



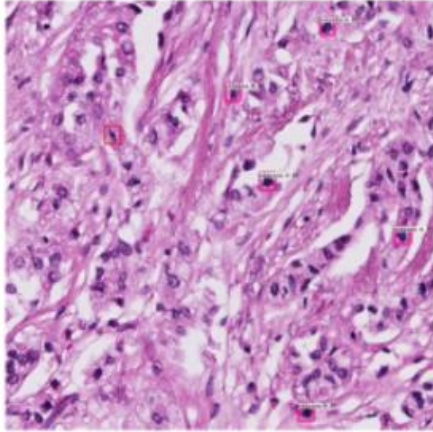
西北大学

智能信息系统综合实践 实验报告

题	目：	<u>目标检测</u>
年	级：	<u>2020 级</u>
专	业：	<u>软件工程</u>
学	号：	<u>2020118035</u>
姓	名：	<u>王凯</u>

一、题目

有丝分裂细胞检测



提供数据集

训练集：313张图像

测试集：80张图像

标注格式：.xml，可再提供xml转为txt/csv的代码
(这三种格式几乎支持开源你的目标检测程序)

代码：

提供Faster RCNN代码（包含数据预处理、训练、测试、指标计算），tensorflow

目标：

请在测试集中达到更好的结果
AP, recall

二、解题步骤

【算法分析】

1. 目标检测任务是找出图像中所有感兴趣的目标（物体），确定它的类别和位置，是计算机视觉领域的核心问题之一。基于深度学习的目标检测算法主要分为两类：Two stage 和 One stage。前者先进行区域生成，再通过卷积神经网络进行样本分类，常见的算法有 R-CNN、SPP-Net、Fast R-CNN、Faster R-CNN 和 R-FCN 等；而后者不用区域生成，直接在网络中提取特征来预测物体分类和位置，常见的算法有 YOLO 系列、SSD 等。

2. 在本实验中我选择使用 Faster R-CNN 模型。Fast R-CNN 中使用 Selective Search 进行区域生成，耗时较大，而 Faster R-CNN 使用 RPN（建议区域生成）网络进行改进，大大减少区域生成的时间。

