

Juliette DEBONO MPSI 2 18/06/2020
DS Info 3 - Euit

Question 1:

SELECT idpatient FROM MEDICAL WHERE etat = 'hernie
discale';

Question 2:

SELECT nom, prenom FROM PATIENT JOIN MEDICAL ON idpatient
= PATIENT.id WHERE dat = 'spondylolisthesis';

Distinct

Question 3:

select etat, count(*) FROM Medical GROUP BY etat;

Question 4:

Les tableaux du module numpy sont de taille fixe donc
ne prennent pas plus de place de mémoire, et on peut y effectuer
des calculs vectoriels

Question 5:

Le tableau est de taille $N \times n$ donc $100\,000 \times 6$, codé en 32 bits
ainsi, la quantité de mémoire est $100\,000 \times 6 \times 4 = 2\,400\,000$ octets
Soit 2,4 Mo.

Le vecteur est de taille $N = 100\,000$, codé en 8 bits = 1 octet.
Sa quantité de mémoire est donc $100\,000$ octets = 0,1 Mo.
La quantité de mémoire totale est donc de 2,5 Mo.

question 6

```
def separationParGroupe(data, etat):  
    normal = []  
    herniediscals = []  
    spondyloisthesis = []  
    for i in range(len(data)):  
        if etat[i] == 0:  
            normal.append(data[i])  
        elif etat[i] == 1:  
            herniediscals.append(data[i])  
        else:  
            spondyloisthesis.append(data[i])  
    return [normal, herniediscals, spondyloisthesis]
```

question 7

TEST: $i \neq j$

ARGS 1: n, n ~~i, j~~

ARGS 2: $\text{group}[k][0], \text{group}[k][1]$ ~~$\text{marker} = \text{mark}[k]$~~

ARGS 3: $\text{data}[i, j]$

question 8

le diagramme diagonale permet de voir à quelle mesure corporelle il y a le plus de patient, celui des diagrammes

hors diagonales voir s'il y a un lien entre les différentes mesures corporelles des patients. ✓

3. Apprentissage et prédiction

question 9.

$$x_{\text{norm}ij} = \frac{x_{ij}}{\max(X)}$$

Non, vous ne pouvez pas

question 10.

```
def min_max(X):  
    return min(X), max(X)
```

```
ou  
def min_max(X):  
    min, max = (0, 0)
```

je ne sais pas si je peux utiliser min et max, donc sinon autre méthode sans :

question 11

```
def normaliser(data):
```

```
    for i in range(data):
```

```
        min, max = min_max(data[i])
```

```
        data[i] = data[i] / max
```

```
    return data
```

```
for i in X:  
    if i > max:  
        max = i  
    if i < min:  
        min = i  
return min, max
```

Un mot sur la complexité ?

```
def distance(z, data):
```

```
    data = normaliser(data)
```

```
    liste = []
```

```
    for i in range(len(data)):
```

```
        liste.append(mean(abs(data[i] - z)))
```

```
    return liste
```

je ne sais pas si je peux utiliser mean du module numpy, sinon utiliser fonction de la question 10

question 12.

partie 1: On crée la liste T contenant les distances entre z et les n -uplet connus et indice de ce n -uplet, triée.

partie 2:

On crée la liste $select$ qui contient le nombre de n -uplet dans chaque état, pour les K -premiers n -uplets / les K plus proche (ou T triée)

partie 3: regarde par quel état on a le plus de n -uplets en analysant chaque valeur de $select$, et renvoie le numéro de l'état en question, donc l'état le plus probable parmi les K plus proches vecteurs.

question 13:

la diagonale de la matrice correspond aux cas où l'état prédit correspond à l'état test. Dans cette matrice, les valeurs de la diagonale sont globalement plus importantes que les autres valeurs, donc le test à une certaine fiabilité. la première ligne correspond au moment où le patient est normal alors qu'il devrait être malade (si on exclut la première valeur qui est sur la diagonale), la 1^{re} colonne correspond au moment où le patient à un état anormal alors qu'il devrait être normal. toutes les valeurs hors diagonales sont des défauts du modèle.

juliette dekonno TPSE2 18/06/2020

DS info écrit 2: suite

question 14

D'algorithme est environ efficace à 73%, il préfère les 75% si on prend k autour de 10, et est vers 70% pour les valeurs de k s'éloignant de 10: il faut donc prendre $k=10$ pour un maximum de fiabilité. Cependant, 75% signifie que D'algorithme a 1 chance sur 4 de se tromper dans son diagnostic, ce qui est élevé, et peut être grave surtout en médecine.

question 15:

def moyenne (x):

return sum(x)/len(x)

ou sans sum

def moyenne (x)

sum = 0

for i in x

sum += i

return sum / len(x)

def variance (x):

res = moyenne(x) * x 2

var = 0

for i in x:

OK


```

var += i ** 2
return var / len(x)

```

A revoir.

question 16

```

def synthese(data, etat):
    etat0, etat1, etat2 = ([], [], [])
    for i in range(len(data)):

```

Il manque
une boucle

```

        vect = data[i]
        moy = moyenne(vect)
        var = variance(vect)
        if etat[i] == 0:
            etat0.append([moy, var])
        elif etat[i] == 1:
            etat1.append([moy, var])
        else:
            etat2.append([moy, var])
    return [etat0, etat1, etat2]

```

question 17

```

def gaussienne(a, moy, v):
    return (1 / ((2 * pi * v) ** 0.5)) * exp(-(a - moy) ** 2 / (2 * v))

```



question 18

def probabilite_group(ϵ , data, etat):

 valeur = synthese(data, etat)

 valeur_exp.append(gaussienne(μ ,