2['popularity'])
print(movies 2['popularity 3'].describe())
sns.distplot(movies 2['popularity 3'])
plt.xlabel('popularity')
num features =
movies 2.select dtypes(include=['float64','int64']).columns.values
# Вычислить корреляции между всеми числовыми признаками
corr = movies 2[num features].corr()
# Сортировка объектов по их (абсолютной) корреляции с целевой переменной.
pd.DataFrame(corr.sort values(by='popularity 2', key=abs,
ascending=False) [['popularity 2', 'popularity 3']]).head(30)
# Отображение корреляций в виде тепловой карты
# Это может указывать на то, что мы можем отказаться от некоторых из этих
функций.
fig, ax = plt.subplots(figsize=(27, 30))
sns.heatmap(corr, vmin=-1, vmax=1, cmap = 'RdBu r', xticklabels=True,
yticklabels=True, cbar kws={'label' : 'correlation'}, ax=ax)
```

```
corr df = corr.where(np.triu(np.ones(corr.shape),
k=1).astype(bool)).stack().reset index()
corr df[corr df[0]>0.7]
# Бюджет и доходы имеют корреляцию в 74%
# Мы удалим популярность и будем использовать popularity 2 в качестве цели
plt.scatter(movies 2['budget'], movies 2['revenue'])
plt.figure(figsize=(20,5))
col = ['runtime', 'release month', 'score', 'rating']
a = 1
for i in range(len(col)):
    plt.subplot(1, 4, a);
    plt.scatter(movies 2[col[i]], movies 2['popularity 2'])
    plt.xlabel(col[i])
    plt.ylabel("Popularity")
    a += 1
plt.tight layout()
fig = plt.figure()
ax1 = fig.add subplot(111)
ax1.scatter(x=movies 2['score'], y=movies 2['rating'])
plt.xlabel('Score')
plt.ylabel('Rating')
plt.show()
```

#Прогностический анализ

```
from sklearn.model_selection import train_test_split

# Создаем 'time_since_released' для лучшей интерпретируемости
movies_2["time_since_released"] = date.today().year -
movies_2["release_year"]

movies_2[["time_since_released","release_year","release_date"]]]

movies_na = pd.DataFrame(movies_2.isna().sum())
movies_na[movies_na[0]>0]

# Для прогнозирования мы не будем использовать budget, revenue,
isFemale_lead, isFemale_support, isFemale_director из-за большого количества
пропущенных значений
```

```
# Мы также не будем использовать lead, support, director, ключевое слово,
поскольку это строковые столбцы, созданные только для описательного анализа.
# Также удаляем release year и популярность
# Удаление вышеуказанного
movies 3 =
movies_2.drop(columns=["popularity","revenue","release_year","keyword","isFem
ale lead", "isFemale support", "isFemale director", "lead", "support", \
                                  "director", "release_date", "budget"],
axis=1)
movies na = pd.DataFrame(movies 3.isna().sum())
movies na[movies na[0]>0]
# Заполнение пропущенных оценок их медианой
movies 3['rating'] =
movies 3['rating'].replace(np.nan,movies 3['rating'].median())
movies na = pd.DataFrame(movies 3.isna().sum())
movies na[movies na[0]>0]
```

#Models

```
movies 3.head(2)
num features =
movies 3.select dtypes(include=['float64','int64']).columns.values
movies 3[num features].columns
features = movies 3[num features]
features.drop(columns=["popularity 2", "popularity 3"], axis=1, inplace=True)
target_wins = movies_3["popularity_2"]
target_log = movies 3["popularity 3"]
bins = np.linspace(0, 50, 10)
y binned wins = np.digitize(target wins, bins)
y binned log = np.digitize(target log, bins)
X_train, X_test, y_train, y_test = train_test_split(features, target wins,
test size=0.3, random state=42, stratify=y binned wins)
X_train_log, X_test_log, y_train_log, y_test_log = train_test_split(features,
target log, test size=0.3, random state=42, stratify=y binned log)
features GB = features.drop(columns = ["release day", "release month"])
features GB.columns
```

```
X train GB, X test GB, y train GB, y test GB = train test split(features GB,
target wins, test size=0.3, random state=1)
X train_log_GB, X_test_log_GB, y_train_log_GB, y_test_log_GB =
train_test_split(features, target_log, test_size=0.3, random_state=1)
print(X train.shape, X test.shape, y train.shape, y test.shape)
print(X train log.shape, X test log.shape, y train log.shape,
y test log.shape)
np.mean(y train),np.mean(y test),np.mean(y train log),np.mean(y test log)
import copy
train = X_train.copy()
train['popularity 2'] = y train
test = X test.copy()
test['popularity 2'] = y test
train_log = X_train_log.copy()
train log['popularity 3'] = y train log
test log = X test log.copy()
test log['popularity 3'] = y test log
full = pd.concat([train, test])
full log = pd.concat([train log, test log])
if "studioSextile" in full.columns:
    print ("Колонка 'studioSextile' есть в датафрейме")
else:
    print("Колонка 'studioSextile' отсутствует в датафрейме")
plt.figure(figsize=(20,5))
col = ['series', 'genre_Action', 'genre_Documentary', 'release_month']
for i in range(len(col)):
    g = sns.relplot(x = full[col[i]], y = full['popularity 2'], kind="line",
data=full)
   a += 1
plt.tight layout()
plt.figure(figsize=(20,5))
col = ['series', 'genre Action', 'genre Documentary', 'release month']
for i in range(len(col)):
    g = sns.relplot(x = full log[col[i]], y = full log['popularity 3'],
kind="line", data=full log)
plt.tight layout()
```

```
X train.drop(columns=['release day', 'time since released'], axis=1,
inplace=True)
X test.drop(columns=['release day', 'time since released'], axis=1,
inplace=True)
X train log.drop(columns=['release day', 'time since released'], axis=1,
inplace=True)
X test log.drop(columns=['release day', 'time since released'], axis=1,
inplace=True)
# Сначала мы опробуем различные алгоритмы, чтобы проверить лучшие из них и
настроить их
from sklearn.model selection import train test split, GridSearchCV, KFold,
cross val score, RandomizedSearchCV
from sklearn.metrics import r2 score, mean squared error,
mean absolute error, explained variance score, mean absolute percentage error
from sklearn.linear model import LinearRegression, Ridge, Lasso, ElasticNet,
SGDRegressor , RANSACRegressor
from sklearn.svm import SVR, LinearSVR
from sklearn.neighbors import KNeighborsRegressor
from sklearn.gaussian process import GaussianProcessRegressor
from sklearn.tree import DecisionTreeRegressor
from sklearn.ensemble import AdaBoostRegressor, BaggingRegressor,
RandomForestRegressor, GradientBoostingRegressor
from sklearn.neural network import MLPRegressor
from sklearn.ensemble import VotingRegressor
from xgboost import XGBRegressor
models 1 = {'LinearRegression': LinearRegression(),
            'Ridge': Ridge(),
            'Lasso': Lasso(),
            'RANSACRegressor': RANSACRegressor(),
            'ElasticNet': ElasticNet(),
            'SVR': SVR(),
            'LinearSVR': LinearSVR(), #not a good model for the current
data, can test after we edit the data
            'KNeighborsRegressor': KNeighborsRegressor(),
            'GaussianProcessRegressor':GaussianProcessRegressor(),
            'BaggingRegressor': BaggingRegressor(),
            'MLPRegressor': MLPRegressor()}
models 2 = {'RandomForestRegressor': RandomForestRegressor(),
            'GradientBoostingRegressor': GradientBoostingRegressor(),
            'XGBRegressor': XGBRegressor(),
            'DecisionTreeRegressor': DecisionTreeRegressor(),
            'AdaBoostRegressor': AdaBoostRegressor()
         }
```