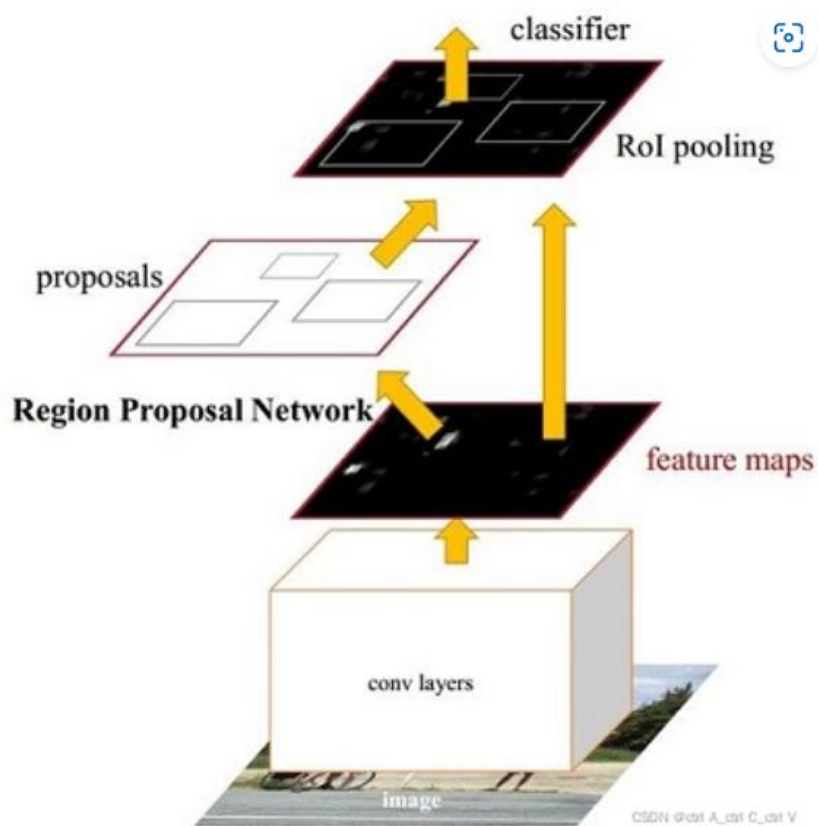
3. 算法流程：

（1）将图像输入网络得到相应的特征图。

（2）使用 RPN 网络生成候选框，将 RPN 生成的候选框投影到特征图上获得 ROI 区域的特征矩阵。

(3)将每个 ROI 区域的特征矩阵通过 ROI pooling 层缩放到 7×7 大小的特征图，接着将特征图展平为 vector，之后通过一系列全连接层得到预测结果。

4. Faster RCNN 的基本结构：



5. Faster RCNN 的基本架构

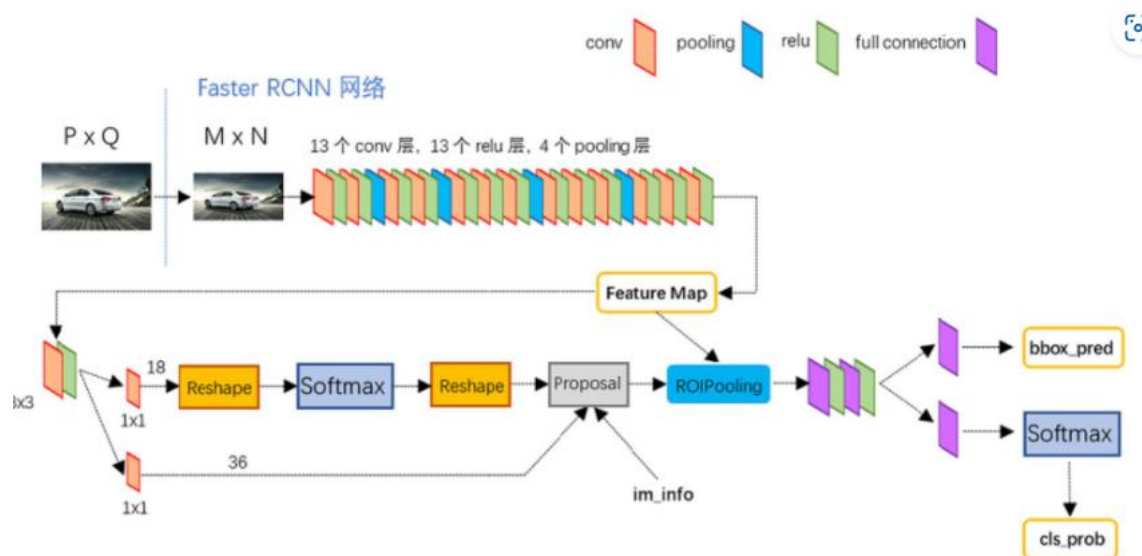
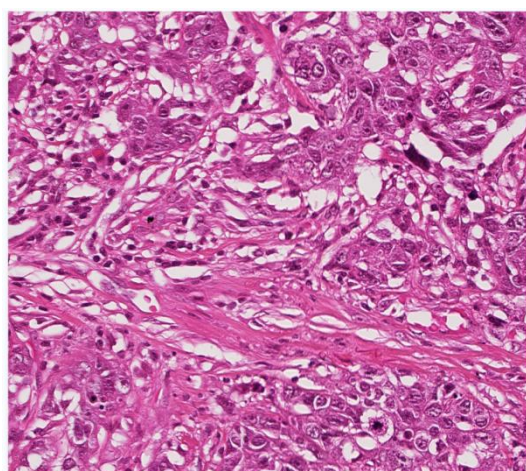


图2 faster_rcnn_test.pt网络结构 (pascal_voc/VGG16/faster_rcnn_alt_opt/faster_rcnn_test.pt)

【数据集分析】

1. 本次实验所给数据集为有丝分裂细胞数据集，包含训练集和测试集，训练集中有 313 个样本，测试集中有 80 个样本，每个样本包含一个 img 图像文件和一个 xml 注释文件。



```
<object>
  <name>mitosis</name>
  <pose>Unspecified</pose>
  <truncated>0</truncated>
  <difficult>0</difficult>
  <bndbox>
    <xmin>834</xmin>
    <ymin>938</ymin>
    <xmax>894</xmax>
    <ymax>998</ymax>
  </bndbox>
</object>
```

