# machine learning 笔记

徐世桐

# 1 基础定义

二元分类:输出分类个数为 2 **多元分类**:输出分类个数不限

one-versus-the-rest OvR: 计算属于每一分类的可能性,取可能性最大的分类为输出分类 one-versus-one OvO: 对所有分类两两使用二元分类,每一分类器训练只需一部分数据

**multilabel 多标签分类**:目标检测,对一图像中的物体加 label **multioutput 多类分类**:多标签分类,每一标签可包含多种信息

learning schedule: 根据迭代次数更新学习率

early stopping: 提早结束训练

对于每一 epoch, 当验证集 MSE 值增高时,证明开始 overfit,停止训练

即在 epoch-error 图中泛化误差最低时停止训练

semi-supervised learning: 部分样本有对应标签

weakly-supervised learning: 对样本标记包含的物体,而不标注对应目标的具体位置

non parametric model: 无法用有限的 distribution parameter 代表的模型,如 Nearest neighbour

在训练中使用正则化代价函数,训练结束后测试中代价函数不使用正则化项 curse of dimentionality

令 d 为特征数, e 为一特征覆盖范围

为了在 n 总样本中覆盖 k 个样本, 平均需要 e 满足  $e^d = \frac{n}{k}$ 

随 d 升高,e 值接近 1。即每一特征需覆盖大部分取值范围使得 k 样本每个参数能同时被 d 个特征 覆盖

其余 n-k 样本存在特征取值范围的边界上, 即距离 k 样本距离几乎相同远

# 2 数学计算

 $MSE = \frac{1}{m} \sum_{i=1}^{m} (x^{(i)} - \bar{x})^2$ 

rigid regression: 回归方法,  $J(\theta) = MSE(\theta) + \frac{\alpha}{2} \sum_{i} \theta_{i}^{2}$ 

降低所有权重值

lasso regression: 回归方法,  $J(\theta) = MSE(\theta) + \alpha \sum_{i} |\theta_{i}|$ 

降低不重要的权重值

elastic net: 回归方法,  $J(\theta) = MSE(\theta) + \gamma \alpha \sum_{i} |\theta_{i}| + (1 - \gamma) \frac{\alpha}{2} \sum_{i} \theta_{i}^{2}$ 

Normal Equation:  $\hat{\theta} = (X^T X)^{-1} X^T y$ 

直接得到权重  $\hat{\theta}$ ,适用于仅有一个输出值的模型

X 为 (批量大小, 参数个数) 输入矩阵, y 为 (批量大小, ) 向量 当  $X^TX$  无逆矩阵时, 用 psudo inverse $\hat{\theta}=X^+y$ 

# pseudo inverse:

对矩阵  $X = USV^T$ , pseudo inverse  $X^+ = VS^+U^T$ 。  $S^+$  求法:

- 1. 对所有 S 元素,接近 0 的值赋为 0
- 2. 对所有非零元素取倒数
- 3. 取矩阵转置,得到  $S^+$

log loss: 代价函数

$$J(\theta) = -\frac{1}{|B|} \sum_{i=1}^{|B|} [y^{(i)} log(\hat{p}^{(i)}) + (1 - y^{(i)}) log(1 - \hat{p}^{(i)})]$$

标签值  $y^{(i)}$  为离散 1/0 值,计算值  $\hat{p}^{(i)} \in [0,1]$ 

微分: \*\* 推导 \*\*

$$\frac{dJ(\theta)}{d\theta_{j}} = \frac{1}{|B|} \sum_{i=1}^{|B|} (\hat{p}^{(i)} - y^{(i)}) x_{j}^{(i)}$$

Hinge loss: 代价函数

 $HingeLoss(y, \hat{y}) = max(0, 1 - y * \hat{y})$ 

应用于 SVM,  $y \in \{0,1\}$ ,  $\hat{y} \in \mathbb{R}$ 

代表当预测值  $\hat{y}$  和 y 同号, $\hat{y} \ge 1$ ,则预测值和标签匹配,代价 = 0。否则  $y * \hat{y} < 1$ 。代价值上升

# Gaussian Radial Basis Function RBF: 一种 similarity function

$$\phi_{\gamma}(x,l) = exp(-\gamma||x-l||^2)$$

l 为 landmark, 即  $\phi_{\gamma}$  由一样本  $x_i$  和一 landmark 的距离得来

# Lagrange multipliers method 拉格朗日乘数法

将 有前提的多项式求最值 问题转化为 无前提多项式最值问题 定义:

对输入向量 W,  $g(W) \ge 0$  为 constrain。目标为在满足  $g(W) \ge 0$  的前提下取 f(W) 最值 Lagrange function  $\mathcal{L}(W,\alpha) = f(W) - \alpha(g(W))$ 

 $\alpha$  为需要求解的变量之一,参与最终计算 W 的值。

当有多个 constrain  $g^{(i)}(W)$  时, $\vec{\alpha}$  为向量,求偏导对每一  $\vec{\alpha}^{(i)}$  求导

只有当  $\alpha \ge 0$  或每一  $\vec{\alpha}^{(i)} \ge 0$ , 结果才有效

 $\vec{\alpha}^{(i)} = 0$  代表对应的 constrain  $g^{(i)}(W)$  为一个 support vector

计算:

对每一W的元素 和 $\alpha$ 取偏导,即向量

$$\begin{bmatrix} \frac{d\mathcal{L}(W,\alpha)}{dw_1} \\ \frac{d\mathcal{L}(W,\alpha)}{dw_n} \\ \dots \\ \frac{d\mathcal{L}(W,\alpha)}{dw_n} \\ \frac{d\mathcal{L}(W,\alpha)}{d\alpha} \end{bmatrix}, 计算向量 = \vec{0} 时的 W, \alpha 取值$$

