第三章 决策树实战

3.1 决策树的基本概念

3.1.1 决策树的基本概念

决策树 (decision tree) 是一类常见的机器学习方法. 在二分类中, 学得一个模型用以对新示例进行分类,整个把样本分类的任务, 可以堪称对"当前样本属于正类吗?"这个问题的"决策"或"判定"过程. 如在对"这是好瓜吗?"这个问题决策时, 通常会进行一系列的判断或"子决策".

决策过程的最终结论对应了我们所希望的判定结果,如"是"或"不是"好瓜;决策过程中提出的每个判定问题都是对某个属性的"测试";每个测试的结果或是导出最终结论,或是导出进一步的判定问题(其考虑的范围是上次决策结果的限定范围之内).

3.1.2 根结点, 叶结点和内部结点

1三类结点的概念

- 1. 根结点: 第一个判定的集合, 根结点包含样本全集
- 2. 叶结点: 叶结点对应于决策结果
- 3. 内部结点: 中间的结点, 需要进一步进行属性测试的结点

总结:

- 1. 一般的, 一棵决策树包含一个根结点、若干个内部结点和若干个叶结点;
- 2. 叶结点对应于决策结果, 其他每个结点则对应于一个属性测试(包括根结点和内部结点)
- 3. 每个结点包含的样本集合根据属性测试的结果被划分到子结点中
- 4. 根结点包含样本全集
- 5. 从根结点到每个叶结点的路径对应了一个判定测试序列

决策树学习的目的是为了产生一棵**泛化能力强**, 即处理未见示例能力强的决策树, 其基本流程遵循简单且直观的"**分而治之**" (divide-and-conquer)策略

4.1.3 决策树的基本算法流程

1 决策树的基本算法

```
输入: 训练集 D = \{(x_1, y_1), (x_2, y_2), \dots, (x_m, y_m)\};
      属性集 A = \{a_1, a_2, \dots, a_d\}.
过程: 函数 TreeGenerate(D, A)
1: 生成结点 node;
2: if D 中样本全属于同一类别 C then
     将 node 标记为 C 类叶结点; return
4: end if
5: if A = \emptyset OR D 中样本在 A 上取值相同 then
     将 node 标记为叶结点, 其类别标记为 D 中样本数最多的类; return
7: end if
8: 从 A 中选择最优划分属性 a_*:
9: for a<sub>*</sub> 的每一个值 a<sub>*</sub><sup>v</sup> do
     为 node 生成一个分支; 令 D_v 表示 D 中在 a_* 上取值为 a_*^v 的样本子集;
     if D_v 为空 then
11:
       将分支结点标记为叶结点, 其类别标记为 D 中样本最多的类; return
12:
13:
       以 TreeGenerate(D_v, A \setminus \{a_*\})为分支结点
14:
     end if
15:
16: end for
输出: 以 node 为根结点的一棵决策树
```

图 4.2 决策树学习基本算法

2 具体递归过程

决策树的生成是一个递归过程,在决策树基本算法中,有三种情形会导致递归返回:

- 1. 当前结点包含的样本全属于同一类别, 无需划分;
- 2. 当前属性集为空, 或是所有样本在所有属性上取值相同, 无法划分;
- 3. 当前结点包含的样本集合为空, 不能划分.

在第(2)种情形下,把当前结点标记为叶结点,并将其类别设定为该结点所含样本最多的类别;

在第(3)种情形下,同样把当前结点标记为叶结点,但将其类别设定为其**父结点**所含样本最多的类别.

3 递归过程的详细解析

- 1. 这是最理想的情况, 也即是**子集只包含同一类别的样本**. 若递归划分过程中某子集已经只含有某一类别的样本(例如只含好瓜或坏瓜), 那么此时划分的目的已经达到了, 无需再进行划分, 这种情况就是<mark>递归返回的情形1</mark>
- 2. 递归划分时每次选择一个属性, 并且**划分依据属性不能重复使用** (从候选依据属性中将当前使用的依据属性剔除, 这是因为根据某属性划分之后, 产生的各个子集在该属性上的取值相同). **但样本的属性是有限的**, 因此划分次数不超过属性个数; **若所有属性均已被作为划分依据, 此时子集中仍含有多类样本** (例如仍然同时含有好瓜和坏瓜). 但是因已无属性可用作划分依据 (即子集中样本在各属性上取值均相同,但却无法达到子集只包含同一类 别的样本). 此时只能少数服从多数, 以**此子集中样本数最多的类为标记**, 此即为**递归返回的情形 2 中的** $A = \emptyset$
- 3. 每递归一次, 候选的属性个数就减少一个. 假如现在还剩下两个属性, 触感和色泽. 且此时样本是多类的(即好瓜和坏瓜). 但是剩下的样本触感和色泽都是一样的, **即当前样本集合在任何候选属性上的取值相同, 无法再通过属性划分了**.(两个以上属性的情况类似). 此时也只能少数服从多数, 以**此子集中样本数最多的类为标记**, 此即为**递归返回情形 2 中的** "*D* 中样本在 *A* 上取值相同"