```
pd.set option('display.max colwidth', None)
def model report(model, X train, X test, y train, y test, name):
    strat k fold = 5
    model.fit(X_train, y_train)
    r2 score= np.mean(cross val score(model, X train, y train,
cv=strat_k_fold, scoring='r2', n_jobs=-1))
    r2_score_sd= np.std(cross_val_score(model, X_train, y_train,
cv=strat k fold, scoring='r2', n jobs=-1))
    adj r2 = 1 - (1-r2 \text{ score}) * (len(y train)-1) / (len(y train)-
X train.shape[1]-1)
    explained variance score = np.mean(cross val score(model, X train,
y train, cv=strat k fold,
scoring='explained variance', n jobs=-1))
    neg_mean_squared_error = np.mean(cross_val_score(model, X_train, y_train,
cv=strat k fold,
scoring='neg mean squared error', n jobs=-1))
    neg root mean squared error = np.mean(cross val score(model, X train,
y train, cv=strat k fold,
scoring='neg root mean squared error', n jobs=-1))
    neg root mean squared error std = np.std(cross val score(model, X train,
y train, cv=strat k fold,
scoring='neg root mean squared error', n jobs=-1))
    neg_mean_absolute_error = np.mean(cross_val_score(model, X train,
y train, cv=strat k fold,
scoring='neg mean absolute error', n jobs=-1))
    max error = np.mean(cross val score(model, X train, y train,
cv=strat k fold,
                                                         scoring='max_error',
n jobs=-1))
    test r2 score= model.score(X test, y test)
    test adj r2 = 1 - (1-\text{test r2 score}) * (len(y test)-1) / (len(y test)-
X \text{ test.shape}[1]-1)
    test mean squared error = mean squared error (y test,
model.predict(X test))
    test_root_mean_squared_error = np.sqrt(test_mean_squared_error)
    test mean absolute error = mean absolute error(y test,
model.predict(X test))
    feature imp = pd.DataFrame(sorted(zip(model.feature importances ,
X train.columns),reverse = True), columns=['Value','Feature'])
    feature_imp = feature_imp[feature_imp.Value != 0]
    top features = list(feature imp.nlargest(5, 'Value')['Feature'])
   # y pred = model.predict(X test)
    df model = pd.DataFrame({'model': [name],
                              'r2': [r2 score], 'r2 std': [r2 score sd],
'test r2': [test r2 score],
                              'adj r2': [adj r2], 'test adj r2':
[test adj r2], 'top features': [top features],
                              'explained variance':
[explained variance score],
```

```
'neg mean squared error' :
[neg mean squared error], 'neg mse std': [neg root mean squared error std],
'test_mean_squared_error': [test_mean_squared_error],
                                                           'max_error' : [max_error],
                                                           'neg root mean squared error':
[neg root mean squared error], 'test root mean squared error':
[test root mean squared error],
                                                          'neg mean absolute error':
[neg mean absolute error], 'test mean absolute error':
[test mean absolute error] })
        return df model
def model report 2 (model, X train, X test, y train, y test, name):
        strat k fold = 5
        model.fit(X_train, y_train)
        r2 score= np.mean(cross val score(model, X train, y train,
cv=strat_k_fold, scoring='r2', n_jobs=-1))
        r2_score_sd= np.std(cross_val_score(model, X_train, y_train,
cv=strat k fold, scoring='r2', n jobs=-1))
        adj r2 = 1 - (1-r2 \text{ score}) * (len(y train)-1) / (len(y train)-1) 
X train.shape[1]-1)
        explained variance score = np.mean(cross val score(model, X train,
y train, cv=strat k fold,
scoring='explained variance', n jobs=-1))
        neg mean squared error = np.mean(cross val score(model, X train, y train,
cv=strat k fold,
scoring='neg_mean_squared_error', n_jobs=-1))
        neg root mean squared error = np.mean(cross val score(model, X train,
y train, cv=strat k fold,
scoring='neg_root_mean_squared_error', n_jobs=-1))
        neg root mean squared error std = np.std(cross val score(model, X train,
y train, cv=strat k fold,
scoring='neg root mean squared error', n jobs=-1))
        neg mean absolute error = np.mean(cross val score(model, X train,
y train, cv=strat k fold,
scoring='neg mean absolute error', n jobs=-1))
        max error = np.mean(cross val score(model, X train, y train,
cv=strat k fold,
                                                                                                               scoring='max error',
n jobs=-1))
        test_r2_score= model.score(X_test, y_test)
        test adj r2 = 1 - (1-\text{test r2 score}) * (len(y test)-1) / (len(y test)-
X test.shape[1]-1)
        test mean squared error = mean squared error(y test,
model.predict(X test))
        test root mean squared error = np.sqrt(test mean squared error)
        test mean absolute error = mean absolute error(y test,
model.predict(X test))
       top features = []
      # y pred = model.predict(X test)
```

```
df model = pd.DataFrame({'model': [name],
                             'r2': [r2 score], 'r2 std': [r2 score sd],
'test r2': [test r2_score],
                             'adj r2': [adj r2], 'test adj r2':
[test adj r2], 'top_features': [top_features],
                             'explained variance':
[explained variance score],
                             'neg mean squared error' :
[neg_mean_squared_error], 'neg_mse_std': [neg_root mean squared error std],
'test_mean_squared_error': [test_mean_squared error],
                             'max_error' : [max_error],
                             'neg root mean squared error':
[neg root mean squared error],'test root mean squared error':
[test root mean squared error],
                              'neg_mean_absolute_error':
[neg mean absolute error], 'test mean absolute error':
[test mean absolute error]})
    return df model
models df result = pd.concat([model report(model, X train, X test, y train,
y test, name) for (name, model) in models 2.items()])
# Без потери общности, предполагая, что верхние модели будут одинаковыми для
обоих типов целевых переменных
models df result 2 = pd.concat([model report 2(model, X train, X test,
y_train, y_test, name) for (name, model) in models 1.items()])
models df result combined = pd.concat([models df result, models df result 2])
models df result combined.sort values(by = ['adj r2', 'r2 std'], ascending =
[False, True])
# Основываясь на приведенных выше результатах, мы продолжим использовать
XGBRegressor, GradientBoostingRegressor, RandomForestRegressor u
BaggingRegressor и выберем лучший.
```

#XGBRegressor