2

#### Distance Metrics

$$\begin{split} \text{Manhattan distance(L1-norm): } d(x^{(i)}, x^{(j)}) &= \sum_k |x_k^{(i)} - x_k^{(j)}| \\ \text{Euclidean distance(L2-norm): } d(x^{(i)}, x^{(j)}) &= \sqrt{\sum_k (x_k^{(i)} - x_k^{(j)})^2} \\ \text{Chebyshev distance(Linf-norm): } d(x^{(i)}, x^{(j)}) &= \max_k |x_k^{(i)} - x_k^{(j)}| \\ \end{split}$$

# information entropy

对单一一组数据 
$$X = [x_1, ...x_n]$$
,  $x_i$  在  $X$  中出现百分比为  $p(x_i)$   $X$  的数据熵  $H(X) = -\sum_i p(x_i)log_2(p(x_i))$ 

3 分类模型 3

当  $x_i$  为 continuous,不为离散值时,X 即一分部。此时  $H(X) = -\int_x p(x)log_2(p(x))\,dx$ 

# 3 分类模型

#### classification:

binary classification: 拥有 2 类标签

Multi-class classification: 拥有多类标签

Milti-lable classification: 单个样本可以属于多个标签

# logistic regression:

判断输入符合每一输出类别的可能性,

分类:

Simple regression: 单个样本变量个数为 1

Multiple regression: 样本变量个数 > 1

Mutivariate regression: 单个样本对应标签个数 > 1

前向计算:

$$1.\hat{p} = \sigma(\theta^T x + b)$$

$$2.\hat{y} = 1(if\hat{p} \ge 0.5)$$

$$=0(if\hat{p}<0.5)$$

代价函数为 log loss

## SVM

找到分界,分离多种数据

support vector: 最靠近分界线的样本

hard margin classification 硬性分类:限制数据必须被分界隔开,同一类数据不可同时出现在分界 2端

soft margin classification:与硬性分类相反,避免被 outlier 离群值影响

前向计算:  $\hat{p} = f(x_1, x_2, ...)$ , 其余同 logistic regression

区别: f 可为 polynomial, 非线性函数。可使用 kernel trick

线性分类训练:  $\hat{p} = W^T x + b$ , W 为参数向量

### 硬性分类:

||W||2 代表线性函数斜率

最小化  $\frac{1}{5}W^TW$ , 使得分界平面的斜率最小, 最大化分界线和两种数据的距离

前提:对每一样本  $i, 1.y^{(i)}\hat{p}^{(i)} \geq 1$ ,即标签和计算结果相同

求解: 1. 直接解以上带前提的不等式

'当样本数高于参数数量时使用,由于 dual form 的复杂度为  $O(|S|^2)$  -  $O(|S|^3)$ ,直接解复杂度为 O(|S|)'

2. 使用拉格朗日乘数法得到 dual form,其中  $\vec{\alpha}$  为向量。 $\mathbf{x}^{(i)}$  为第 i 样本的特征值向量  $\mathcal{L} = \frac{1}{2}W^TW - \sum_{i=1}^{|B|} \vec{\alpha}^{(i)}(y^{(i)}\hat{p}^{(i)} - 1)$ 

使偏导向量为 
$$\vec{0}$$
,得到  $2.W = \sum_{i=1}^{m} \vec{\alpha}_{i} y^{(i)} \mathbf{x}^{(i)}$ , $3. \sum_{i=1}^{m} \vec{\alpha}_{i} y^{(i)} = 0$  带入得  $\mathcal{L}(W, \vec{\alpha}) = \frac{1}{2} \sum_{i=1}^{|B|} \sum_{j=1}^{|B|} \vec{\alpha}_{i} \vec{\alpha}_{j} y^{(i)} y^{(j)} \mathbf{x}^{(i)^{T}} \mathbf{x}^{(j)} - \sum_{i=1}^{|B|} \vec{\alpha}^{(i)}$   $= \frac{1}{2} \vec{\alpha}^{T} (\mathbf{x} * y) (\mathbf{x} * y)^{T} \vec{\alpha} - \sum_{i=1}^{|B|} \vec{\alpha}^{(i)}$ 

其中  $(\mathbf{x} * y)$  为广播乘法 将训练集矩阵每一样本乘以对应标签值, y 为标签列向量

3 分类模型 4

使用 QP solver 得到使  $\mathcal{L}(W,\vec{\alpha})$  最小, $\vec{a}^{(i)} > 0$  的向量  $\vec{\alpha}$ 

解 W: 由  $\vec{\alpha}$  带入 2. 式计算,  $\vec{\alpha}$  已被 clamp, 见经验 2.

解 b: 由于所有 support vector  $\mathbf{x}^{(i)}$  满足 1. 式,则对所有 support vector 计算 b 取平均值  $b = E_{a^{(i)} > 0}(y^{(i)} - W^T \mathbf{x}^{(i)})$ 

3. 直接进行梯度下降,代价函数  $J(W,b) = \frac{1}{2}W^TW + const\sum_i HingeLoss(y^{(i)}, \hat{p}^{(i)})$ 

# 软性分类:

最小化  $\frac{1}{2}W^TW + C\sum_{i=1}^{|B|} \zeta_i$ 

 $\zeta_i$  定义第 i 样本被忽视为误差样本的可能性,C 定义忽视率相对斜率的权重

前提:对每一样本  $i, y^{(i)}\hat{p}^{(i)} > 1 - \zeta^{(i)}$ 

非线性分类方法:

# - 使用 polynomial 做 f

必须使用拉格朗日乘数法求解,目的为对  $\phi(x)$  得到线性权重和偏差,求解使用 dual form,其中 包含  $\phi(a)^T \cdot \phi(b)$  项即可使用 kernel method

权重 W 公式不再适用,由于结果不为线性

偏差 
$$b = \sum_{\vec{\alpha}^{(i)} > 0} y^{(i)} - \sum_{\vec{\alpha}^{(j)} > 0} \vec{\alpha}^{(i)} * y^{(j)} * K(\mathbf{x}^{(i)}, \mathbf{x}^{(j)})$$