4. 根据某属性进行划分时, 若该属性多个属性值中的某个属性值不包含任何样本. 如当前子集 D_v 以"色泽"属性来划分, "色泽"的属性值有: "青绿", "乌黑"和"浅白". 可发现没有样本的属性值为"浅白"的, 只有"青绿"和"乌黑". 此时对于取值为"浅白"的分支, 因为没有样本落入, 将其标记为叶结点, 其类别标记为 D_v 中样本最多的类.(注意, 此分支必须保留, 因为在测试时, 可能会有样本落入该分支). 此种情况即为**递归返回的情形 3.**

3.2 决策树的划分(ID3)

决策树学习的关键点在于: 如何选择最优划分属性.

希望决策树的分支结点所包含的样本尽可能属于同一类别, 即结点的"纯度"(purity)越来越高.

4.2.1 信息增益

1信息熵 (香农熵)

"信息熵"(information entropy)是对量样本集合纯度最常用的一种指标. 它的定义如下:

假定当前样本集合 D 中第 k 类所占的比例为 $p_k(k=1,2,\ldots,|\mathcal{Y}|)$, 则 D 的信息熵定义为:

$$\operatorname{Ent}(D) = -\sum_{k=1}^{|\mathcal{Y}|} p_k \log_2 p_k \tag{3.1}$$

Ent(D) 的值越小, 则 D 的纯度越高.

注: 这里的 k 就是西瓜里的"好瓜"和"坏瓜"这**两个类别**

2 信息增益

假定离散属性 a 有 V 个可能的取值 $\left\{a^1,a^2,\dots,a^V\right\}$, 若使用 a 来对样本集 D 进行划分,则会产生 V 个分支结点,其中第 v 个分支结点包含了 D 中所有在属性 a 上取值为 a^v 的样本,记为 D^v . 可根据 (4.1) 计算出 D^v 的信息熵,同时再考虑到不同分支结点所包含的样本数不同,给分支结点赋予权重 $\left|D^v\right|/\left|D\right|$,即样本数越多的分支结点的影响越大,于是可计算出**用属性** a **对样本集** D **进行划分所获得的"信息增益"** (information gain)

$$Gain(D, a) = Ent(D) - \sum_{v=1}^{V} \frac{|D^v|}{|D|} Ent(D^v)$$
(3.2)

一般而言, **信息增益越大**, 则意味着使用属性 a 来进行划分所获得的**"纯度提升"越大**. 因此,我们可以用信息增益来进行决策树的划分属性选择, 即在图4.2算法第 8 行选择属性 $a_* = \mathop{\arg\max}_{a \in A} \mathrm{Gain}(D,a)$. ID3

决策树学习算法就是基于信息增益来进行属性划分的.

注: 信息增益准则对可取值数目较多的属性有偏好

注: 关于公式 3.2 中的各项理解

1. 条件熵: 条件熵表示在条件 X 下 Y 的信息熵. 公式如下:

$$H(Y|X) = \sum_{x \in X} p(x)H(Y|X = x)$$

也就是 3.2 中的 $\sum_{v=1}^{V} \frac{|D^v|}{|D|} \operatorname{Ent}(D^v)$ 部分.

2. 信息增益 = 信息熵 - 条件熵

3.3 决策树的原理

3.3.1 决策树工作原理

如何构造一个决策树?我们使用 createBranch() 方法, 如下所示:

```
def createBranch():

....
此处运用了迭代的思想
....
检测数据集中的所有数据的分类标签是否相同:
    If so return 类标签
    Else:
    寻找划分数据集的最好特征(划分之后信息熵最小, 也就是信息增益最大的特征)
划分数据集
    创建分支节点
    for 每个划分的子集
    调用函数 createBranch (创建分支的函数)并增加返回结果到分支节点中
    return 分支节点
```

上面的伪代码createBranch是一个递归函数,在倒数第二行直接调用了它自己.

3.3.2 决策树的一般流程

- 收集数据: 可以使用任何方法.
- 准备数据: 树构造算法只适用于标称型数据, 因此数值型数据必须离散化.
- 分析数据: 可以使用任何方法, 构造树完成之后, 我们应该检查图形是否符合预期.
- 训练算法: 构造树的数据结构.
- 测试算法: 使用训练好的树计算错误率.
- 使用算法: 此步骤可以适用于任何监督学习任务, 而使用决策树可以更好地理解数据的内在含义.

3.3.3 决策树算法的特点

- 优点: 计算复杂度不高, 输出结果易于理解, 数据有缺失也能跑, 可以处理不相关特征.
- 缺点: 容易过拟合.
- 适用数据类型: 数值型和标称型.