2. 每个图像尺寸为 3*1663*1485，其中含有多个细胞，本次实验目标就是识别其中的有丝分裂细胞。
3. xml 注释文件是对应图像中标注物体的信息，包括边界框位置、类别标签等，因为本次实验任务是识别图像中的有丝分裂细胞，目标物体只有一类，所以我们主要关注其中的<bndbox>标签，它里边的四个属性构成了有丝分裂细胞的边界框。

【解题思路】（代码有点多，只显示函数申明和部分关键代码）

1. 自定义一个 CellDataset 类，继承 Dataset 类，修改其中的__len__和__getitem__方法，用来表示有丝分裂细胞数据集。

```
class CellDataset(torch.utils.data.Dataset):
    def __init__(self, root, phase):
        self.root = root
        self.phase = phase
        self.images = []
        self.annotations = []
```

```
    def __len__(self):
        return len(self.images)
```

```

def __getitem__(self, idx):
    # 读取图像和注释文件
    image_path = self.images[idx]
    annotation_path = self.annotations[idx]
    image = Image.open(image_path)
    # 将图像转换为 PyTorch 张量
    transform = transforms.ToTensor()
    image = transform(image)

```

2. 定义模型训练的超参数，因为本次实验中目标物体只有一类，所以设计的 `num_classes=2`，对应 mitosis 和背景。使用自定义的 `CellDataset` 表示细胞数据集，然后使用创建对应的 `train_loader` 和 `test_loader`，对训练集和测试集批量处理。创建 Faster RCNN 模型和 SGD 优化器并对模型进行训练，本实验使用 `torchvision.models.detection` 中预训练的 `fasterrcnn_resnet50_fpn` 模型，减少训练时间，且能减弱数据集较小对模型性能的影响。（模型只训练了一次，训练了 50 个 epoch，并未进行参数调优，故模型性能一般，后续得到的指标并不高）

```

# 定义一些超参数
dataset_root = "E:/Data/object detection/data"
num_classes = 2 # mitosis和背景
batch_size = 1
num_epochs = 10
lr = 0.005

# 加载数据集
train_dataset = CellDataset(dataset_root, "train")
test_dataset = CellDataset(dataset_root, "test")
train_loader = DataLoader(train_dataset, batch_size=batch_size, shuffle=False)
test_loader = DataLoader(test_dataset, batch_size=batch_size, shuffle=False)

# 创建模型和优化器
model = get_model(num_classes)
optimizer = torch.optim.SGD(model.parameters(), lr=lr, momentum=0.9, weight_decay=0.0001)

# 设置设备
device = torch.device("cuda" if torch.cuda.is_available() else "cpu")
model.to(device)

```



```

# 训练模型
start_time = time.time()
num_epochs = 50
for epoch in range(num_epochs):
    model.train()
    for images, targets in train_loader:
        images = list(image.to(device) for image in images)
        targets = [{k: v.to(device) for k, v in t.items()} for t in targets]

        optimizer.zero_grad()
        loss_dict = model(images, targets)
        losses = sum(loss for loss in loss_dict.values())
        losses.backward()
        optimizer.step()
        print(f'Epoch {epoch + 1}, Loss: {losses.item()}')
    end_time = time.time()
    torch.save(model.state_dict(), "cell_detection_model_2.pth")

```

3. 利用训练模型对单张图片 H03_00Ad.png 进行预测并绘制边框。使用 cv2.imread() 对应路径下的读取图像文件，使用训练的模型对图片进行预测得到对应的 output，该输出包含对该图片预测的物体对应的的边界框 boxes、置信度 scores 以及标签 labels。使用 output['boxes'] 得到所有边界框，使用 cv2.rectangle 绘制那些 score>0.5 的边界框（score 大于 0.5 的视为正样本，反之则为负样本），并输出标签和置信度，最后保存含边界框的图像。

```

# 对图像进行预测，并绘制边界框，显示类别和置信度
def predict_draw_boxes(path, name):

    boxes = output['boxes'].cpu().detach().numpy()
    scores = output['scores'].cpu().detach().numpy()
    labels = output['labels'].cpu().detach().numpy()

    for j in range(len(boxes)):
        box = boxes[j]
        score = scores[j]
        label = labels[j]

        if score < 0.5:
            continue

        x1, y1, x2, y2 = box
        cv2.rectangle(image, (int(x1), int(y1)), (int(x2), int(y2)), (0, 0, 0))

        label_str = f"mitosis, {score:.2f}"
        cv2.putText(image, label_str, (int(x1), int(y1) - 10), cv2.FONT_HERSHEY_SIMPLEX, 0.5, (0, 0, 0))

    cv2.imwrite(f"{name}_with_rectangle.jpg", image)