```
xgb grid = GridSearchCV(xgb1,
                        parameters,
                        cv = 3,
                        n jobs = 5,
                        verbose=True, scoring='r2')
xgb_grid.fit(X_train, y_train)
print(xgb grid.best score )
print(xgb grid.best params )
xgbr wins = XGBRegressor(verbosity=0, random state=42, colsample bytree=1,
learning rate=0.1, max depth=9, min child weight=7, n estimators=1000,
nthread=4, \
                         objective='reg:gamma', silent=1, subsample=0.7,
gamma=10, eval metric='gamma-deviance')
xgbr wins.fit(X train, y train)
\# taking learning rate = 0.1 gives better results than 0.07
# Performance on Train
r2 = xgbr_wins.score(X_train, y_train)
mse = mean_squared_error(y_train, xgbr_wins.predict(X_train))
mae = mean absolute error(y train, xqbr wins.predict(X train))
mape = mean absolute percentage error(y train, xgbr wins.predict(X train))
adj r2 = 1 - (1-r2)*(len(y train)-1)/(len(y train)-X train.shape[1]-1)
print("Train RMSE: %.2f" % (mse**(1/2.0)))
print("Train Adjusted R2: ", adj r2)
# Performance on Test
y pred = xgbr wins.predict(X test)
r2 = xgbr wins.score(X test, y test)
mse = mean squared error(y test, y pred)
mae = mean absolute error(y test, y pred)
mape = mean_absolute_percentage_error(y_test, y_pred)
adj r2 = 1 - (1-r2)*(len(y test)-1)/(len(y test)-X test.shape[1]-1)
print("Test RMSE: %.2f" % (mse**(1/2.0)))
print("Test Adjusted R2: ", adj r2)
# GridSearchCV для получения наилучших гиперпараметров для цели,
преобразованной в журнал
xgb2 = XGBRegressor(random state=42)
parameters = {'nthread':[4], #при использовании hyperthread xgboost может
работать медленнее
              'objective':['reg:squarederror'],
              'learning rate': [0.03, .07, 0.1], #so called `eta` value
              'max depth': [5, 9],
              'min child weight': [15, 30],
              'silent': [1],
              'subsample': [0.7, 1],
```

```
'colsample bytree': [0.7, 1],
              'n estimators': [200, 300],
              'eval metric': ['rmse']}
xgb grid log = GridSearchCV(xgb2,
                        parameters,
                        cv = 3,
                        n jobs = 5,
                        verbose=True, scoring='r2')
xgb grid log.fit(X train log, y train log)
print(xgb grid log.best score )
print(xgb grid log.best params )
xgbr log = XGBRegressor(verbosity=0, random state=42, colsample bytree=0.7,
learning rate=0.03, max depth=5, min child weight=30, n estimators=200,
nthread=4, \
                    objective='req:squarederror', silent=1, subsample=0.7,
reg lambda=1, reg alpha=0, eval metric='rmse')
xgbr log.fit(X train log, y train log)
# Производительность on Train
pred = xgbr log.predict(X train log)
r2 = xgbr log.score(X train log, y train log)
mse wo exp = mean squared error(y train log, pred)
mse = mean_squared_error(np.expm1(y_train_log), np.expm1(pred))
mae = mean absolute error(np.expm1(y train log), np.expm1(pred))
mape = mean absolute percentage error(np.expm1(y train log), np.expm1(pred))
adj_r2 = 1 - (1-r2)*(len(y_train_log)-1)/(len(y_train_log)-
X train log.shape[1]-1)
print("Train RMSE: %.2f" % (mse**(1/2.0)))
print("Train RMSE w/o exp: %.2f" % (mse wo exp**(1/2.0)))
print("Train Adjusted R2: ", adj r2)
# Производительность при тестировании
y pred log = xgbr log.predict(X test log)
r2 = xgbr log.score(X test log, y test log)
mse wo exp = mean squared error(y test log, xgbr log.predict(X test log))
mse = mean_squared_error(np.expm1(y_test_log), np.expm1(y_pred_log))
mae = mean_absolute_error(np.expm1(y_test_log), np.expm1(y_pred_log))
mape = mean_absolute_percentage_error(np.expm1(y_test_log),
np.expm1(y pred log))
adj_r2 = 1 - (1-r2)*(len(y_test_log)-1)/(len(y_test_log)-X_test_log.shape[1]-
1)
print("Test RMSE: %.2f" % (mse**(1/2.0)))
print("Train RMSE w/o exp: %.2f" % (mse wo exp**(1/2.0)))
print("Test Adjusted R2: ", adj r2)
```

```
feature imp = pd.DataFrame(sorted(zip(xgbr wins.feature importances ,
X train.columns), reverse = True), columns=['Value', 'Feature'])
feature imp = feature imp[feature imp.Value != 0]
plt.figure(figsize=(10, 5))
sns.barplot(x="Value", y="Feature", data=feature imp.sort values(by="Value",
ascending=False))
plt.title('XGBoost (Winsorized) Feature Importance')
plt.tight layout()
plt.show()
feature imp = pd.DataFrame(sorted(zip(xgbr log.feature importances ,
X_train_log.columns),reverse = True), columns=['Value','Feature'])
feature imp = feature imp[feature imp.Value != 0]
plt.figure(figsize=(10, 5))
sns.barplot(x="Value", y="Feature", data=feature imp.sort values(by="Value",
ascending=False))
plt.title('XGBoost (Log Transformed) Feature Importance')
plt.tight layout()
plt.show()
```

#Первый блок содержит GridSearchCV, используемый для получения наилучших гиперпараметров для модели XGBoost, использующей гамма-регрессию для обработки winsorized target, так как данные имеют смещение вправо. Второй блок содержит еще один GridSearchCV, используемый для получения наилучших гиперпараметров для модели XGBoost для целевой переменной, преобразованной в журнал. Оба блока начинаются с определения модели XGBRegressor с помощью параметров по умолчанию и задания значений гиперпараметров, которые необходимо исследовать в GridSearchCV. Затем происходит запуск GridSearchCV с использованием определенных модели и параметров. Лучшая комбинация гиперпараметров сохраняется в xgb grid.bestparams или xgb grid log.bestparams в зависимости от блока. Затем модель XGBoost инициализируется с использованием лучших параметров, которые были найдены с помощью GridSearchCV. Далее производится обучение модели на обучающих данных и оценка ее производительности на тренировочных и тестовых данных. Производительность модели оценивается с использованием нескольких метрик, таких как RMSE (среднеквадратическая ошибка), МАЕ (средняя абсолютная ошибка) и R2 (коэффициент детерминации). В первом блоке производительность модели оценивается на winsorized target, в то время как во втором блоке оценка производится на целевой переменной, преобразованной в журнал. После оценки производительности модели, во втором блоке производится обратное преобразование журнала, чтобы получить фактические значения целевой переменной. Обратите внимание, что обратное преобразование выполняется для сравнения с фактическими значениями, а не для обучения модели. В целом, блоки выполняют автоматический поиск наилучших гиперпараметров для модели XGBoost и оценивают ее производительность на обучающих и тестовых данных.

Случайный лес

```
from sklearn.model_selection import train_test_split, GridSearchCV, KFold,
cross_val_score, RandomizedSearchCV
from sklearn.preprocessing import StandardScaler, MinMaxScaler
from sklearn.ensemble import RandomForestRegressor
from sklearn.feature_selection import SelectFromModel, RFE

scalerS = StandardScaler()
scalerM = MinMaxScaler()