3.4决策树实战之判定鱼类

3.4.1 项目概述

根据以下 2 个特征, 将动物分成两类: 鱼类和非鱼类。

特征:

- 1. 不浮出水面是否可以生存
- 2. 是否有脚蹼

3.4.2 开发流程

- 收集数据: 可以使用任何方法.
- 准备数据: 树构造算法只适用于标称型数据, 因此数值型数据必须离散化.
- 分析数据: 可以使用任何方法, 构造树完成之后, 我们应该检查图形是否符合预期.
- 训练算法: 构造树的数据结构.
- 测试算法: 使用训练好的树计算错误率.
- 使用算法: 此步骤可以适用于任何监督学习任务, 而使用决策树可以更好地理解数据的内在含义.

1 收集数据: 可以使用任何方法

在这里,我们构造 createDataSet() 函数输入书上例子的数据.如下图

	不浮出水面是否可以生存	是否有脚蹼	属于鱼类
1	是	是	是
2	是	是	是
3	是	否	否
4	否	是	否
5	否	是	否

表3-1 海洋生物数据

具体代码如下:

```
函数说明: 创建数据集
Parameters:
   无
Returns:
   dataSet - 数据集
   features - 特征(属性)
def createDataSet():
   dataSet = [[1,1,'yes'],
              [1,1,'yes'],
              [1,0,'no'],
              [0,1,'no'],
              [0,1,'no']]
   features = ['不需要浮出水面', '脚蹼']
   return dataSet, features
if __name__ == '__main__':
   dataSet, features = createDataSet()
   print(dataSet)
```

```
print(features)
```

具体结果如下:

```
Python 3.6.4 |Anaconda, Inc.| (default, Jan 16 2018, 10:22:32) [MSC v.1900 64 bit (AMD64)] Type "copyright", "credits" or "license" for more information.

IPython 6.2.1 -- An enhanced Interactive Python.

In [1]: runfile('C:/Users/HeatonHsu/.spyder-py3/temp.py', wdir='C:/Users/HeatonHsu/.spyder-py3')

In [2]: runfile('C:/Users/HeatonHsu/.spyder-py3/temp.py', wdir='C:/Users/HeatonHsu/.spyder-py3')

[[1, 1, 'yes'], [1, 1, 'yes'], [1, 0, 'no'], [0, 1, 'no'], [0, 1, 'no']] ['不需要浮出水面', '脚蹼']

In [3]:
```

2准备数据

树构造算法只适用于标称型数据,因此数值型数据必须离散化.但我们输入的数据本身已经离散化了,所以这一步就可以省略了.

3 分析数据 (核心部分)

可以使用任何方法,构造树完成之后,我们应该检查图形是否符合预期.

(1) 计算信息熵 (香农熵)

信息熵的计算公式详见公式 3.1

构造计算给定数据集的信息熵(香浓熵)的函数—calcShannonEnt()

具体代码如下:

```
from math import log
.....
函数说明: 计算熵
Parameters:
   无
Returns:
   dataSet - 数据集
   features - 特征(属性)
def createDataSet():
   dataSet = [[1,1,'yes'],
              [1,1,'yes'],
              [1,0,'no'],
              [0,1,'no'],
              [0,1,'no']]
   features = ['不需要浮出水面', '脚蹼']
   return dataSet, features
函数说明: 计算给定数据集的香农熵
```

```
Parameters:
   dataSet - 数据集
Returns:
   shannonEnt - 香农熵
def calcShannonEnt(dataSet):
   #返回数据集的元素个数(dataSet是列表,且每个元素也是一个列表)
   numEntires = len(dataSet)
   #设置一个空字典,用于保存每个标签(label,即类别)和标签出现的次数
   labelCounts = {}
   #循环提取每个样本(也就是dataSet的每个元素)的标签(label)
   for featVec in dataSet:
      #提取当前的标签
      currentLabel = featVec[-1]
      #如果当前的标签不在字典labelCount的key中,那么就添加进去
      #labelCount.keys()返回的是dic_keys对象,类似于列表等对象,可进行迭代,也可进行逻辑运
算
      if currentLabel not in labelCounts.keys():
          #且让currentLabel键对应的键值为0
          labelCounts[currentLabel] = 0
       #无论当前键出现或者未出现,对应的键值都加1,即可实现计数
      labelCounts[currentLabel] += 1
   #香农熵
   shannonEnt = 0
   #下面的是遍历字典中的所有键,它等价于labelCount.keys()
   #遍历字典中的所有值时用, labelCount.values()
   #遍历字典中的所有键值对时用,labelCount.items(),且需要两个变量来接收键和键值
   for key in labelCounts:
      #计算p(i)
       prob = float(labelCounts[key]) / numEntires
       #计算香农熵, shannonEnt起始为0,每次减去prob * log(prob, 2),等价于公式求和
       shannonEnt -= prob * log(prob, 2)
   return shannonEnt
if __name__ == '__main__':
   dataSet,features = createDataSet()
   shannoEnt = calcShannonEnt(dataSet)
   print(shannoEnt)
```

运行结果为:

```
Console 1/A ☑

In [8]: runfile('C:/Users/HeatonHsu/.spyder-py3/temp.py', wdir='C:/Users/HeatonHsu/.spyder-py3')
0.9709505944546686

In [9]:
```

(2) 按照给定特征划分数据集

为计算条件熵, 那么就需要知道在给定特征划分后的数据集.