```

```
predict_draw_boxes("E:/Data/object detection/data/test/img/H03_00Ad.png",
<bndbox>
<xmin>1320</xmin>
<ymin>1266</ymin>
<xmax>1380</xmax>
<ymin>1266</ymin>
<ymax>1326</ymax>
</bndbox>
</object>
<bndbox>
<xmin>178</xmin>
<ymin>1258</ymin>
<xmax>238</xmax>
<ymin>1258</ymin>
<ymax>1318</ymax>
</bndbox>
<bndbox>
<xmin>1510</xmin>
<ymin>188</ymin>
<xmax>1570</xmax>
<ymin>188</ymin>
<ymax>248</ymax>
</bndbox>
```

图 1 H03_00Ad.png 的真实边界框

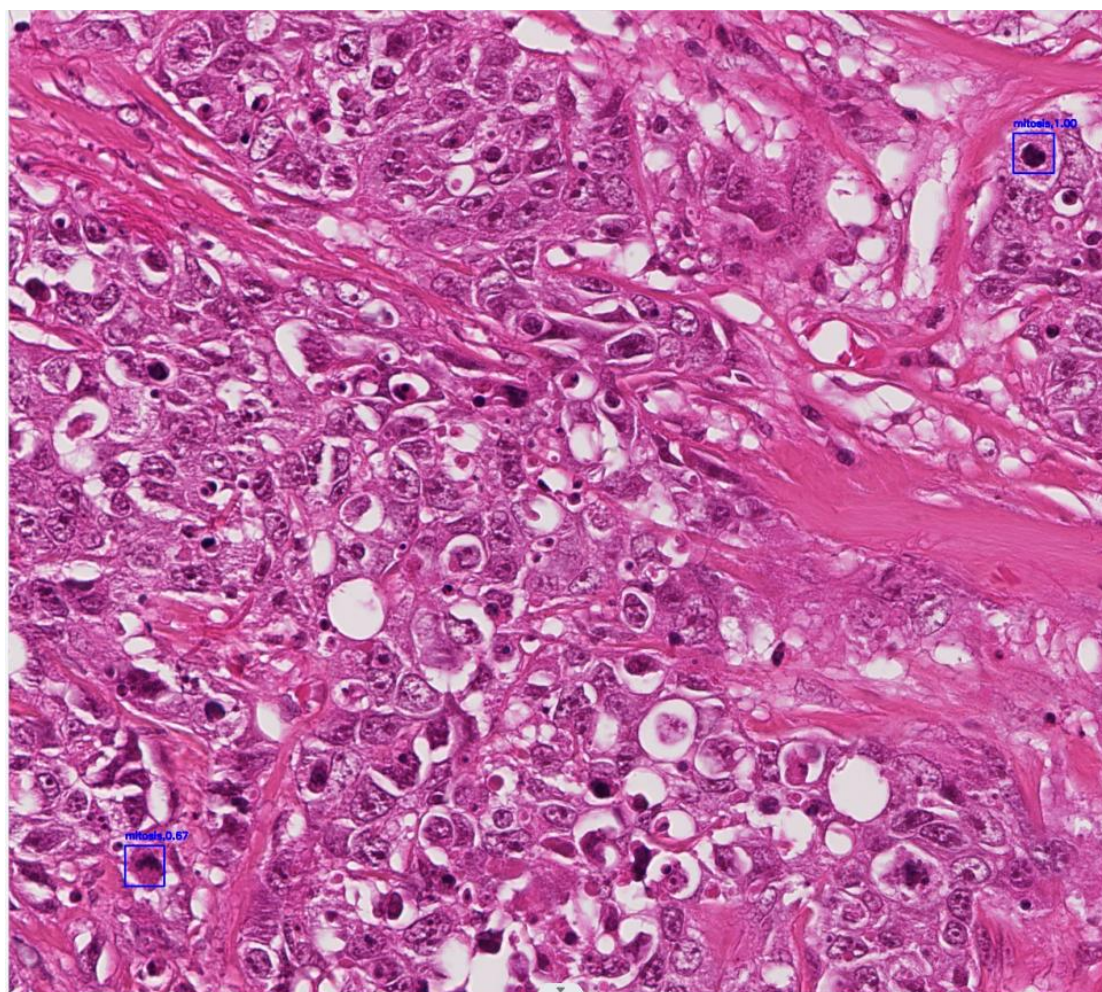


图 2 H03_00Ad.png 的预测结果

对比图 1 和图 2，我们可以看出三个真实边界框，模型预测出了后两个边界框，且位置较准确，第一个边界框模型没有预测出，这可能是因为数据集太小，模型训练不够充分造成的。

4. 计算 Precision 和 recall，对模型进行评估。使用训练的模型对测试集进行

预测，设置交并比阈值 `iou_threshold` 和置信度阈值 `score_threshold`，图片预测结果中 `score >= score_threshold` 的边界框视为正例，反之为负例。因为 `precision` 是预测的正例中真正的正例的占比，而 `recall` 为真正的正例中预测出的正例的占比，二者一个从预测结果出发，一个从真实值出发，故从两个角度分别计算：

对每个预测框，求它与所有真实框的交并比，取其中的最大值为 `max_iou`。

按下述规则计算 `precision=TP/(TP+FP)`：

- (1) 若 `score >= score_threshold` and `max_iou >= iou_threshold`，则该预测框为真阳 TP；
- (2) 若 `score >= score_threshold` and `max_iou < iou_threshold`，则该预测框为假阳 FP。

