

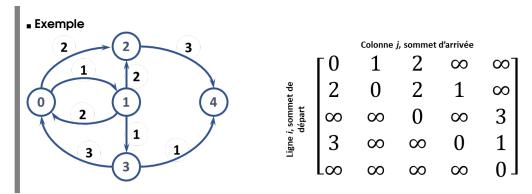
Cours





L'algorithme de Dijkstra est un parcours en largeur d'un graphe **pondéré** et orienté. Il permet de calculer l'ensemble des plus courts chemins entre un sommet vers tous les autres sommets du graphe.

Pour modéliser le graphe, on utilisera une matrice d'adjacence M pour laquelle  $M_{ij} = w(i,j)$  et w(i,j) représente le poids de l'arête de i vers j. Lorsqu'il n'y a pas d'arc entre deux sommets, on aura  $M_{ij} = \infty$ .



**Définition Poids d'un chemin** Soit un un graphe pondéré G = (V, E, w) où V désigne l'ensemble des sommets, E l'ensemble des arêtes et w, la fonction poids définie par  $w : E \to \mathbb{R}$  (w(u, v) est le poids de l'arête de u vers v).

On appelle poids du chemin C et on note w(C) la somme des poids des arêtes du chemin.

Un chemin de  $u \in V$  à  $v \in V$  est un plus court chemin s'il n'existe pas de chemin de poids plus petit.

■ **Exemple** Pour le chemin C = 0, 1, 2, 4, on a w(C) = 6. Pour le chemin C' = 0, 1, 3, 4, on a w(C') = 3. C' est un plus court chemin.

**Définition Distance** La distance d(u, v) est le poids d'un plus court chemin de u à v. On peut alors noter  $d(u, v) = \inf\{w(C)|C \text{ est un chemin de } u \text{ à } v\}$ .

Si v n'est pas atteignable depuis u on poser  $d(u, v) = \infty$ .

■ Exemple Dans le cas précédent, d(0,4) = 3, d(2,4) = 3 et  $d(4,1) = \infty$ 

**Propriété** Sous-optimalité – Soit C un plus court chemin de u à v ainsi que u' et v' deux sommets de C. Alors le sous-chemin de C de u' à v' est aussi un plus court chemin.

**Exemple** C' = 0, 1, 3, 4 est un plus court chemin; donc C' = 1, 3, 4 ou C' = 0, 1, 3 aussi.

Objectif Soit un graphe pondéré G = (V, E, w) où V désigne l'ensemble des sommets, E l'ensemble des arêtes et w, la fonction poids.

Soit s un sommet de V. L'objectif est de déterminer la liste de l'ensemble des distances entre s et l'ensemble des sommets de V.

Pour répondre à l'objectif, on peut formuler l'algorithme de Dijkstra ainsi.



Entrées: un graphe pondéré donné par liste ou marrice d'adjacence, un sommet s du graphe

**Sortie:** D liste des distances entre s et chacun des sommets

Initialisation de D:D[i] =  $\infty$ Initialisation de D:D[s] = 0

Initialisation de T:D[i] = False liste des sommets traités

Initialisation d'une file de priorité avec le sommet de départ F = {s}

Tant que F n'est pas vide:

Recherche du sommet u tel que d [u] minimal parmi les sommets de F

**Pour** tout voisin v de u **faire** :

**Si**  $\nu$  n'est ni dans F ni dans H **alors** 

Ajouter v à F

 $| \mathsf{D} = \min(d[v], d[u] + w(u, v))$ 

Ajouter u à H

Renvoyer D

Une des étapes qui diffère avec le parcours en largeur notamment, est l'utilisation d'une file de priorité et la recherche du sommet vérifiant d[u] minimal. Cela signifie que lorsqu'on partira d'un sommet  $\mathfrak s$ , on déterminera alors l'ensemble des distances permettant d'atteindre les voisins de  $\mathfrak s$ . À l'itération suivante, on visitera alors le sommet ayant la distance la plus faible.

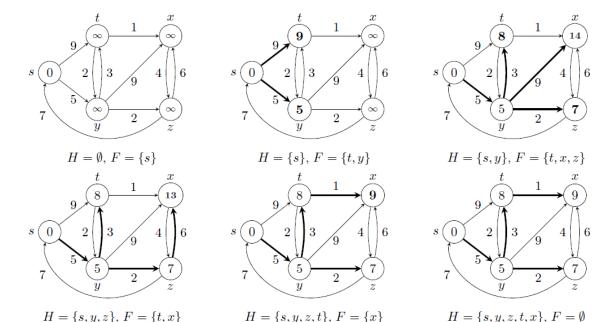
**Définition** File de priorité Une file de priorité est une structure de données permettant d'ajouter un élément et d'obtenir le minimum.

■ Exemple Soit une file de priorité comprenant les éléments suivants: file = [12,1,4,5]. La file de priorité est dotée d'une méthode pop permettant d'extraire la plus petite valeur. Ainsi, file.pop() renvoie 1 et la file contient alors les éléments [12,4,5]. En réitérant file.pop() renverra la valeur 4 et la file contient désormais les éléments [12,5].

Soit une file de priorité comprenant les éléments suivants : file = [(1,2),(2,5),(0,1)]. La méthode pop permetttra d'extraire le couple pour lequel la première valeur est la plus petite.

Ainsi, file.pop() renvoie (0,1) et la file contient alors les éléments [(1,2),(2,5)] etc.

■ Exemple [Jules Svartz] La figure suivante représente le déroulement de l'algorithme de Dijkstra sur un graphe à 5 sommets, depuis la source s. Pour chaque sommet u on a fait figurer la valeur d[u] à l'intérieur du cercle. Les arcs en gras représentent l'évolution de la liste des prédecesseurs.



On peut donc commencer par implémenter une fonction cherche\_min permettant de trouver le sommet i



vérifiant d[i] minimal parmi les sommets n'ayant pas été traités.

On donne alors l'algorithme de Dijkstra.

```
def dijkstra_mat(G,s):
    """

G donné par matrice d'adjacence. Renvoie les poids chemins de plus petits poids depuis s.
    """
    n=len(G)
    d = [float('inf')]*n
    d[s]=0
    traites = [False]*n
    while True:
        x=cherche_min(d,traites)
        if x==-1:
            return d
        for i in range(n):
            d[i]=min(d[i], d[x]+G[x][i])
        traites[x]=True
```

**Propriété** Pour *n* sommets et *a* arcs, on peut montrer que, la complexité de l'algorithme est en  $\mathcal{O}(a + n \log n)$ .

■ Exemple Reprendre le graphe précédent et utiliser l'algorithme de Dijkstra en partant du sommet 1.

## **Sources**

- Cours de Quentin Fortier.
- Cours de Jules Svartz, Lycée Masséna.