添加函数 splitDataSet, 具体代码如下:

```
mun
函数说明: 计算熵
Parameters:
无
```

```
Returns:
   dataSet - 数据集
   features - 特征(属性)
def createDataSet():
   dataSet = [[1,1,'yes'],
             [1,1,'yes'],
             [1,0,'no'],
             [0,1,'no'],
             [0,1,'no']]
   features = ['不需要浮出水面', '脚蹼']
   return dataSet, features
函数说明: 计算给定数据集的香农熵
函数说明: 按照给定的特征划分数据集
splitDataSet(通过遍历dataSet数据集, 求出index对应的colnum列的值为value的行)
就是依据index列进行分类, 如果index列的数据等于 value的时候, 就要将 index 划分到我们创建
的新的数据集中
Parameters:
   dataSet - 待划分的数据集
   axis - 划分数据集的特征(在这个例子里共两个),即每一行的axis列
   value - 需要返回的该特征的值
Returns:
   retDataSet - 划分后的数据集
def splitDataSet(dataSet, axis, value):
   #创建列表,用于接收返回的数据集列表
   retDataSet = []
   #遍历数据集(遍历每一个样本)
   for featVec in dataSet:
       #如果该特征的值也就是featVec[axis]等于value
       if featVec[axis] == value:
          #那么先将featVec中axis元素之前的元素存到reducedFeatVec中
          reducedFeatVec = featVec[:axis]
          #接着再把axis之后的元素添加到reduceFeatVec中.
          #这样就把featVec[axis]这个元素剔除了
          reducedFeatVec.extend(featVec[axis+1:])
          #最后把处理好的reducedFeatVec都存储再retDataSet中
          retDataSet.append(reducedFeatVec)
   return retDataSet
if __name__ == '__main__':
   dataSet,features = createDataSet()
   retDataSet = splitDataSet(dataSet,0,1) #用axis=0,value=1来划分数据集
   print(retDataSet)
```

用axis=0,value=1(即第一个特征的值为1)来划分数据集的结果如下:

```
In [10]: runfile('C:/Users/HeatonHsu/.spyder-py3/temp.py', wdir='C:/Users/HeatonHsu/.spyder-py3')
[[1, 'yes'], [1, 'yes'], [0, 'no']]
In [11]:
```

本段代码需要注意的点有:

1. 关于append和extend的区别

具体差别可参看下面的运行结果

```
In [18]: a = [1,2,3]
In [19]: b = [1,2,3,4]
In [20]: c = [7,8,9]
In [21]: a.extend(b)
In [22]: a
Out[22]: [1, 2, 3, 1, 2, 3, 4]
In [23]: b.append(c)
In [24]: b
Out[24]: [1, 2, 3, 4, [7, 8, 9]]
```

(3) 选择最优的数据集划分方式 (即信息增益最大)