- 使用 similarity function:

选择多个 landmark $\mathcal{L}=l_1,l_2,...,l_n$ , 对每一样本  $x_i$  计算其和每一  $l_i$  的  $\phi_{\gamma}$  值  $\phi_{\gamma}(x_i,l_i)$ 

选择多个 landmark 
$$\mathcal{L} = l_1, l_2, ..., l_n$$
,对每一样本  $x_i$  计算具和每一  $l_j$  的  $\phi_\gamma$  值  $\phi_\gamma(x_i, l_j)$  每个样本用新的向量  $x_i' = \begin{bmatrix} \phi_\gamma(x_i, l_1) \\ \phi_\gamma(x_i, l_2) \\ ... \\ \phi_\gamma(x_i, l_n) \end{bmatrix}$  表示。新的向量组成训练集,进行 SVM 训练

#### kernel:

定义: 能够从输入向量 a,b, 不通过计算  $\phi(a),\phi(b)$  直接得到点乘结果  $\langle \phi(a),\phi(b)\rangle$  的函数 例: \*\* 是否通过取 linear 为 phi 得到 kernel 函数 \*\*

linear:  $f(a,b) = a^T b$ 

polynomial:  $f(a,b) = (\gamma a^T b + r)^d$ 

poly 的  $\phi(x)$  为对向量 x 每一元素进行 poly 运算,结果向量元素数不变

Gaussian RBF:  $f(a,b) = exp(-\gamma||a-b||^2)$ 

Sigmoid:  $f(a,b) = tanh(\gamma a^T b + r)$ 

# 经验总结:

证)

- 1.QP solver 中需限定  $\sum_{i=1}^{m} \vec{\alpha}_{i} y^{(i)} = 0$ ,否则得出  $\hat{\alpha}$  不遵循此等式
- 2. 当样本有重叠, 仍可使用拉格朗日乘数法, 异常样本被分入错误类别。 此时  $\vec{\alpha}$  包含负值,对应的样本在计算权重 偏差时被忽略,即需 clamp 使  $\vec{\alpha} \geq 0$ 若不进行 clamp,得到的分界仅有略微差别,不会造成大幅误差。(在线性 非线性分类都有验

3. 梯度下降直接得到最优 W,b,无法通过梯度下降得到  $\vec{\alpha}$  由于梯度下降忽略限制条件

4.QP solver 需要  $(\mathbf{x} * y)(\mathbf{x} * y)^T$  为 positive definite, 计算时加上对角矩阵  $diag(\epsilon)$  即可,  $\epsilon$  多 取 10-4

> 否则迭代解 QP 时出现 KKT condition not met 或 positive definite 条件不满足 条件不满足时中断得到的  $\vec{\alpha}$  无法作为有效结果参与后续计算权重和偏差 优先将此矩阵转为 float64 类型,否则需要  $\epsilon$  较大才能保证 positive definite

4 KNN 5

# 4 KNN

lazy learner: 仅在得到特征后进行计算,得到训练集后仅仅保存训练集

定义:

得到样本集 S,每次得到需要预测的特征向量 x

算法:

从样本特征集中选取 k 个最邻近 x 的样本,距离由 distance metric 计算,返回 k 个样本标签中占比较大的标签

# distance weighted KNN

算法:

对 k 个邻近样本,每一分配权重  $w_i$ 。

对 k 个样本中同一标签下的样本权重求和, 总和较高的标签作为结果

取  $w_i$  方法 1:

1.  $w_i = \frac{1}{d(x^{(i)},x)}$ 

2.  $w_i = \frac{1}{2\pi} exp(-\frac{d(x^{(i)},x)^2}{2})$ 

 $d(x^{(i)}, x) \not\equiv \exists$  distance metric

优劣:

- 1. k 值影响较小,由于较远的样本  $w_i$  较小
- 2. 受 curse of dimentionality 影响。可对每一特征加权重 或 feature extraction 解决

# KNN regression

样本标签不为离散值,而为连续值,求 regression。

算法:

对所有可能的 feature 向量 x, 取距离 x 最近的 k 个样本。

x 的标签值为 k 个样本的平均值。此值即为 regression 结果

## Locally weighted regression

distance-weighted KNN,将 K 个邻近样本的距离作为权重  $w_i$ 。 计算 x 标签 =  $\sum_i w_i \cdot d(x^{(i)}, x)$ 

# 5 决策树

定义:

节点  $N_i$ :

节点条件: 判断样本进入哪一子节点, 叶节点没有节点条件

sample 属性  $S_i$ : 有多少样本进入  $N_i$  节点,非满足  $N_i$  节点条件的样本个数

value 属性  $V_i = v_{i1}, ..., v_{in}$ :  $S_i$  进入节点的样本中  $v_{ij}$  个属于第 j 分类

子节点仅有2个,对应节点条件为true/false的情况

分类方式:数据从根节点开始,根据节点条件传向对应子节点。直到到达叶节点。叶节点中 V 属性中最大项即数据分类

在 imbalanced dataset 上训练效果不好

# CART algorithm 创建决策树:

根节点初始化为叶节点,没有节点条件

对每一叶节点  $S_i$  选取一特征 k,一特征门槛  $t_k$ ,将样本集分为 2 组  $S_{true}$ ,  $S_{false}$ 。

选取  $(k, t_k)$  方式: 使代价函数  $J(k, t_k) = \frac{S_{true}}{S_i} G_{true} + \frac{S_{false}}{S_i} G_{false}$  最小gini 属性  $G_i$ : 数据混杂度, $G_i = 1 - \sum_{j=1}^n (\frac{v_{ij}}{S_i})^2$ 

直到决策树层数达到固定上限,或对所有分组条件  $(k,t_k)$ ,  $J(k,t_k) \geq G_i$ 

# information gain 创建决策树

允许单个节点  $N_i$  有多个子节点  $C_i = N_i$ ,(在特征为离散分类时)