对每个真实框，求它与所有预测框的交并比，取其中的最大值为 `max_iou`。

按下述规则计算 `recall=TP/(TP+FN)`：

- (3) 若 `score >= score_threshold` and `max_iou >= iou_threshold`，则该预测框为真阳 TP；
- (4) 若 `score < score_threshold` and `max_iou >= iou_threshold`，则该预测框为假阳 FN。

```
# 对测试集进行预测
preds = []
targs = []
model.eval()
i = 0
with torch.no_grad():
    for images, targets in test_loader:
        if i==4:
            break
        images = [image.to(device) for image in images]
        targets = [{k: v.to(device) for k, v in t.items()} for t in targets]
        outputs = model(images)
        preds.append(outputs[0])
        targs.append(targets[0])
```



```
def calculate_iou(bboxes1, bboxes2):
    """
    计算两组框之间的IoU值

    参数:
    - bboxes1: 第一组框, 形状为(N, 4), 其中N表示框的数量, 每个框由(xmin, ymin, xmax, ymax)表示
    - bboxes2: 第二组框, 形状为(M, 4), 其中M表示框的数量, 每个框由(xmin, ymin, xmax, ymax)表示

    返回:
    - ious: IoU值, 形状为(N, M), 表示第一组框和第二组框之间的IoU值
    """
    # 计算两组框的面积
    area_bboxes1 = (bboxes1[:, 2] - bboxes1[:, 0]) * (bboxes1[:, 3] - bboxes1[:, 1])
    area_bboxes2 = (bboxes2[:, 2] - bboxes2[:, 0]) * (bboxes2[:, 3] - bboxes2[:, 1])

    # 计算两组框的交集的坐标
    x_min = torch.max(bboxes1[:, 0].unsqueeze(1), bboxes2[:, 0].unsqueeze(0))
    y_min = torch.max(bboxes1[:, 1].unsqueeze(1), bboxes2[:, 1].unsqueeze(0))
    x_max = torch.min(bboxes1[:, 2].unsqueeze(1), bboxes2[:, 2].unsqueeze(0))
    y_max = torch.min(bboxes1[:, 3].unsqueeze(1), bboxes2[:, 3].unsqueeze(0))

    # 计算交集的面积
    intersection_area = torch.clamp(x_max - x_min, min=0) * torch.clamp(y_max - y_min, min=0)

    # 计算并集的面积
    union_area = area_bboxes1.unsqueeze(1) + area_bboxes2.unsqueeze(0) - intersection_area

    # 计算IoU值
    ious = intersection_area / union_area
    return ious.cpu()
```

```
def compute_precision_recall(predictions, targets, score_threshold=0.5, iou_threshold=0.5):
    """
    计算查准率和召回率

    参数:
    - predictions: 预测结果, 包括检测框坐标、类别标签和置信度
    - targets: 标注信息, 包括真实框坐标和类别标签
    - score_threshold: 得分阈值, 大于或等于阈值, 预测为正样本, 反之为负样本
    - iou_threshold: IoU (Intersection over Union) 阈值, 用于判断检测结果是否有效

    返回:
    - precision: 查准率
    - recall: 召回率
    """
```

```

# 遍历每个预测结果, 计算precision
for prediction, target in zip(predictions, targets):
    predicted_boxes = prediction['boxes'] # 预测框坐标
    scores = prediction['scores']
    ious = calculate_iou(predicted_boxes, target['boxes'])
    # 根据score_threshold和iou_threshold计算TP, FP, FN
    for j in range(len(predicted_boxes)):
        # 预测为正样本, 实际为正样本, TP++
        if np.max(ious[j].numpy()) >= iou_threshold and scores[j] >= score_threshold:
            true_positives += 1
        # 预测为正样本, 实际为负样本, FP++
        elif np.max(ious[j].numpy()) < iou_threshold and scores[j] >= score_threshold:
            false_positives += 1

# 遍历每个真实框, 计算recall
for prediction, target in zip(predictions, targets):
    true_boxes = target['boxes'] # 预测框坐标
    scores = prediction['scores']
    ious = calculate_iou(true_boxes, prediction['boxes'])
    # 根据score_threshold和iou_threshold计算TP, FP, FN
    for j in range(len(true_boxes)):
        # 预测为正样本, 实际为正样本, TP++
        a = ious[j].numpy()
        if a.size==0:
            continue
        indice = np.argmax(a)
        if a[indice] >= iou_threshold and scores[indice] >= score_threshold:
            true_positives += 1
        # 预测为负样本, 实际为正样本
        elif a[indice] < iou_threshold and scores[indice] < score_threshold:
            false_negatives += 1

```

5. 创建一组从0.1到1,间隔为0.01的数据作为置信度阈值 score_thresholds, 默认交并比阈值 iou_threshold 为 0.5, 利用 compute_precision_recall() 计算在不同置信度阈值下的 precision 和 recall, 绘制查准率曲线、查全率曲线以及查准率-查全率曲线。

```

def plot_pr_curves(preds, targs):
    """
    计算不同得分阈值对应的P和R值, 绘制查准率曲线、查全率曲线和查准率-查全率曲线

    参数:
    - preds: 是对每个图片的预测值列表, 包括边框, 得分, 标签
    - targs: 是每个图片的真实值列表

    返回:
    - pres: 查准率列表
    - recs: 查全率列表
    """
    # 得分阈值列表
    score_thresholds = np.arange(0.1, 1, step=0.01).tolist()