X_train_std = scalerS.fit_transform(X_train)
```

```
X test std = scalerS.fit transform(X test)
X_train_norm = scalerM.fit_transform(X_train)
X_test_norm = scalerM.fit_transform(X_test)
def rfrmodelsummary(name, X train, X test, y train, y test, model):
         model.fit(X train, y train)
          # training
         y pred train = model.predict(X train)
          # training metrics
         mse_train = mean_squared_error(y_train, y_pred_train, squared=True)
          rmse_train = np.sqrt(mse_train)
          rsq train = model.score(X train, y train)
          adjrsq train = 1 - (((len(y train)-1)/(len(y train)-X train.shape[1]-
1)) * (1-rsq train))
          # test
          y pred test = model.predict(X test)
          # test metrics
         mse test = mean squared error(y test, y pred test, squared=True)
          rmse test = np.sqrt(mse test)
          rsq_test = model.score(X_test, y_test)
           \texttt{adjrsq\_test} = 1 - (((len(y\_test)-1) / (len(y\_test)-X\_test.shape[1]-1)) * (1-x) / (len(y\_test)-x) / (len(y\_test)-x)
rsq_test))
          df model = pd.DataFrame({'model': [name],
                                                                         'R2_train': [rsq_train], 'R2_test': [rsq_test],
                                                                         'AdjR2_train': [adjrsq_train], 'AdjR2_test':
[adjrsq test],
                                                                        'MSE train': [mse train], 'MSE test':
[mse test],
                                                                        'RMSE train': [rmse train], 'RMSE test':
[rmse_test] })
          return df model
def plotrfr(name, X train, X test, y train, y test, model):
          model.fit(X train, y train)
          y pred train = model.predict(X train)
          y pred test = model.predict(X test)
         plotdata = [y pred train, y pred test]
         return plotdata
rfr = RandomForestRegressor(random state=42, n jobs=-1)
rfr_models_result = pd.concat([rfrmodelsummary('Baseline', X_train, X_test,
y train, y test, rfr),
```

```
fig = plt.figure()
ax1 = fig.add subplot(111)
ax1.scatter(x=y train, y=plotdata[0], s=10, c='b')
plt.title('Training Data')
plt.xlabel('Actual')
plt.ylabel('Predicted')
plt.show()
fig = plt.figure()
ax1 = fig.add subplot(111)
ax1.scatter(x=y test, y=plotdata[1], s=10, c='b')
plt.title('Test Data')
plt.xlabel('Actual')
plt.ylabel('Predicted')
plt.show()
feature imp = pd.DataFrame(sorted(zip(rfr.feature importances ,
X train.columns), reverse = True), columns=['Value', 'Feature'])
feature imp = feature imp[feature imp.Value != 0]
plt.figure(figsize=(10, 5))
sns.barplot(x="Value", y="Feature", data=feature imp.sort values(by="Value",
ascending=False))
plt.title('RFR Feature Importance')
plt.tight layout()
```

#НИЗКАЯ ПРОИЗВОДИТЕЛЬНОСТЬ ТЕСТИРОВАНИЯ (ПЕРЕОБУЧЕНИЕ). ПОПРОБУЙТЕ ВЫБРАТЬ ФУНКЦИЮ

64

```
RFEselector = RFE(estimator=rfr, n_features_to_select=7, step=1)
RFEselector.fit(X_train, y_train)
X_train.columns[RFEselector.get_support()]
RFEselector.ranking
```

plt.show()

```
X train.columns
X train rfe = RFEselector.transform(X train)
X test rfe = RFEselector.transform(X test)
rfe models result = pd.concat([rfrmodelsummary('Baseline', X train, X test,
y train, y test, RFEselector),
                               rfrmodelsummary('Standardized', X train std,
X test std, y train, y test, RFEselector),
                               rfrmodelsummary('Normalized', X train norm,
X_test_norm, y_train, y_test, RFEselector)])
rfe models_result
SFMselector = SelectFromModel(estimator=rfr)
SFMselector.fit(X train, y train)
X train.columns[SFMselector.get support()]
X train sfm = SFMselector.transform(X train)
X test sfm = SFMselector.transform(X test)
sfm models result = rfrmodelsummary('Baseline', X train sfm, X test sfm,
y train, y test, rfr)
sfm models result
```

#Сначала импортируются необходимые библиотеки для разделения данных на обучающую и тестовую выборки, масштабирования данных, создания и обучения модели случайного леса, а также для выбора наиболее важных признаков (Приложение 1). Далее, данные разделяются на обучающую и тестовую выборки, затем применяются функции масштабирования StandardScaler и MinMaxScaler для стандартизации и нормализации данных. Затем функции rfrmodelsummary и plotrfr используются для создания отчета по метрикам производительности модели (таким как R2, MSE, RMSE) и построения графика фактических и предсказанных значений для обучающей и тестовой выборок. Далее, используется метод Recursive Feature Elimination (RFE) для выбора наиболее важных признаков для модели. В конце кода используется функция для визуализации важности признаков в модели.

гиперпараметр

```
rfr.get_params()

# Информация, которая поможет с настройкой

print(rfr.estimators_[5].tree_.max_depth) # check how many nodes in the longest path

rfr.estimators_[5].tree_.n_node_samples # check how many samples in the last nodes

# Извлечение данных из одного дерева

rfr_dict = {
```

```
'id node': list(range(rfr.estimators [5].tree .node count)),
    'impurity': rfr.estimators [5].tree .impurity,
    'samples': rfr.estimators [5].tree .n node samples,
    'id left child': rfr.estimators [5].tree .children left,
    'id right child': rfr.estimators [5].tree .children right
}
impurity df = pd.DataFrame(rfr dict)
print(impurity df.shape)
impurity df.head(10)
# Вычислить минимальное изменение безопасности
impurity_df['impurity_decrease'] = np.nan
samples_total = rfr.estimators_[5].tree_.node_count
for idx in impurity df.index[1:]:
    if impurity df.iloc[idx]['id left child'] == -1:
        continue
    else:
        impurity P, samples P = impurity df.iloc[idx][['impurity',
'samples']]
        id L, id R = impurity df.iloc[idx][['id left child',
'id right child']].astype(int)
        impurity L, samples L = impurity df.iloc[id L][['impurity',
'samples']]
        impurity R, samples R = impurity df.iloc[id R][['impurity',
'samples']]
        impurity decrease = samples P / samples total * (
            impurity P - samples R / samples P * impurity R -
            samples_L / samples_P * impurity_L
        impurity df.at[idx, 'impurity decrease'] = impurity decrease
impurity df['impurity decrease'].plot(kind='hist', bins=50)
impurity df['impurity decrease'].describe() # 75% значений для уменьшения
примесей лежат ниже 0,002; используйте это в качестве верхней границы для
параметра
path = rfr.estimators [5].cost complexity pruning path(X train, y train)
ccp alphas, impurities = path.ccp alphas, path.impurities
fig, ax = plt.subplots(figsize=(13,5))
ax.plot(ccp alphas[:-1], impurities[:-1], marker='o', drawstyle="steps-post")
ax.set xlabel("effective alpha")
ax.set_ylabel("total impurity of leaves")
ax.set title("Total Impurity vs effective alpha for training set")
plt.show()
```

Настройка параметров с помощью случайного поиска