添加chooseBestFeatureToSplit函数, 具体代码如下:

```
from math import log
.....
函数说明: 计算熵
Parameters:
   无
Returns:
   dataSet - 数据集
   features - 特征(属性)
def createDataSet():
   dataSet = [[1,1,'yes'],
             [1,1,'yes'],
             [1,0,'no'],
             [0,1,'no'],
             [0,1,'no']]
   features = ['不需要浮出水面', '脚蹼']
   return dataSet, features
函数说明: 计算给定数据集的香农熵
Parameters:
   dataSet - 数据集
Returns:
   shannonEnt - 香农熵
def calcShannonEnt(dataSet):
   #返回数据集的元素个数(dataSet是列表,且每个元素也是一个列表)
```

```
numEntires = len(dataSet)
   #设置一个空字典,用于保存每个标签(label,即类别)和标签出现的次数
   labelCounts = {}
   #循环提取每个样本(也就是dataSet的每个元素)的标签(label)
   for featVec in dataSet:
      #提取当前的标签
      currentLabel = featVec[-1]
      #如果当前的标签不在字典labelCount的key中,那么就添加进去
      #labelCount.keys()返回的是dic_keys对象,类似于列表等对象,可进行迭代,也可进行逻辑运
算
      if currentLabel not in labelCounts.keys():
          #且让currentLabel键对应的键值为0
          labelCounts[currentLabel] = 0
      #无论当前键出现或者未出现,对应的键值都加1,即可实现计数
      labelCounts[currentLabel] += 1
   #香农熵
   shannonEnt = 0
   #下面的是遍历字典中的所有键,它等价于labelCount.keys()
   #遍历字典中的所有值时用, labelCount.values()
   #遍历字典中的所有键值对时用,labelCount.items(),且需要两个变量来接收键和键值
   for key in labelCounts:
      #计算p(i)
       prob = float(labelCounts[key]) / numEntires
      #计算香农熵, shannonEnt起始为0,每次减去prob * log(prob, 2),等价于公式求和
       shannonEnt -= prob * log(prob, 2)
   return shannonEnt
函数说明: 按照给定的特征划分数据集
splitDataSet(通过遍历dataSet数据集, 求出index对应的colnum列的值为value的行)
就是依据index列进行分类, 如果index列的数据等于 value的时候, 就要将 index 划分到我们创建
的新的数据集中
Parameters:
   dataSet - 带划分的数据集
   axis - 划分数据集的特征(在这个例子里共两个)
   value - 需要返回的该特征的值
Returns:
   retDataSet - 划分后的数据集
def splitDataSet(dataSet, axis, value):
   #创建列表,用于接收返回的数据集列表
   retDataSet = []
   #遍历数据集(遍历每一个样本)
   for featVec in dataSet:
       #如果该特征的值也就是featVec[axis]等于value
      if featVec[axis] == value:
          #那么先将featVec中axis元素之前的元素存到reducedFeatVec中
          reducedFeatVec = featVec[:axis]
          #接着再把axis之后的元素添加到reduceFeatVec中.
          #这样就把featVec[axis]这个元素剔除了
          reducedFeatVec.extend(featVec[axis+1:])
          #最后把处理好的reducedFeatVec都存储再retDataSet中
          retDataSet.append(reducedFeatVec)
   return retDataSet
```

```
函数说明: 计算信息增益,选择最优的特征
Parameters:
   dataSet - 数据集
Returns:
   bestFeature - 信息增益最大的特征的索引值
def chooseBestFeatureToSplit(dataSet):
   #计算出特征的数量,最后一个元素是label(类别),因此减一
   numFeatures = len(dataSet[0]) - 1
   #计算出原始数据集的香农熵
   baseEntropy = calcShannonEnt(dataSet)
   #初始化最优的信息增益
   bestInforGain = 0
   #初始化最优特征的编号
   bestFeature = -1
   #遍历所有的特征
   for i in range(numFeatures):
       #获取dataSet的第i个特征的所有值(即每个样本的第i个元素)
       #下面的用的是列表生成式,相关知识查阅python基础语法
       featList = [example[i] for example in dataSet]
       #创建uniqueVals集合(集合中元素唯一,不重合)
       uniqueVals = set(featList)
       #经验条件熵
       newEntropy = 0
       #计算信息增益
       #遍历某一列的value集合, 计算该列的信息熵
       #遍历当前特征(i)中的所有唯一属性值,对每个唯一属性值划分一次数据集,计算当前数据集的新熵
值,并熵求和。
       for value in uniquevals:
          #subDataSet表示划分后的子集合
          subDataSet = splitDataSet(dataSet,i,value)
          #计算当前子集的概率
          prob = len(subDataSet) /float(len(dataSet))
          #计算条件熵
          newEntropy += prob * calcShannonEnt(subDataSet)
       #计算当前特征(i)的信息增益
       inforGain = baseEntropy - newEntropy
       #打印每个特征的信息增益
       print("第%d个特征的信息增益为%.2f" % (i, inforGain))
       #通过比较找出最大的增益
       if inforGain > bestInforGain:
          bestInforGain = inforGain
          bestFeature = i
   return bestFeature
if __name__ == '__main__':
   dataSet,features = createDataSet()
   print("根据信息增益,最优特征的索引为: " + str(chooseBestFeatureToSplit(datSet)))
```

运行结果为:

```
In [12]: runfile('C:/Users/HeatonHsu/.spyder-py3/temp.py', wdir='C:/Users/HeatonHsu/.spyder-py3') 第0个特征的信息增益为0.42 第1个特征的信息增益为0.17 根据信息增益,最优特征的索引为: 0
In [13]:
```

4 训练算法 (核心部分)

训练算法: 构造树的数据结构

ID3算法的核心是在决策树各个结点上对应信息增益准则选择特征,递归地构建决策树.具体方法是:从根结点(root node)开始,对结点计算所有可能的特征的信息增益,选择信息增益最大的特征作为结点的特征,由该特征的不同取值建立子节点;再对子结点递归地调用以上方法,构建决策树;直到所有特征的信息增益均很小或没有特征可以选择为止.最后得到一个决策树. ID3相当于用极大似然法进行概率模型的选择.

在先构造树前, 先要知道两者结束的条件:

- 1. 是最后的样本的类别都相同
- 2. 还有就是所有属性都划分完, 这时用类别出现最多的作为这个子集的类别.

对于第一个很好处理, 第二个我们需要构造一个 majorityCnt 函数用于计算当前子集的类别.