```

```

# 调整得分阈值, 计算对应查准率和查全率
pres = []
recs = []
for score_threshold in score_thresholds:
    pre, rec = compute_precision_recall(preds, targs, score_threshold)
    pres.append(pre)
    recs.append(rec)

# 创建画布
fig, axes = plt.subplots(1, 2)

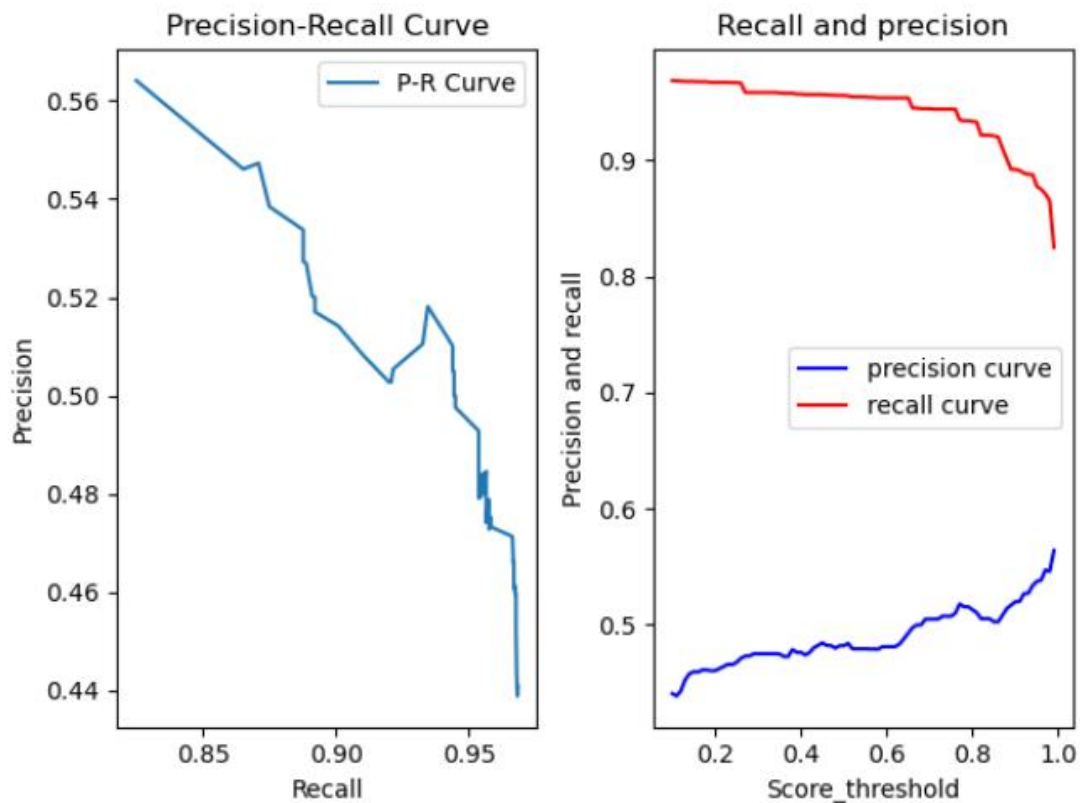
# 绘制P-R曲线
axes[0].plot(recs, pres, label='P-R Curve')

# 设置图例、坐标轴名称和标题
axes[0].set_xlabel('Recall')
axes[0].set_ylabel('Precision')
axes[0].set_title('Precision-Recall Curve')
axes[0].legend()

# 绘制查准率曲线和查全率曲线
axes[1].plot(score_thresholds, pres, 'b-', label='precision curve')
axes[1].plot(score_thresholds, recs, 'r-', label='recall curve')
axes[1].set_title('Recall and precision')
axes[1].set_xlabel('Score_threshold')
axes[1].set_ylabel('Precision and recall')

```

```
pres, recs = plot_pr_curves(preds, targs)
```



根据上图，我们可以观察到，**recall** 和 **precision** 大体上呈反比，这是因为要想 **recall** 高，就需要增加预测框或者提升模型性能，而预测框增多，**precision** 自然会降低，同理 **precision** 高，**recall** 也会降低。随着 **score_threshold** 阈值的增大，预测结果中的正例减小，**recall** 变小，而预测的正例中真正的正例增多，**precision** 增大。模型的 **recall** 较大，为 0.9，而 **precision** 只有 0.5，这可能是因为模型训练不够充分，预测的边界框数量太多，囊括了真实框，故 **recall** 大，但是 **precision** 却比较小。