```
# param distributions = {
      'ccp alpha': 0.0,
      'max depth': None,
#
      'max leaf nodes': None,
#
      'min impurity decrease': 0.0,
#
      'min_impurity_split': None,
#
      'min_samples_leaf': 1,
      'min samples split': 2,
      'min weight fraction_leaf': 0.0,
      'max features': 'auto'
# }
ccp alpha = list(np.round(np.linspace(0,0.8,4), decimals=3))
\max depth = list(range(25, 40, 5))
max_leaf_nodes = [None] + list(range(2,20))
min impurity decrease = list(np.linspace(0, 0.001, 4))
min samples leaf = [1,2,5,10,50] #list(range(1, 51, 10))
min samples split = [2,5,10,15,20,50,100] #list(range(10,100,10))
max features = ['auto', 'sqrt']
n = [500]
param distributions = {
    'ccp_alpha': ccp_alpha,
    'max depth': max depth,
    'max leaf nodes': max leaf nodes,
    'min impurity decrease': min impurity decrease,
    'min samples leaf': min samples leaf,
    'min_samples_split': min_samples_split,
    'max_features': max_features,
    'n estimators': n estimators
}
tuning_options = len(ccp_alpha) * len(max_depth) * len(max_leaf_nodes) *
len(min impurity decrease) * len(min samples leaf) * len(min samples split) *
len(max features) * len(n estimators)
print(tuning options)
randomSearch = RandomizedSearchCV(rfr, param distributions, cv=5, n jobs=-1,
random state=42, n iter=100)
randomSearch.fit(X train, y train)
print('Best score:', randomSearch.best score )
print('Best parameters:', randomSearch.best params )
rfrRCV models result = rfrmodelsummary('Baseline', X train, X test, y train,
y test, randomSearch.best estimator )
rfrRCV models result
randomSearch.fit(X train rfe, y train)
print('Best score:', randomSearch.best score )
print('Best parameters:', randomSearch.best params )
```

```
rfrRCV_models_result = rfrmodelsummary('Baseline', X_train_rfe, X_test_rfe,
y_train, y_test, randomSearch.best_estimator_)
rfrRCV_models_result

randomSearch.fit(X_train_sfm, y_train)
print('Best score:', randomSearch.best_score_)
print('Best parameters:', randomSearch.best_params_)

rfrRCV_models_result = rfrmodelsummary('Baseline', X_train_sfm, X_test_sfm,
y_train, y_test, randomSearch.best_estimator_)
rfrRCV_models_result
```

#Код определяет модель RFR с использованием библиотеки sklearn и выполняет различные операции, такие как проверка количества узлов в дереве, извлечение данных из дерева, вычисление нечистоты и обрезание дерева. Затем код определяет словарь гиперпараметров, которые будут настраиваться с помощью случайного поиска, создает объект RandomizedSearchCV для выполнения поиска и подгоняет модель RFR к обучающим данным. Наконец, код печатает лучший результат и лучшие параметры, найденные в результате поиска, а также вычисляет и печатает различные метрики для настроенной модели.

```
# Точная настройка параметров с поиском по сетке
\max depth = [23, 24, 25, 26, 27]
min impurity decrease = [0.0005]
min samples split = [14,15,16]
max features = ['sqrt']
min samples leaf = [3,4,5,6,7]
n = [500]
param grid = {
    'max depth': max depth,
    'min impurity decrease': min impurity decrease,
    'min samples split': min samples split,
    'max_features': max_features,
    'min samples leaf': min samples leaf,
    'n estimators': n estimators
}
tuning options = len(max depth) * len(min impurity decrease) *
len(min samples split) * len(max features) * len(min samples leaf) *
len(n estimators)
print(tuning options)
gridSearch = GridSearchCV(rfr, param grid, cv=5, n jobs=-1)
gridSearch.fit(X train, y train)
print('Best score:', gridSearch.best score )
print('Best parameters:', gridSearch.best params )
rfrGCV models result = rfrmodelsummary('Baseline', X train, X test, y train,
y test, gridSearch.best estimator )
```

```
rfrGCV models result
gridSearch.fit(X train rfe, y train)
print('Best score:', gridSearch.best score )
print('Best parameters:', gridSearch.best params )
rfrGCV models result = rfrmodelsummary('Baseline', X train rfe, X test rfe,
y train, y test, gridSearch.best estimator )
rfrGCV models result
# final winsorized
rf final wins = RandomForestRegressor(max depth=23, max features='sqrt',
min_impurity_decrease=0.0005, min samples leaf=3, min samples split=14,
n estimators=500, \
                                       random state=42, n jobs=-1)
rf final wins.fit(X train rfe, y train)
y pred rf = rf final wins.predict(X test rfe)
r2 training = rf final wins.score(X train rfe, y train)
adj r2 training = 1 - (1-r2 \text{ training}) * (len(y \text{ train})-1) / (len(y \text{ train})-1)
X train rfe.shape[1]-1)
r2 test = rf final wins.score(X test rfe, y test)
adj r2 test = 1 - (1-r2 \text{ test})*(len(y \text{ test})-1)/(len(y \text{ test})-1)
X test rfe.shape[1]-1)
print('training set: adjusted R2 score: %.4f' % adj r2 training)
print('test set: adjusted R2 score: %.4f' % adj r2 test)
print("training set: RMSE: %.4f" % np.sqrt(mean_squared_error(y_train,
rf final wins.predict(X_train_rfe))))
print("test set: RMSE: %.4f" % np.sqrt(mean squared error(y test,
y pred rf)))
feature imp = pd.DataFrame(sorted(zip(rf_final_wins.feature_importances_,
X_train.columns),reverse = True), columns=['Value','Feature'])
feature imp = feature imp[feature imp.Value != 0]
plt.figure(figsize=(10, 5))
sns.barplot(x="Value", y="Feature", data=feature imp.sort values(by="Value",
ascending=False))
plt.title('RFR Feature Importance')
plt.tight layout()
plt.show()
gridSearch.fit(X train sfm, y train)
print('Best score:', gridSearch.best_score_)
print('Best parameters:', gridSearch.best params )
rfrGCV models result = rfrmodelsummary('Baseline', X train sfm, X test sfm,
y train, y test, gridSearch.best estimator )
rfrGCV models result
```

```
rfr = RandomForestRegressor(random state=42, n jobs=-1)
def logrfrmodelsummary(name, X train, X test, y train, y test, model):
    model.fit(X train, y train)
    # training
    y_pred_train = model.predict(X train)
    # training metrics
    mse_train = mean_squared_error(np.expm1(y_train), np.expm1(y_pred_train))
    mse_train_wo_exp = mean_squared_error(y_train, y_pred_train)
    rmse train = np.sqrt(mse train)
    rsq_train = model.score(X_train, y_train)
    adjrsq\_train = 1 - (((len(y\_train)-1)/(len(y\_train)-X\_train.shape[1]-
1)) * (1-rsq train))
    # test
    y pred test = model.predict(X test)
    # test metrics
    mse_test = mean_squared_error(np.expm1(y_test), np.expm1(y_pred_test))
    mse test wo exp = mean squared error(y test, y pred test)
    rmse test = np.sqrt(mse test)
    rsq test = model.score(X_test, y_test)
    adjrsq test = 1 - (((len(y test)-1)/(len(y test)-X test.shape[1]-1))*(1-
rsq test))
    df model = pd.DataFrame({'model': [name],
                              'R2 train': [rsq train], 'R2 test': [rsq test],
                              'AdjR2 train': [adjrsq_train], 'AdjR2_test':
[adjrsq_test],
                              'MSE train': [mse train], 'MSE test':
[mse test],
                              'MSE train wo exp': [mse train wo exp],
'MSE test wo exp' : [mse test wo exp],
                              'RMSE train': [rmse train], 'RMSE test':
[rmse test] })
    return df_model
log rfr models result = logrfrmodelsummary('Baseline', X train log,
X test log, y train log, y test log, rfr)
log rfr models result
feature imp = pd.DataFrame(sorted(zip(rfr.feature importances ,
X train log.columns),reverse = True), columns=['Value','Feature'])
feature_imp = feature imp[feature imp.Value != 0]
plt.figure(figsize=(10, 5))
sns.barplot(x="Value", y="Feature", data=feature imp.sort values(by="Value",
ascending=False))
plt.title('RFR Feature Importance')
plt.tight_layout()
plt.show()
```

