

1. SELECT idpatient

FROM MEDICAL

WHERE etat = 'hernie discale';

2. SELECT nom, prenom

FROM PATIENT

LEFT JOIN MEDICAL ON PATIENT.id = MEDICAL.idpatient

WHERE etat = 'spondylopathie';

3. SELECT etat, count(idpatient)

FROM MEDICAL

GROUP BY etat;

4. Cela permet de réaliser des opérations pratiques même sur des tableaux de grandes dimensions.

5. Pour le tableau, la quantité de mémoire est

$N \times n \times 32 = 100000 \times 6 \times 32 = 19\,200\,000 \text{ bits}$

$= 2\,400\,000 \text{ octets} = 2.4 \text{ Mo}$

Pour le vecteur d'état de santé : $N \times 1 = 100\,000 \text{ octets}$

$= 0.1 \text{ Mo}$

quantité mémoire totale : 2.5 Mo

6. def separationParGroupe (data, etat):

GPNormap = [] L = []

GP Hernie = []

GPSpondy = []

for i in range (len(etat)):

if etat[i] == 0:

GPNormap.append(array(data[i,:]))

elif etat[i] == 1

GP Hernie.append(array(data[i,:]))

elif elat [i]: 2:

GPSpondy.append(array(data[i,:]))

L.append(GPNormalP)

L.append(GPKernic)

L.append(GPSpondy)

return L

/

✓

9. $x_{normj} = \frac{x_j - \min(x)}{\max(x) - \min(x)}$

10. `def min_max(x):`
`min = x[0]`
`max = x[0]`
`for i in range(len(x)):`
`if x[i] > max:`
`max = x[i]`
`elif x[i] < min:`
`min = x[i]`
`return min, max`

11. `def distance(z, data):`
`L = []`
`x ← d = 0`
`for i in range(len(data)):`
`for j in range(len(data[i])):`
`d = d + (data[i,j] - z[j])**2`
`L.append(sqrt(d))`
`d = 0`
`return L`

12. partie 1: tri par ordre croissant distance entre le
n-uplet à classer et un n-uplet connu
t, list, select, sont des listes
ind est une variable cellule