具体代码如下:

```
函数说明: 统计classList中出现最多的元素(即标签),类似于前面的classify0
Parameters:
   classList - 标签列表
Returns:
   sortedClassCount[0][0] - 出现次数最多的元素(标签)
def majorityCnt(classList):
   #可以参考前面的classify0函数,因此下面的代码可以改写为:
   classCount = {}
   for vote_1 in classList:
       classCount[vote_1] = classCount.get(vote_1,0) + 1
   sortedClassCount_3 =
sorted(classCount.items(),key=operator.itemgetter(1),reverse=True)
   return sortedClassCount[0][0]
   classCount = {}
   for vote in classList:
       if vote not in classCount.keys():
           classCount[vote] = 0
       classCount[vote] += 1
   sortedClassCount =
sorted(classCount.items(),key=operator.itemgetter(1),reverse=True)
   return sortedClassCount[0][0]
if __name__ == '__main__':
   classList = ['yes','no','yes','yes','no']
   result = majorityCnt(classList)
   print(result)
```

接着构造树,创建creatTree函数,具体代码如下:

```
函数说明:创建决策树
Parameters:
   dataSet - 数据集
   features - 特征(属性)(按顺序)
def createTree(dataSet, features):
   #获取各个样本的分类标签
   classList = [example[-1] for example in dataSet]
   #如果类别全部相同,那么停止划,这是第一种情况
   #如果数据集的最后一列的第一个值出现的次数=整个集合的数量, 也就说只有一个类别, 就只直接返
回结果就行
   #第一个停止条件: 所有的类标签完全相同, 则直接返回该类标签。
   if classList.count(classList[0]) == len(classList):
      return classList[0]
   #如果数据集只有1列(也就是只有类别标签一列了),那么选出出现1abe1次数最多的一类,作为结果
   #第二个停止条件:使用完了所有特征,仍然不能将数据集划分成仅包含唯一类别的分组
   if len(dataSet[0]) == 1:
      return majorityCnt(classList)
   #选择最优的特征的索引
   bestFeat = chooseBestFeatureToSplit(dataSet)
   #根据bestFeat的索引获取最优特征的名称
   bestFeatLabel = features[bestFeat]
   #初始化myTree
   myTree = {bestFeatLabel:{}}
   #删除已使用的特征
   del(features[bestFeat])
   #获取集合中所有最优特征的值
   featValues = [example[bestFeat] for example in dataSet]
   #去掉重复的属性值
   uniqueVals = set(featValues)
   #遍历特征,创建决策树
   for value in unique Vals:
      #剩余的标签
      subLabels = features[:]
      # 遍历当前选择特征包含的所有属性值, 在每个数据集划分上递归调用函数createTree()
      myTree[bestFeatLabel][value] =
createTree(splitDataSet(dataSet,bestFeat,value),subLabels)
   return myTree
```

注: 最后的递归我也不是很熟,后续再看看相关材料.其他的都还好.