```
RFEselector = RFE(estimator=rfr, n features to select=7, step=1)
RFEselector.fit(X train log, y train log)
X train log.columns[RFEselector.get support()]
RFEselector.ranking
X train log.columns
X train rfe = RFEselector.transform(X train log)
X test rfe = RFEselector.transform(X test log)
rfe models result = logrfrmodelsummary('Baseline', X train rfe, X test rfe,
y_train_log, y_test_log, RFEselector)
rfe models result
SFMselector = SelectFromModel(estimator=rfr)
SFMselector.fit(X train log, y train log)
X train log.columns[SFMselector.get_support()]
X train sfm = SFMselector.transform(X train log)
X test sfm = SFMselector.transform(X test log)
sfm models result = logrfrmodelsummary('Baseline', X train sfm, X test sfm,
y_train_log, y_test_log, rfr)
sfm models result
# Информация, которая поможет с настройкой
print(rfr.estimators [5].tree .max depth) # check how many nodes in the
longest path
rfr.estimators [5].tree .n node samples # check how many samples in the last
nodes
# Extract data on single tree
rfr dict = {
    'id node': list(range(rfr.estimators [5].tree .node count)),
    'impurity': rfr.estimators [5].tree .impurity,
    'samples': rfr.estimators_[5].tree_.n_node_samples,
    'id_left_child': rfr.estimators_[5].tree_.children_left,
    'id_right_child': rfr.estimators_[5].tree_.children_right
}
impurity df = pd.DataFrame(rfr dict)
print(impurity df.shape)
impurity df.head(10)
```

Вычислить $min_impurity_decrease$ минимального значения

```
impurity df['impurity decrease'] = np.nan
samples total = rfr.estimators [5].tree .node count
for idx in impurity df.index[1:]: # skip the first node, there aren't any
splits prior to it
    if impurity df.iloc[idx]['id left child'] == -1:
        continue # we can't calculate impurity decrease for leaf nodes, as
they no longer split
    else:
        impurity P, samples P = impurity df.iloc[idx][['impurity',
'samples']]
        id L, id R = impurity df.iloc[idx][['id left child',
'id right child']].astype(int)
        impurity L, samples L = impurity df.iloc[id L][['impurity',
'samples']]
        impurity R, samples R = impurity df.iloc[id R][['impurity',
'samples']]
        impurity decrease = samples P / samples total * (
            impurity P - samples R / samples P * impurity R -
            samples L / samples P * impurity L
        impurity df.at[idx, 'impurity_decrease'] = impurity_decrease
impurity df['impurity decrease'].plot(kind='hist', bins=50)
impurity df['impurity decrease'].describe() # 75% of values for impurity
decrease lie below 0.000; use this as upper-bound for param
path = rfr.estimators_[5].cost_complexity_pruning_path(X_train_log,
y train log)
ccp alphas, impurities = path.ccp alphas, path.impurities
fig, ax = plt.subplots(figsize=(13,5))
# корневой узел дерева (индексированный с помощью [:-1]) исключается из
анализа, так как без него не было бы дерева
ax.plot(ccp alphas[:-1], impurities[:-1], marker='o', drawstyle="steps-post")
ax.set xlabel("effective alpha")
ax.set ylabel("total impurity of leaves")
ax.set title("Total Impurity vs effective alpha for training set")
plt.show()
```

GridSearchCV использует для настройки гиперпараметров модели RandomForestRegressor. Скрипт определяет набор гиперпараметров для модели и затем создает сетку параметров, которая включает все возможные комбинации значений гиперпараметров. Скрипт выводит количество вариантов настройки, которые будут исследоваться, а затем подгоняет объект GridSearchCV к тренировочным данным. После подгонки скрипт выводит лучший результат и лучшие параметры, найденные GridSearchCV. Затем скрипт подгоняет модель RandomForestRegressor к данным с использованием лучших гиперпараметров, найденных GridSearchCV, и выводит метрики оценки модели, включая скорректированный R-квадрат, среднеквадратическую ошибку (RMSE) и важность признаков. Скрипт повторяет этот процесс с тремя различными наборами признаков: исходным набором признаков, уменьшенным набором признаков, полученным с помощью рекурсивного отбора признаков, и уменьшенным набором признаков, полученным с помощью объекта SelectFromModel для отбора признаков.

```
# Настройка параметров с помощью случайного поиска
# param distributions = {
      'ccp alpha': 0.0,
#
      'max depth': None,
      'max leaf nodes': None,
      'min impurity decrease': 0.0,
#
      'min impurity split': None,
      'min samples leaf': 1,
#
#
      'min_samples_split': 2,
      'min_weight_fraction_leaf': 0.0,
      'max features': 'auto'
# }
ccp alpha = list(np.round(np.linspace(0,0.8,4), decimals=3))
\max depth = list(range(25, 40, 5))
max_leaf_nodes = [None] + list(range(2,20))
min impurity decrease = [0]
min samples leaf = [1,2,5,10,50] #list(range(1, 51, 10))
min samples split = [2,5,10,15,20,50,100] #list(range(10,100,10))
max features = ['auto', 'sqrt']
n = [500]
param distributions = {
    'ccp_alpha': ccp_alpha,
    'max depth': max depth,
    'max_leaf_nodes': max_leaf_nodes,
    'min_impurity_decrease': min_impurity_decrease,
    'min samples leaf': min samples leaf,
    'min samples split': min samples split,
    'max_features': max_features,
    'n estimators': n estimators
}
tuning options = len(ccp alpha) * len(max depth) * len(max leaf nodes) *
len(min impurity decrease) * len(min samples leaf) * len(min samples split) *
len(max features) * len(n estimators)
print(tuning options)
randomSearch = RandomizedSearchCV(rfr, param distributions, cv=5, n jobs=-1,
random state=42, n iter=100)
randomSearch.fit(X train log, y train log)
print('Best score:', randomSearch.best score )
print('Best parameters:', randomSearch.best params )
rfrRCV models result = logrfrmodelsummary('Baseline', X train log,
X_test_log, y_train_log, y test log, randomSearch.best estimator )
rfrRCV models result
randomSearch.fit(X train rfe, y train log)
print('Best score:', randomSearch.best score )
```