选取子集方式: 最大化 information gain  $IG(N_i, C_i) = H(N_i) - \sum_{N_i \in C_i} (\frac{S_i}{S_i} H(S_j))$ 

H() 为 information entropy,**替换 CART** 法中的 gini 属性 所有特征为实数创建决策树:

将  $S_i$  样本按照实数特征排序,随后选择特征 门槛  $(k,t_k)$ ,将数据分为 2 组,最大化 information gain

即 CART algorithm,使用不同数据混杂度函数

所有特征为类别参数:

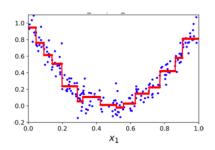
选择类别特征 t, t 中每一类别对应一子节点。即 t 的值域 = 子节点数

# 避免 overfit

- 1. 设置决策树层数上限
- 2. 设置节点样本下限, 若样本数量低于下限则停止继续分类

3.pruning

# 使用决策树进行 regression



输入样本,分类进不同值域 更改:

每一节点 value 值为一常数,为  $S_i$  样本的平均值。 输出值为叶节点的 value,非最大 value 对应的类别  $G_i$  为  $S_i$  样本的方差  $\frac{1}{S_i}\sum_{j=1}^{S_i}(x_i^{(j)}-\bar{x}_i)^2$ 

# 6 ensemble learning & 随机森林

ensemble learning: 使用一组预测机制进行学习,预测机制可为不同算法 dropout 为一种 ensemble learning,由于丢弃神经元即改变网络结构 random forest 随机森林:

训练方法: 随机选择 n 个训练子集  $s_1, s_2, ..., s_n \in S$ ,训练 n 个决策树  $t_1, ..., t_n$ 。前向计算: 对 n 个树产生的 n 个分类结果,选取投票最多的一分类作为结果

训练子集选取: bagging: 子集可重复选取一样本, pasting: 样本不重复

out-off-bag oob 样本: 当使用 bagging 选取时,平均只有  $1-e^{-1}$  样本被选择,余下样本被称为 oob 样本

7 维度下降 7

优化:

random patches 随机贴片:对特征和训练集同时取子集进行训练random subspace 随机子空间:对特征取子集,对整个总训练集进行训练

\*\* 使用 bagging 无法减少 variance, 需要对特征取子集提高效果 \*\*

extra-trees 极度随机森林: '使用随机  $t_k$  而不使用最小化数据混杂度的  $t_k$ '

kfeature importance 特征重要性: 对所有取 k 为判断条件的节点  $N_i$  , 计算加权平均值  $\sum_i (S_i$  imprity 降低百分比 )

(hypothesis) boosting: 合并多个预测机制据结果的方法

AdaBoost: 串联预测机制,对上一预测机制遗漏的样本加更高权重,进行训练

gradient boosting

# 7 维度下降

根据 manifold assumption, 高维空间中训练集参数点稀疏。则将数据压缩到低维 principle component analysis PCA:

对训练集参数矩阵取  $SVDUSV^T$ 

取 V 中前 d 个向量  $V' = [v_1, ..., v_d]$ ,新训练集  $A_{compressed} = A_{origin}V'$ 

从 新训练集 延展回 原训练集纬度:  $A_{expand} = A_{compressed}V^{T}$ 

Incremental PCA: 无需整个训练集存在内存中即可进行 SVD

kernel PCA: \*\*

local linear Embedding LLE:

对每一样本  $x^{(i)}$  寻找 k 个相邻样本 相邻样本 index 的集合称  $C_{x^{(i)}}$ 

构建 (|S|, |S|) 矩阵 W:

每一行向量  $[W_{i1},...,W_{i|S|}]$  满足  $x^{(i)} - \sum_{j \in C_{x^{(i)}}} W_{ij} x^{(j)}$ 

每一行向量  $W_i$  求和为 1:  $\sum_{i=1}^{|S|} W_i = 1$ 

由 W 创建新训练集:

使所有  $z^{(i)}$  满足最小化  $(z^{(i)} - \sum_{j=1}^{|B|} w_{ij} z^{(j)})^2$ 

# 8 聚类分析

# K-mean:

将数据分为 k 个 cluster,每个 cluster 有中心点称 centroid 算法:

- 1. 初始化随机选择 k 个样本位置做 centroid, 避免得到空 cluster 当迭代过程中出现空 cluster, 从其他 cluster 中分配一随机参数点给此 cluster
- 2. 分配样本:每个样本分入距离最近的 centroid 的 cluster
- 3. 更新 centroid: 新 centroid 为 cluster 中样本坐标平均值。

重复第 2.3. 步,直至 centroid 不再移动,或移动距离小于定值

vornoid diagram:

画有不同 cluster 的分界线的图

聚类分析 8

迭代:

多次随机初始化 centroid,选择其中 inertia 最小的 centroid 取法进行训练

interia = 
$$\frac{1}{|S|} \sum_{x} (C_x - x)^2$$
.

 $C_x$  为样本 x 距离最近的 centroid

k-mean++ 初始化 centroid:

- 1. 随机选择 1 个样本做 centroid
- 2. 剩余每一样本  $x^{(i)}$  有  $\frac{D(x^{(i)})}{\sum_{j=1}^{|S|} D(x^{(j)})}$  几率被选做新 centroid  $D(x^{(i)})$  为样本  $x^{(i)}$  距离最近的 centroid 的距离
- 3. 重复 2. 步直至得到 k 个 centroid

选择 cluster 数量 k:

elbow approach:

实验多次,每次选择不同 k 值。记录最终 loss 大小, k-loss 图像应当最初快速减小,随后连 线平缓。选择拐点处的 k 值作为最优超参数

cross validation:

数据分为 n fold,得到 n 组训练集,验证集分配

选择不同 k 值, 对每一 k 值 在每一训练集上训练, 在验证集得到验证代价值。共得到 n\*k 验 证代价

取k使得平均验证代价值最小

sihouette score: 所有样本的 sihouette coefficient 的均值

一样本  $x^{(i)}$  的 sihouette coefficient:  $\frac{b-a}{max(a,b)}$ a 为  $x^{(i)}$  到同一 cluster 内所有样本的平均距离  $b = min(E_{x^{(j)} \in othercluster}(D(x^{(i)} - x^{(j)})))$ 

sihouette score [-1,1], 偏向取 score 高的 cluster 数

使用 k-mean 进行数据预处理:

将数据首先进行 k-mean 分类,将每一样本替换为 样本到最近的 centroid 距离,传入另一模型进 行学习

用于半无监督学习:将数据进行 k-mean 分类,从每一 cluster 选取离 centroid 最近的样本,产生 大小为 k 的训练集。则只需得到 k 个样本的标签即可进行训练

#### k-mode

选择 centroid 使每一特征值分别为 对应特征中出现次数最多的特征值

# Probability Density Estimate PDE

得到样本分布的 pdf:  $\hat{p}$ , 对特征 x 输出可能性  $\hat{p}(x)$ 

non-parametic approach: 不对数据的分部做任何假设

根据整个训练集集 S 训练, lazy learning

kernel density estimation:

$$1.\hat{p}(x) = \frac{1}{|S|} \sum_{x^{(i)} \in S} \frac{1}{h^D} H(\frac{x - x^{(i)}}{h})$$

D 为 feature 个数, h 为 bandwidth,  $h^D$  即 window 体积

H 称 Parzen Window/kernel function

$$H(x) = \begin{cases} 1 & \forall i \in \{1, ..., D\}, |x_i| < \frac{1}{2} \\ 0 & otherwise \end{cases}$$

$$H(\frac{x-\hat{x}^{(i)}}{h})$$
 即判断  $x$  是否在给定数据  $x^{(i)}$ h 大小 window 内  $2.\hat{p}(x)=\frac{1}{|S|}\sum_{x^{(i)}\in S}\frac{1}{(2\pi h^2)^{\frac{D}{2}}}exp(-\frac{||x-x^{(i)}||^2}{2h^2})$ 

parametic approach:

Gaussian distribution: 假设 pdf 为 Normal 分部

# 直接根据训练集得到最优参数,没有迭代

1.univariate Normal distribution: 仅有一特征

$$\hat{p}(x) = N(x|\mu, \Sigma) = \frac{1}{\sqrt{2\pi\sigma^2}} exp(-\frac{(x-\mu)^2}{2\sigma^2})$$

$$\mu = \frac{1}{|S|} \sum x^{(i)}$$

$$\sigma^2 = \frac{1}{|S|} \sum (x^{(i)} - \mu)^2$$

即 multivariate Normal dis 中 D=1 情况

2.multivariate Normal distribution: 有多个特征

D 为特征数

$$\mu = \frac{1}{|S|} \sum_{x^{(i)} \in S} \mathbf{x}^{(i)}$$

covariance matrix  $\Sigma = \frac{1}{|S|} \sum_{x^{(i)} \in S} (\mathbf{x}^{(i)} - \mu) (\mathbf{x}^{(i)} - \mu)^T$ 

计算 performance: neg. log-likelihood

$$\mathcal{L} = -log(p(S|\mu, \Sigma)) = -\sum_{x^{(i)} \in S} log(p(\mathbf{x}^{(i)}|\mu, \Sigma))$$

Theorem: 当 neg. log-likelihood 最小化,  $\mu$  和  $\sigma$  有以上公式求解

$$= \frac{N}{2}log(2\pi) + \frac{N}{2}log(\sigma^2) + \frac{1}{2\sigma^2} \sum_{x^{(i)} \in S} (x^{(i)} - \mu)^2$$
 当  $\frac{d\mathcal{L}}{d\mu} = 0$  和  $\frac{d\mathcal{L}}{d\sigma^2} = 0$ ,  $\mu$  和  $\sigma$  有以上公式求解

Gaussian Mixtures Model(GMM): 一种 PDE, 假设所有子分部都为正态分部

参数: 
$$\theta = \{\pi_k, \mu_k, \Sigma_k | k = 1..K\}$$

共 K 个子分部,每一分部  $\sim N(\mu_k, \Sigma_k)$ 

使用多个子分部之和代表样本 pdf 分部,  $p(x) = \sum_{k=1}^K \pi_k N(x|\mu_k, \Sigma_k)$ 

x 可为向量,则 p(x) 计算方法同 Multivariate Normal Distribution 此时称多元混合高斯分布

$$0 \le \pi_k \le 1, \sum_{k=1}^K \pi_k = 1$$
,保证产生的 pdf 积分为 1

- 1. 随机初始化所有参数,仅保证  $\sum \pi_k = 1$
- 2.E-Step

对每一样本 i,子分部 k 计算 responsibility 
$$r_{ik} = \frac{\pi_k N(\mathbf{x}^{(i)}|\mu_k, \Sigma_k)}{\sum_j^K \pi_j N(\mathbf{x}^{(i)}|\mu_j, \Sigma_j)}$$

3.M-Step

定义 
$$N_k = \sum_{i=1}^{|B|} r_{ik}$$
 对一子分部的 responsibility 求和 更新  $\mu_k = \frac{1}{N_k} \sum_{i=1}^{|B|} r_{ik} \mathbf{x}^{(i)}$ 

更新 covariance matrix  $\Sigma_k = \frac{1}{N_k} \sum_{i=1}^{|B|} r_{ik} (\mathbf{x}^{(i)} - \mu_k) (\mathbf{x}^{(i)} - \mu_k)^T$  使用当前 M-Step 已更新的  $\mu$ 