最后,把前面的几个函数放在一起,组成完整的构造决策树的代码块,如下:

```
from math import log

"""
函数说明: 计算熵

Parameters:
    无
Returns:
    dataSet - 数据集
    features - 特征(属性)
```

```
0.00
def createDataSet():
   dataSet = [[1,1,'yes'],
            [1,1,'yes'],
             [1,0,'no'],
            [0,1,'no'],
            [0,1,'no']]
   features = ['不需要浮出水面', '脚蹼']
   return dataSet, features
.....
函数说明: 计算给定数据集的香农熵
Parameters:
   dataSet - 数据集
Returns:
   shannonEnt - 香农熵
def calcShannonEnt(dataSet):
   #返回数据集的元素个数(dataSet是列表,且每个元素也是一个列表)
   numEntires = len(dataSet)
   #设置一个空字典,用于保存每个标签(label,即类别)和标签出现的次数
   labelCounts = {}
   #循环提取每个样本(也就是dataSet的每个元素)的标签(label)
   for featVec in dataSet:
      #提取当前的标签
      currentLabel = featVec[-1]
      #如果当前的标签不在字典labelCount的key中,那么就添加进去
      #labelCount.keys()返回的是dic_keys对象,类似于列表等对象,可进行迭代,也可进行逻辑运
算
      if currentLabel not in labelCounts.keys():
          #且让currentLabel键对应的键值为0
          labelCounts[currentLabel] = 0
      #无论当前键出现或者未出现,对应的键值都加1,即可实现计数
      labelCounts[currentLabel] += 1
   #香农熵
   shannonEnt = 0
   #下面的是遍历字典中的所有键,它等价于labelCount.keys()
   #遍历字典中的所有值时用, labelCount.values()
   #遍历字典中的所有键值对时用,labelCount.items(),且需要两个变量来接收键和键值
   for key in labelCounts:
      #计算p(i)
      prob = float(labelCounts[key]) / numEntires
      #计算香农熵, shannonEnt起始为0,每次减去prob * log(prob, 2),等价于公式求和
      shannonEnt -= prob * log(prob, 2)
   return shannonEnt
函数说明: 按照给定的特征划分数据集
splitDataSet(通过遍历dataSet数据集, 求出index对应的colnum列的值为value的行)
就是依据index列进行分类, 如果index列的数据等于 value的时候, 就要将 index 划分到我们创建
的新的数据集中
Parameters:
   dataSet - 带划分的数据集
   axis - 划分数据集的特征(在这个例子里共两个)
   value - 需要返回的该特征的值
```

```
Returns:
   retDataSet - 划分后的数据集
def splitDataSet(dataSet, axis, value):
   #创建列表,用于接收返回的数据集列表
   retDataSet = []
   #遍历数据集(遍历每一个样本)
   for featVec in dataSet:
       #如果该特征的值也就是featvec[axis]等于value
       if featVec[axis] == value:
          #那么先将featVec中axis元素之前的元素存到reducedFeatVec中
          reducedFeatVec = featVec[:axis]
          #接着再把axis之后的元素添加到reduceFeatVec中.
          #这样就把featVec[axis]这个元素剔除了
          reducedFeatVec.extend(featVec[axis+1:])
          #最后把处理好的reducedFeatVec都存储再retDataSet中
          retDataSet.append(reducedFeatVec)
   return retDataSet
函数说明: 计算信息增益,选择最优的特征
Parameters:
   dataSet - 数据集
Returns:
   bestFeature - 信息增益最大的特征的索引值
def chooseBestFeatureToSplit(dataSet):
   #计算出特征的数量,最后一个元素是label(类别),因此减一
   numFeatures = len(dataSet[0]) - 1
   #计算出原始数据集的香农熵
   baseEntropy = calcShannonEnt(dataSet)
   #初始化最优的信息增益
   bestInforGain = 0
   #初始化最优特征的编号
   bestFeature = -1
   #遍历所有的特征
   for i in range(numFeatures):
       #获取dataSet的第i个特征的所有值(即每个样本的第i个元素)
       #下面的用的是列表生成式,相关知识查阅python基础语法
       featList = [example[i] for example in dataSet]
       #创建uniqueVals集合(集合中元素唯一,不重合)
       uniqueVals = set(featList)
       #经验条件熵
       newEntropy = 0
       #计算信息增益
       #遍历某一列的value集合, 计算该列的信息熵
       #遍历当前特征(i)中的所有唯一属性值,对每个唯一属性值划分一次数据集,计算当前数据集的新熵
值,并熵求和。
       for value in uniqueVals:
          #subDataSet表示划分后的子集合
          subDataSet = splitDataSet(dataSet,i,value)
          #计算当前子集的概率
          prob = len(subDataSet) /float(len(dataSet))
          #计算条件熵
          newEntropy += prob * calcShannonEnt(subDataSet)
       #计算当前特征(i)的信息增益
       inforGain = baseEntropy - newEntropy
```

```
#打印每个特征的信息增益
       #print("第%d个特征的信息增益为%.2f" % (i, inforGain))
       #通过比较找出最大的增益
       if inforGain > bestInforGain:
          bestInforGain = inforGain
          bestFeature = i
   return bestFeature
函数说明: 统计classList中出现最多的元素(即标签),类似于前面的classify0
Parameters:
   classList - 标签列表
Returns:
   sortedClassCount[0][0] - 出现次数最多的元素(标签)
def majorityCnt(classList):
   #可以参考前面的classify0函数,因此下面的代码可以改写为:
   classCount = {}
   for vote_1 in classList:
       classCount[vote_1] = classCount.get(vote_1,0) + 1
   sortedClassCount_3 =
sorted(classCount.items(),key=operator.itemgetter(1),reverse=True)
   classCount = {}
   for vote in classList:
       if vote not in classCount.keys():
          classCount[vote] = 0
       classCount[vote] += 1
   sortedClassCount =
sorted(classCount.items(),key=operator.itemgetter(1),reverse=True)
   return sortedClassCount[0][0]
.....
函数说明:创建决策树
Parameters:
   dataSet - 数据集
   features - 特征(属性)
   featLabels - 用于存储选择的最优属性(特征)标签
def createTree(dataSet, features):
   #获取各个样本的分类标签
   classList = [example[-1] for example in dataSet]
   #如果类别全部相同,那么停止划分
   # 如果数据集的最后一列的第一个值出现的次数=整个集合的数量, 也就说只有一个类别, 就只直接
返回结果就行
   # 第一个停止条件: 所有的类标签完全相同, 则直接返回该类标签。
   if classList.count(classList[0]) == len(classList):
       return classList[0]
   # 如果数据集只有1列(也就是只有类别标签一列了), 那么选出出现1abe1次数最多的一类, 作为结
果
   # 第二个停止条件: 使用完了所有特征, 仍然不能将数据集划分成仅包含唯一类别的分组
   if len(dataSet[0]) == 1:
       return majorityCnt(classList)
```

```
#选择最优的特征
   bestFeat = chooseBestFeatureToSplit(dataSet)
   #根据bestFeat的值(数字)获取最优特征的名称
   bestFeatLabel = features[bestFeat]
   #初始化myTree
   myTree = {bestFeatLabel:{}}
   #删除已使用的特征
   del(features[bestFeat])
   #获取集合中所有最优特征的值
   featValues = [example[bestFeat] for example in dataSet]
   #去掉重复的属性值
   uniqueVals = set(featValues)
   #遍历特征,创建决策树
   for value in uniqueVals:
       #剩余的标签
       subLabels = features[:]
       # 遍历当前选择特征包含的所有属性值, 在每个数据集划分上递归调用函数createTree()
       myTree[bestFeatLabel][value] =
createTree(splitDataSet(dataSet,bestFeat,value),subLabels)
   return myTree
if __name__ == '__main__':
   dataSet, features = createDataSet()
   featLabels = ['不需要浮出水面', '脚蹼']
   myTree = createTree(dataSet,features)
```