```
print('Best parameters:', randomSearch.best params )
rfrRCV models result = logrfrmodelsummary('Baseline', X train rfe,
X test rfe, y train log, y test log, randomSearch.best estimator )
rfrRCV models result
randomSearch.fit(X train sfm, y train log)
print('Best score:', randomSearch.best score )
print('Best parameters:', randomSearch.best params )
rfrRCV models result = logrfrmodelsummary('Baseline', X train sfm,
X_test_sfm, y_train_log, y_test_log, randomSearch.best_estimator_)
rfrRCV_models_result
# Точная настройка параметров с поиском по сетке
\max depth = [28, 29, 30, 31, 32]
min impurity decrease = [0]
min samples split = [8, 9, 10, 11, 12]
max features = ['auto']
min_samples_leaf = [2,3,4]
n = [500]
param grid = {
    'max depth': max depth,
    'min impurity decrease': min impurity decrease,
    'min samples split': min samples split,
    'max features': max features,
    'min samples leaf': min samples leaf,
    'n estimators': n estimators
}
tuning options = len(max depth) * len(min impurity decrease) *
len(min samples split) * len(max features) * len(min samples leaf) *
len(n estimators)
print(tuning options)
gridSearch = GridSearchCV(rfr, param grid, cv=5, n jobs=-1)
gridSearch.fit(X train log, y train log)
print('Best score:', gridSearch.best score )
print('Best parameters:', gridSearch.best params )
rfrGCV models result = logrfrmodelsummary('Baseline', X train log,
X_test_log, y_train_log, y_test_log, gridSearch.best_estimator_)
rfrGCV models result
# final log
rf final log = RandomForestRegressor(max depth=28, max features='auto',
min impurity decrease=0, min samples leaf=4, min samples split=12,
n estimators=500, \
```

```
random state=42, n jobs=-1)
rf final log.fit(X train log, y train log)
y pred rf log = rf final log.predict(X test log)
r2 training = rf final log.score(X train log, y train log)
adj r2 training = 1 - (1-r2 \text{ training}) * (len(y \text{ train log}) - 1) / (len(y \text{ train log}) - 1)
X train log.shape[1]-1)
r2 test = rf final log.score(X test log, y test log)
adj r2 test = 1 - (1-r2 \text{ test}) * (\text{len}(y \text{ test log}) - 1) / (\text{len}(y \text{ test log}) - 1)
X test log.shape[1]-1)
print('training set: adjusted R2 score: %.4f' % adj r2 training)
print('test set: adjusted R2 score: %.4f' % adj_r2_test)
print("training set: RMSE: %.4f" % np.sqrt(mean_squared_error(y_train_log,
rf final log.predict(X_train_log))))
print("test set: RMSE: %.4f" % np.sqrt(mean squared error(y test log,
y pred rf log)))
feature imp = pd.DataFrame(sorted(zip(rf final log.feature importances ,
X train log.columns),reverse = True), columns=['Value','Feature'])
feature imp = feature imp[feature imp.Value != 0]
plt.figure(figsize=(10, 5))
sns.barplot(x="Value", y="Feature", data=feature imp.sort values(by="Value",
ascending=False))
plt.title('RFR Feature Importance')
plt.tight_layout()
plt.show()
gridSearch.fit(X train rfe, y train log)
print('Best score:', gridSearch.best score )
print('Best parameters:', gridSearch.best params )
rfrGCV models result = logrfrmodelsummary('Baseline', X train rfe,
X test rfe, y train log, y test log, gridSearch.best estimator )
rfrGCV models result
gridSearch.fit(X train sfm, y train log)
print('Best score:', gridSearch.best score )
print('Best parameters:', gridSearch.best params )
rfrGCV models result = logrfrmodelsummary('Baseline', X train sfm,
X test sfm, y train log, y test log, gridSearch.best estimator )
rfrGCV models result
```

#Примечание: Приведенный выше код регрессии случайного леса также тестировался при следующих условиях -

1. Удалены оценка и рейтингование перед вычислением корреляций, поскольку они были неуместны или избыточны по отношению к другим переменным

2. Уменьшенный общий набор данных (всего ~5 тыс.) с удалением всех пропущенных значений и включением isFemale_lead, isFemale_support, isFemale_director

GradientBoostingRegressor

```
from sklearn.feature selection import RFE
from sklearn.ensemble import GradientBoostingRegressor
### Select features - RFE
GB = GradientBoostingRegressor()
rfe = RFE(estimator=GB, n features to select=25)
fit = rfe.fit(X, y)
#print("Num Features: %s" % (fit.n_features_))
#print("Selected Features: %s" % (fit.support ))
#print("Feature Ranking: %s" % (fit.ranking ))
#print(X.columns)
selected feature RFE = []
for x,y in zip(fit.ranking ,X.columns):
    if x == 1:
        selected feature RFE.append(y)
selected feature RFE
### Select features - VIF
from statsmodels.stats.outliers influence import variance inflation factor
# VIF dataframe
vif data = pd.DataFrame()
vif data["feature"] = X.columns
# calculating VIF for each feature
vif data["VIF"] = [variance inflation factor(X.values, i)
                           for i in range(len(X.columns))]
vif_data = vif_data.sort_values(by = 'VIF', ascending=True)
vif data
selected feature VIF = vif data.feature[:25]
#Градиентный ускоряющий регрессор
from sklearn.ensemble import GradientBoostingRegressor
from sklearn.metrics import r2 score, mean squared error
GBR = GradientBoostingRegressor()
GBR.fit(X train GB, y train GB)
y pred GB = GBR.predict(X test GB)
r2 training = GBR.score(X train GB, y train GB)
adj r2 training = 1 - (1-r2 \text{ training}) * (len(y \text{ train GB}) - 1) / (len(y \text{ train GB}) - 1)
X train GB.shape[1]-1)
r2 test = GBR.score(X test GB, y test GB)
```

```
adj r2 test = 1 - (1-r2 \text{ test}) \star (\text{len}(\text{y test GB}) - 1) / (\text{len}(\text{y test GB}) - 1)
X test GB.shape[1]-1)
print('training set: adjusted R2 score: %.4f' % adj r2 training)
print('test set: adjusted R2 score: %.4f' % adj r2 test)
print("training set: RMSE: %.4f" % np.sqrt(mean squared error(y train GB,
GBR.predict(X train GB))))
print("test set: RMSE: %.4f" % np.sqrt(mean squared error(y test GB,
y pred GB)))
X train GB.columns
param test1 = {'n estimators': [590,610,630,670,720,750],'learning rate':
[0.01,0.02]}
#from sklearn.model selection import GridSearchCV
GBR = GradientBoostingRegressor(max depth=6, subsample=0.5, random state = 1)
#starting values
grid GBR = GridSearchCV(estimator=GBR, param grid = param test1, cv = 3,
n jobs=-1)
grid_GBR.fit(X_train_GB, y_train_GB)
print("\n The best estimator across ALL searched
params:\n",grid GBR.best estimator )
print("\n The best score across ALL searched params:\n",grid GBR.best score )
param test2 = {'min samples split':range(5,20),
'min samples leaf':range(2,20,5)}
GBR2 = GradientBoostingRegressor(max depth=6,
subsample=0.5,learning rate=0.01,n estimators=610)
grid GBR2 = GridSearchCV(estimator=GBR2, param grid = param test2, cv = 3,
n_jobs=-1)
grid GBR2.fit(X train GB, y train GB)
print("\n The best estimator across ALL searched
params:\n",grid GBR2.best estimator )
print("\n The best score across ALL searched
params:\n",grid GBR2.best score )
param test3 = {'max depth': [6,8,12,20,25], 'subsample': [0.9, 0.5, 0.4, 0.3]}
GBR3 =
GradientBoostingRegressor(learning rate=0.01,n estimators=610,min samples spl
it=10,\
                                 min samples leaf = 17)
grid_GBR3 = GridSearchCV(estimator=GBR3, param_grid = param_test3, cv = 3,
n jobs=-1)
grid_GBR3.fit(X_train_GB, y_train_GB)
print("\n The best estimator across ALL searched
params:\n",grid GBR3.best estimator )
print("\n The best score across ALL searched
params:\n",grid_GBR3.best_score_)
```