更新 
$$\pi_k = \frac{N_k}{|B|}$$

4. 当  $\theta$  不再大幅改变,**或当 neg. log likelihood 不再下降**则停止,否则回到 2. neg. log likelihood  $\mathcal{L} = -\sum_{x^{(i)} \in S} log(p(\mathbf{x}^{(i)}|\mu, \Sigma))$ 

9 GAN 对抗网络 10

p 为 K 个子分部加权求和值,即一样本输出的 fit 值

调参:选择子分部个数 K

 $BIC_K = \mathcal{L}(K) + \frac{P_K}{2}log(|B|)$ 

 $\mathcal{L}(K)$  为使用 K 类别时的 neg. log likelihood

当使用特征个数 n 时,  $P_K = n * \frac{(n+1)n}{2} * k - 1$  为使用的参数个数

n 对应使用的  $\mu$  个数

 $\frac{(n+1)n}{2}$  covariance 参数个数,由于  $\Sigma$  为 n\*n symmetric matrix

#### 区别 K-mean:

GMM-EM 可得到一样本 i 属于每一类别 k 的可能性,即  $r_{ik}$ 

GMM-EM cluster 等高线可以为非正圆,K-mean 每一 cluster 为正圆从 centroid 向外发散

GMM-EM cluster 等高线集中程度可不同, K-mean 每一 cluster 等高线间距相同

cluster 间分界不受等高线的弧形影响,受交接的 2 子分部影响

#### **DBSCAN**

适用于一 cluster 内样本密度较高的训练集

算法:

- 1. 对每一样本  $x_i$  计算集合  $S_{i\varepsilon}$ ,称  $\varepsilon$  neighbourhood,包含所有距离在  $\varepsilon$  内的其他样本  $|S_{i\varepsilon}| >$  超参数  $s_{min}$  的样本称 core instance
- 2. 所有属于同一  $S_{i\varepsilon}$  的样本判为属于同一 cluster,当一样本  $x_i$  同时存在样本  $x_i, x_j$  的  $\varepsilon$  neighbourhood 中时,合并  $S_{i\varepsilon}, S_{i\varepsilon}$ 。
  - 3. 没有被分配进任何  $S_{i\varepsilon}$  的样本判为异常值

# 9 GAN 对抗网络

#### 基本结构:

generator G: 得到正则噪声  $\mathbf{z}$ , 生成伪数据  $\mathbf{x}'$ 。目标为使  $D(\mathbf{x}')=1$ 

discriminator D, 从实际数据集  $\mathbf{x}$  或伪数据集  $\mathbf{x}'$  得到数据判断真伪。即对伪数据输出 0 真数据 1。

一次训练:(首先进行 D 更新,后进行 G 更新)

## 两部分使用不同 trainer,每一部分计算代价值后立即更新参数

1.discriminator 部分:

得到一批量正则噪声 **z**,计算伪数据  $\mathbf{x}' = G(\mathbf{z})$ ,标签为  $\vec{0}$ 。

取一批量真实数据  $\mathbf{x}$ , 标签为  $\vec{1}$ 。

对 2 批量数据分别使用二元交叉熵损失函数训练。最终代价值为两部分代价值平均值。

调用 D 部分的 trainer

2.generator 生成数据

与 D 部分使用同一批量正则噪声,使用未更新的 G 参数和**已更新的 G 参数**前向计算。输出的标签期望为  $\vec{1}$ 

即代价函数为  $J_G = -ylog(D(G(\mathbf{z})))$ 

 $=-log(D(G(\mathbf{z})))$  (y 必为 1,由于期望产生  $\mathbf{x}'$  使  $D(\mathbf{x}')=\vec{1}$ )

调用 G 部分的 trainer

## Deep Convolutional GAN

9 GAN 对抗网络 11

# VAE Divergence

定义 divergence function  $D: \mathcal{P} \times \mathcal{P} \to \mathbb{R}$ 

有 
$$D(P,Q) \ge 0$$
,  $D(P,P) = 0$ 

# Jensen's inequality

有函数  $f: \mathbb{R} \to \mathbb{R}$ , random variable  $\mathbf{x} \sim D$ 。令  $p(\mathbf{x})$  为 D 的 pdf

则有 
$$E_{p(\mathbf{x})}(f(\mathbf{x})) \geq f(E_{p(\mathbf{x})}(\mathbf{x}))$$

Law of Unconscious Statisticians:  $\forall Y = g(\mathbf{x})$ 

若 
$$E_{p_X(\mathbf{x})}(g(\mathbf{x})) < \infty$$
,则  $E_{p_Y(y)}(y) = E_{p_X(\mathbf{x})}(g(\mathbf{x}))$ 

Generalized Jensen's inequality:  $E_{p_X(\mathbf{x})}(f(g(\mathbf{x}))) = f(E_{p_X(\mathbf{x})}(g(\mathbf{x})))$ 

# Kullback-Leibler KL divergence

divergence KL: 
$$KL(P||Q) = \int p(\mathbf{x}) \ln(\frac{p(\mathbf{x})}{q(\mathbf{x})}) dx$$

令真实数据集分部  $X_{data}$ ,GAN 根据参数  $\theta$  生成的数据集分部  $X_{\theta}$ 

$$\theta$$
 代价函数  $KL(X_{data}||X_{\theta}) = E_{p_{data}(\mathbf{x})}(\ln(p_{data}(\mathbf{x}))) - E_{p_{data}(\mathbf{x})}(\ln(p_{\theta}(\mathbf{x})))$  即最优化参数  $\theta$  为最小化  $E_{p_{data}(\mathbf{x})}(\ln(p_{\theta}(\mathbf{x})))$ 