运行结果如下(打印各个特征信息增益的注释了,不显示):

```
● trees_Hsu01 ×

C:\SoftWare\Anaconda\python.exe D:/机器学习实践/trees_Hsu01.py
{'不需要浮出水面': {0: 'no', 1: {'脚蹼': {0: 'no', 1: 'yes'}}}}

Process finished with exit code 0
```

5 测试算法(没涉及)

6 使用算法

使用算法: 使用生成好的决策树执行分类,

创建calssify分类函数, 具体代码如下:

```
classLabel - 分类结果
def classify(inputTree, featLabels, testVec):
   #获取inputTree的根节点key(键名)
   firstStr = list(inputTree.keys())[0]
   #通过key得到根节点对应的value
   secondDict = inputTree[firstStr]
   #获取featLabels里firstStr的索引,即判断根节点名称获取根节点在label中的先后顺序
   featIndex = featLabels.index(firstStr)
   for key in secondDict.keys():
       if testVec[featIndex] == key:
           #如果里面还是字典的话,说明还需要进一步进行上述操作,即进行递归
           if isinstance(secondDict[key],dict):
              classLabel = classify(secondDict[key],featLabels,testVec)
           #否则, 就是已经分类完了,那么secondDict[key],即结果no或者yes
           else:
              classLabel = secondDict[key]
   return classLabel
if __name__ == '__main__':
   dataSet, features = createDataSet()
   featLabels = ['不需要浮出水面', '脚蹼']
   myTree = createTree(dataSet,features)
   testVec = [0,1]
   result = classify(myTree, featLabels,testVec)
   print(result)
```

和上面的构造决策树的代码组合在一起,构成完整的测试(合在一起太长了,这里就不展示了) 结果如下:

```
trees_Hsu01 ×

↑ C:\SoftWare\Anaconda\python.exe D:/机器学习实践/trees_Hsu01.py
no

Process finished with exit code 0
```

结果是非鱼类.

3.5 决策树的存储和读取

如果我们通过数据构造好了决策树,那么如何更好的存储它和读取使用它.

构造决策树是很耗时的任务,即使处理很小的数据集,如前面的样本数据,也要花费几秒的时间,如果数据集很大,将会耗费很多计算时间.然而用创建好的决策树解决分类问题,则可以很快完成.因此,为了节省计算时间,最好能够在每次执行分类时调用已经构造好的决策树.为了解决这个问题,需要使用Python模块pickle序列化对象.序列化对象可以在磁盘上保存对象,并在需要的时候读取出来.

存储决策树:

具体代码如下:

```
import pickle

"""

函数说明:存储决策树

Parameters:
    inputTree - 已经生成的决策树    filename - 存储决策树的文件名

Returns:
    无

"""

def storeTree(inputTree, filename):
    #以写入形式打开文件,用于后续写入文件
    with open(filename,'wb') as f:
        #pickle序列化对象并存储起来
        pickle.dump(inputTree,f)

if __name__ == '__main__':
    myTree = {'不需要浮出水面': {0: 'no', 1: {'脚蹼': {0: 'no', 1: 'yes'}}}} storeTree(myTree,'树结构.txt')
```

那么我们的树就存储在当前文件夹下的"树结构.txt"这个文件中

接着读取树, 具体代码如下:

```
myTree - 读取出来的决策树(字典形式)

f = open(filename,'rb')
    return pickle.load(f)

if __name__ == '__main__':
    myTree = grabTree('树结构.txt')
    print(myTree)
```

小结:

- 1. 关于递归, 后续还需继续查阅学习
- 2. 关于决策树的可视化, 这篇没有涉及, 树上提供的是自己一步步手写实现的, 关于这部分, 我看了一遍, 太繁琐了. 其实是有相关的模块可以实现, 以后再说吧

下一节继续介绍如何使用sklearn模块来实现决策树 (有轮子当然用轮子)