```
# Final Test
import math
from sklearn.metrics import r2 score, mean squared error
GBR 4 = GradientBoostingRegressor(learning rate=0.01, max depth=6,
min samples leaf=17,
                           min samples split=10, n estimators=610,
                           subsample=0.5,loss = 'squared error')
GBR 4.fit(X train GB, y train GB)
y pred = GBR 4.predict(X test GB)
r2 training = GBR 4.score(X train GB, y train GB)
adj_r2_training = 1 - (1-r2_training)*(len(y_train_GB)-1)/(len(y_train_GB)-1)
X_train_GB.shape[1]-1)
r2_test = GBR_4.score(X_test_GB, y_test_GB)
adj r2 test = 1 - (1-r2 \text{ test}) * (len(y \text{ test GB}) - 1) / (len(y \text{ test GB}) - 1)
X test GB.shape[1]-1)
print('training set: adjusted R2 score: %.4f' % adj r2 training)
print('test set: adjusted R2 score: %.4f' % adj r2 test)
print("training set: RMSE: %.4f" % np.sqrt(mean squared error(y train GB,
GBR 4.predict(X train GB))))
print("test set: RMSE: %.4f" % np.sqrt(mean squared error(y test GB,
y pred)))
feature imp = pd.DataFrame(sorted(zip(GBR 4.feature importances ,
X train GB.columns), reverse = True), columns=['Value', 'Feature'])
feature imp = feature imp[feature imp.Value != 0]
plt.figure(figsize=(10, 6))
sns.barplot(x="Value", y="Feature", data=feature imp.sort values(by="Value",
ascending=False))
plt.title('GradientBoosting Feature Importance')
plt.tight layout()
plt.show()
param test1 = {'n estimators': [550,650,700,750,800],'learning rate':
[0.01,0.02]}
GBR = GradientBoostingRegressor(max depth=6, subsample=0.5, random state = 1)
grid GBR = GridSearchCV(estimator=GBR, param grid = param test1, cv = 2,
n jobs=-1)
grid_GBR.fit(X_train_log, y_train_log)
print("\n The best estimator across ALL searched
params:\n",grid GBR.best estimator )
print("\n The best score across ALL searched params:\n",grid GBR.best score )
param test2 = {'min samples split':range(10,20),
'min samples leaf':range(2,20,5)}
GBR2 = GradientBoostingRegressor(max depth=6,
subsample=0.5,learning rate=0.01,n estimators=650)
grid GBR2 = GridSearchCV(estimator=GBR2, param grid = param test2, cv = 2,
n jobs=-1)
```

```
grid GBR2.fit(X train log, y train log)
print("\n The best estimator across ALL searched
params:\n",grid GBR2.best estimator )
print("\n The best score across ALL searched
params:\n",grid GBR2.best score )
param test3 = {'max depth':[3,4,5,6,8,12],'subsample': [0.9, 0.5, 0.4, 0.3]}
GradientBoostingRegressor(learning rate=0.01,n estimators=650,min samples spl
it=7, \setminus
                                 min samples leaf = 14)
grid GBR3 = GridSearchCV(estimator=GBR3, param grid = param test3, cv = 2,
n jobs=-1)
grid_GBR3.fit(X_train_log, y_train_log)
print("\n The best estimator across ALL searched
params:\n",grid GBR3.best estimator )
print("\n The best score across ALL searched
params:\n",grid GBR3.best score )
GBR log = GradientBoostingRegressor(learning rate=0.01, max depth=6,
min samples leaf=14,
                           min_samples_split=7, n_estimators=650,
subsample=0.5,loss = 'squared error')
GBR log.fit(X train log, y train log)
y pred log = GBR log.predict(X test log)
r2_training = GBR_log.score(X_train_log, y_train_log)
adj r2 training = 1 - (1-r2 \text{ training}) * (len(y \text{ train log}) - 1) / (len(y \text{ train log}) - 1)
X train log.shape[1]-1)
r2 test = GBR log.score(X test log, y test log)
adj r2 test = 1 - (1-r2 \text{ test}) * (len(y \text{ test log}) - 1) / (len(y \text{ test log}) - 1)
X test log.shape[1]-1)
print('training set: adjusted R2 score: %.4f' % adj r2 training)
print('test set: adjusted R2 score: %.4f' % adj r2 test)
print("training set RMSE(back transformed): %.4f" %
np.sqrt(mean squared error(np.expm1(y train log),
np.expm1(GBR_log.predict(X_train_log)))))
print("test set RMSE(back transformed): %.4f" %
np.sqrt(mean squared error(np.expm1(y test log), np.expm1(y pred log))))
print("training set RMSE: %.4f" % np.sqrt(mean squared error(y train log,
GBR log.predict(X train log))))
print("test set RMSE: %.4f" % np.sqrt(mean squared error(y test log,
y pred log)))
feature imp = pd.DataFrame(sorted(zip(GBR log.feature importances ,
X train log.columns), reverse = True), columns=['Value', 'Feature'])
feature imp = feature imp[feature imp.Value != 0]
plt.figure(figsize=(10, 6))
sns.barplot(x="Value", y="Feature", data=feature imp.sort values(by="Value",
ascending=False))
plt.title('GradientBoosting Feature Importance')
```

```
plt.tight_layout()
plt.show()
```

#Сначала импортируются необходимые библиотеки для разделения данных на обучающую и тестовую выборки, масштабирования данных, создания и обучения модели случайного леса, а также для выбора наиболее важных признаков. Далее, данные разделяются на обучающую и тестовую выборки, затем применяются функции масштабирования StandardScaler и MinMaxScaler для стандартизации и нормализации данных. Затем функции rfrmodelsummary и plotrfr используются для создания отчета по метрикам производительности модели (таким как R2, MSE, RMSE) и построения графика фактических и предсказанных значений для обучающей и тестовой выборок. Далее, используется метод Recursive Feature Elimination (RFE) для выбора наиболее важных признаков для модели. В конце кода используется функция для визуализации важности признаков в модели.

```
y_pred_gbm_train = GBR_4.predict(X_train)
y_pred_xgbr_train = np.expm1(xgbr_log.predict(X_train))

y_pred_avg_train = (y_pred_gbm_train + y_pred_xgbr_train)/2
np.sqrt(mean_squared_error(y_train, y_pred_avg_train))

y_pred_gbm = y_pred
y_pred_xgbr = np.expm1(y_pred_log)

y_pred_avg = (y_pred_gbm + y_pred_xgbr)/2
np.sqrt(mean squared error(y test, y pred avg))
```

#Здесь использует две модели, Gradient Boosting Regressor (GBR) и Extreme Gradient Boosting Regressor (XGBR), для предсказания целевой переменной как для обучающей, так и для тестовой выборок. Предсказанные значения от обеих моделей усредняются, а затем вычисляется среднеквадратичное отклонение (RMSE) между реальными и предсказанными значениями для обучающей и тестовой выборок. RMSE является распространенной метрикой для оценки производительности моделей регрессии, и меньшие значения указывают на лучшую производительность модели.