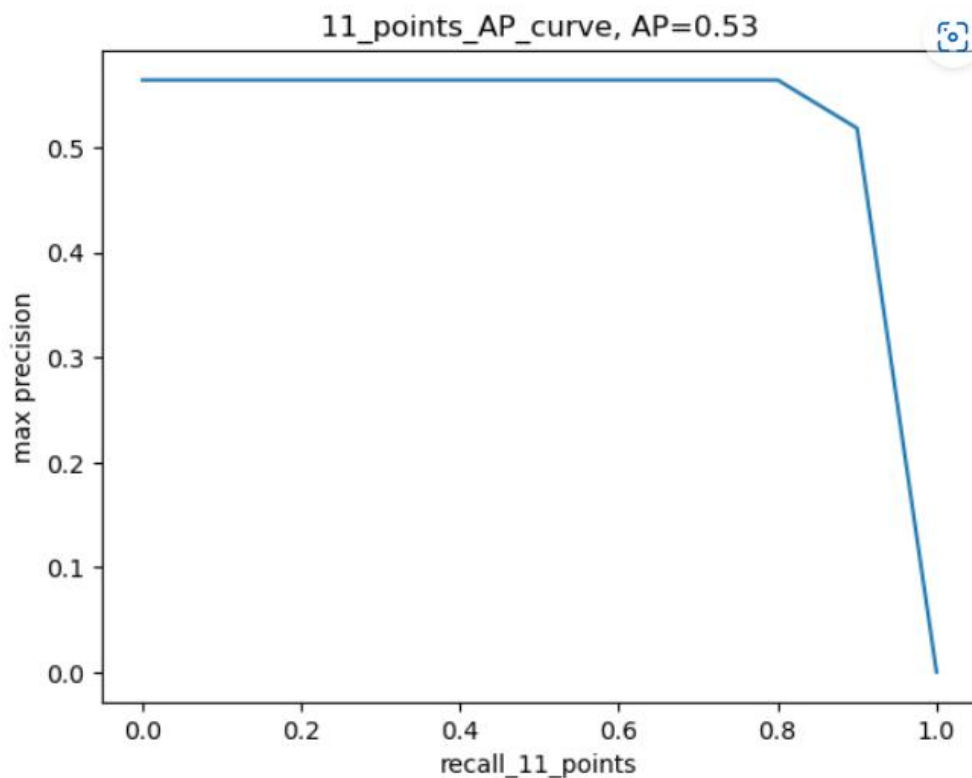
6. 调整阈值得到的 **precision** 列表和 **recall** 列表计算 AP。这里我们采用 11 点法计算 AP，设置从 0 到 1 间隔为 0.1 的 11 各点作为 **recall** 阈值，对于每个 **recall** 阈值 **recall_threshold**，取 **recall** 列表中大于等于该阈值的 **recall** 中 **precision** 的最大值。绘制 **recall_threshold** 和对应 **max_precision** 曲线，利用 **torch.trapz()** 求曲线和坐标轴围成的面积，即为 AP。

```
# 计算ap值
def compute_ap(precisions, recalls):
    pres = np.array(precisions)
    recs = np.array(recalls)

    rec_thresholds = np.linspace(0, 1, 11)
    pres_list = []

    for rec_threshold in rec_thresholds:
        indices = pres[np.where(recs>=rec_threshold)]
        if indices.size==0:
            pres_list.append(0)
        else:
            pres_list.append(np.max(indices))

    plt.plot(rec_thresholds, pres_list)
    ap = torch.trapz(torch.tensor(pres_list), torch.tensor(rec_thresholds))
    plt.title(f"11_points_AP_curve, AP={ap:.2f}")
    plt.xlabel('recall_11_points')
    plt.ylabel('max precision')
```

计算可得该模型的 AP 值为 0.53，并不高，这可能是因为数据集较小，且模型只训练了一次，并未进行参数调优。

三、总结

1. 训练所得模型的 precision 和 AP 值都不高，这可能是因为训练集较小，只有 313 张图，且模型只训练了一次，并未进行参数调优，导致模型预测的边界框太多，precision 较低，从而使得计算的 AP 也比较小。
2. 在计算 recall 和 precision 时，要注意 precision 是预测的正例中真正的正例的占比，而 recall 为真正的正例中预测出的正例的占比，二者一个从预测结果出发，一个从真实值出发。
3. 模型的 recall 和 precision 大体上呈反比，这是因为要想 recall 高，就需要增加预测框或者提升模型性能，而预测框增多，precision 自然会降低，同理 precision 高，recall 也会降低。随着 score_threshold 阈值的增大，预测结果中的正例减小，recall 变小，而预测的正例中真正的正例增多，precision 增大。