#### Variational Inference:

1. 
$$p_{\theta}(\mathbf{x}) = \int p_{\theta}(\mathbf{x}|\mathbf{z})p(\mathbf{z}) dz$$

z 为 GAN 生成使用的输入 Gaussian noise, 即  $\mathbf{z} \sim \mathcal{N}(\vec{0}, I)$ 

 $p_{\theta}(\mathbf{x}|\mathbf{z})$  为使用  $\theta$  生成  $\mathbf{x}$  特征的几率

由于对高维向量 z 求积分, 难以计算

2. 
$$\log(p_{\theta}(\mathbf{x})) = \log \int p_{\theta}(\mathbf{x}|\mathbf{z})p(\mathbf{z}) dz$$

$$= \log \int q(\mathbf{z}) \frac{p_{\theta}(\mathbf{x}|\mathbf{z})p(\mathbf{z})}{q(\mathbf{z})} dz$$

$$\geq \int q(\mathbf{z}) \log(\frac{p_{\theta}(\mathbf{x}|\mathbf{z})p(\mathbf{z})}{q(\mathbf{z})}) dz$$
 ( $\boxplus$  Jensen's inequality)

$$= E_{q(\mathbf{z})}(\log(p_{\theta}(\mathbf{x}|\mathbf{z}))) - KL(q(\mathbf{z})||p(\mathbf{z}))$$

\*\* 结论: 
$$q(\mathbf{z}) \approx p_{\theta}(\mathbf{z}|\mathbf{x})$$
 时 代价值  $E_{q(\mathbf{z})}(\log(p_{\theta}(\mathbf{x}|\mathbf{z})))$  较小 \*\*

## Variational auto-encoder

根据上结论,令  $q(\mathbf{z}) = q_{\phi}(\mathbf{z}|\mathbf{x})$ , $\phi$  为另一神经网络,得到  $\mathbf{x}$ ,输出  $\mathbf{z}$ 。

 $\Leftrightarrow \vec{\mu}_{\phi}(\mathbf{x}), \log(\vec{\sigma}_{\phi}(\mathbf{x}))$  为网络  $NN_{\phi}(\mathbf{x})$  输出的均值  $\log \operatorname{std}$ 。有  $q_{\phi}(\mathbf{z}|\mathbf{x})$  为  $\mathcal{N}(\vec{\mu}_{\phi}(\mathbf{x}), \operatorname{diag}(\vec{\sigma}_{\phi}^{2}(\mathbf{x})))$ 

VAE 目标即得到  $\phi, \theta$  使得  $L(\phi, \theta)$  最大

$$L(\phi, \theta) = E_{p_{data}(\mathbf{x})}(E_{q_{\phi}(\mathbf{z}|\mathbf{x})}(\log(p_{\theta}(\mathbf{x}|\mathbf{z}))) - KL(q_{\phi}(\mathbf{z}|\mathbf{x})||p(\mathbf{x})))$$

Theorem:  $KL(q_{\phi}(\mathbf{z}|\mathbf{x})||p(\mathbf{x})) = \frac{1}{2}(\|\vec{\mu}(\mathbf{x})\|^2 + \|\vec{\sigma}(\mathbf{x})\|^2) - 2(\log(\vec{\sigma}(\mathbf{x})) \cdot \vec{1} - d)$ , d 为 z 向量元素数 求导:

Monte Carlo Estimation:  $L(\phi, \theta) + E_{q_{\phi}(\mathbf{z}|\mathbf{x})}(\log(p_{\theta}(\mathbf{x}|\mathbf{z}))) \approx \log(p_{\theta}(\mathbf{x}|\mathbf{z}))$ ,  $\sharp + \mathbf{z} \sim q_{\phi}(\mathbf{z}|\mathbf{x})$ 

则对 
$$\theta$$
 求导:  $\frac{dL(x,\phi,\theta)}{d\theta} = \frac{d\log(p_{\theta}(x|z))}{d\theta}$ , 其中  $\mathbf{z} \sim q_{\phi}(\mathbf{z}|\mathbf{x})$ 

则对 
$$\theta$$
 求导:  $\frac{dL(x,\phi,\theta)}{d\theta} = \frac{d\log(p_{\theta}(x|z))}{d\theta}$ , 其中  $\mathbf{z} \sim q_{\phi}(\mathbf{z}|\mathbf{x})$  对  $\phi$  求导:  $\frac{dL(x,\phi,\theta)}{d\phi} = \frac{dE_{q_{\phi}(\mathbf{z}|\mathbf{x})}(\log(p_{\theta}(\mathbf{x}|\mathbf{z})))}{d\phi} - \frac{dKL(q_{\phi}(\mathbf{z}|\mathbf{x})||p(\mathbf{z}))}{d\phi}$ 

Reparameterisation trick:  $\mathbf{z} \sim q_{\phi}(\mathbf{z}|\mathbf{x})$  iff  $\mathbf{z} = \vec{\mu}_{\phi} + \vec{\sigma}_{\phi} \odot \vec{\epsilon}$ ,  $\not\equiv \psi \in \mathcal{N}(\vec{0}, I)$ 

$$\mathbb{II} E_{q_{\phi}(\mathbf{z}|\mathbf{x})}(\log(p_{\theta}(\mathbf{x}|\mathbf{z}))) = E_{\vec{\epsilon} \sim \mathcal{N}(\vec{0}, I)}(\log(p_{\theta}(\mathbf{x}|\vec{\mu}_{\phi} + \vec{\sigma}_{\phi} \odot \vec{\epsilon})))$$

$$\text{III} \ \tfrac{E_{q_\phi(\mathbf{z}|\mathbf{x})}(\log(p_\theta(\mathbf{x}|\mathbf{z})))}{d\phi} = E_{\vec{\epsilon} \sim \mathcal{N}(\vec{0},I)}(\tfrac{\log(p_\theta(\mathbf{x}|\vec{\mu}_\phi + \vec{\sigma}_\phi \odot \vec{\epsilon}))}{d\phi})$$

$$=E_{\vec{c}_{+},\mathcal{N}(\vec{0},T)}(\frac{d\mathbf{z}}{dt}\frac{\log(p_{\theta}(\mathbf{x}|\mathbf{z}))}{dt}|_{\mathbf{z}=\vec{u}_{+}+\vec{\sigma}_{+}\odot\vec{\epsilon}})$$

$$= E_{\vec{\epsilon} \sim \mathcal{N}(\vec{0}, I)} \left( \frac{d\mathbf{z}}{d\phi} \frac{\log(p_{\theta}(\mathbf{x}|\mathbf{z}))}{d\mathbf{z}} \big|_{\mathbf{z} = \vec{\mu}_{\phi} + \vec{\sigma}_{\phi} \odot \vec{\epsilon}} \right)$$

$$= \frac{d\mathbf{z}}{d\phi} \frac{\log(p_{\theta}(\mathbf{x}|\mathbf{z}))}{d\mathbf{z}} \big|_{\mathbf{z} = \vec{\mu}_{\phi} + \vec{\sigma}_{\phi} \odot \vec{\epsilon}} \right), \quad \sharp \dot{\mathbf{p}} \quad \vec{\epsilon} \sim \mathcal{N}(\vec{0}, I)$$

应用:

 $p_{\theta}(\mathbf{x}|\mathbf{y})$  中 y 代表期望产生的数据类别,生成网络输入为 y,z

# 10 RL 强化学习

# 基本定义

程序在 environment 环境中根据观测得到的 state 状态,选择 action 行为,得到 reward 反馈模型整体符号定义 <A, S, R, P>

Action space A

State space S

Reward  $R: \sum \times A \times S \to R$ 

Transition  $P: \sum \times A \to S$ 

第 i 决策的符号定义:

 $a_i \in A$  采取的行为

 $r_i \in R$  得到的 reward,每一行为可以立即得到反馈值

exploring 探索: 模型尝试新行为

exploiting 利用:模型使用已知高反馈行为

# policy

根据观测选择  $a_i$  的算法

stochastic policy: policy 中有随机性 随机性提高模型 explore 新行为

genetic algorithm: 遗传算法

policy gradients: 对参数求导, 更新参数

# credit assignment:

对每一决策分配 discounted reward, 代表此决策对随后几次决策的反馈值影响 定义:

l 此次试验一共包含的决策数,  $\gamma$  为 discount factor

#### 计算:

第 l-1 决策有决策有 discounted reward:  $d_i = r_i$ 

第 i 决策有 discounted reward:  $d_i = r_i + \gamma * d_{i+1}$ 

正则化:对所有实验中每一次决策  $r_i$  取整体平均值,方差,求标准化

# neural network policy

**前向传播**:使用神经网络得到行为可能性,根据可能性选择行为。属于 generic gradient policy **单次迭代**:

定义:一次决策

- 1. 从 policy 得到行为可能性
- 2. 用交叉熵代价函数求代价值, y\_hat 为 1. 中可能性, y 为实际采取的行为
- 3. 根据代价函数求斜率,斜率使神经网络输出可能性更偏向采取的行为。但不立即使用斜率
- 1. 随机初始化 1 次模型,对 n 个随机初始化环境进行试验,每一试验中包含多个决策每一环境得到决策数不一定相同,取决于试验中进行的决策次数
- 2. 对每一决策求 discounted reward,结果包含 n 组数组,第  $l_i$  组数组对应第 i 次实验的 discount reward 数组
  - 3. 对所有 discounted reward 标准化,平均值 方差为所有 dis reward 值

- 4. 对每一参数每一决策的斜率乘对应决策的 dis reward。对结果中所有属于同一参数的乘积取平均值,为此参数的斜率
  - 5. 使用斜率更新参数值

### Markov Decison Process MPD

每一状态  $s_i$  有可执行的行为集合  $A_{s_i} \subseteq A$ 。不同状态行为集合可有交集 行为  $a_{ij} \in A_{s_i}$  代表状态  $s_i$  执行行为  $a_j$ 。执行  $a_{ij}$  后有  $p_{a_{ij},s_k}$  几率到达状态  $s_k$  optimal state value  $V^*(s_i)$ :

模型到达状态  $s_i$  后 选择最理想的  $a_{ij}$  能得到的 discounted reward 总和

$$V^*(s_i) = \max_j \sum_s [p_{a_{ij},s_k}(R(s_i, a_{ij}, s_j) + \gamma \cdot V^*(s_j))]$$

Q-value iteration algorithm:

得到 从  $s_i$  选择  $a_{ij}$  后期望的 discounted reward 值

迭代:  $Q_{n+1}(s_i, a_{ij}) = \sum_j [p(a_{ij}, s_j)(R(s_i, a_{ij}, s_j) + \gamma \cdot max_{a_{jk}}(Q_n(s_k, a_{jk})))]$ 

policy: 状态为  $s_i$  时选取  $a_{ij} = max_{a_{ij}} Q^*(s_i, a_{ij})$ 

# Temporal Difference Learning TD learing

在  $p_{a_{ij},s_i}$ , R 未知的情况下迭代得到  $V(s_i)$ 

更新函数:  $V(s) = (1 - \alpha)V(s) + \alpha \cdot (r + \gamma \cdot V(s'))$ 

 $= \leftarrow_{\alpha} r + \gamma \cdot V(s')$  简介写法

s' 为状态 s 能达到的下一状态

 $\alpha$  为学习率,  $\gamma$  为 discount factor

#### Q-Learning

方法 1: 在  $p_{a_{ij},s_j}$ , R 未知的情况下**每次决策更新一个**  $Q(s_i,a_{ij})$  值。每次决策选择  $Q_{s_i,a_{ij}}$  最大的行为

更新函数:  $Q(s_i, a_{ij}) \leftarrow_{\alpha} r + \gamma \cdot max_{a_{ik}}(Q(s_i, a_{jk}))$ 

 $\alpha$  为学习率,  $\gamma$  为 discount factor

所有  $Q(s_i, a_{ij})$  初始化为 0

r 为实际得到的 reward

 $\max_{a_{jk}}(Q_n(s_j,a_{jk}))$  为估计的 discounted reward 总和,取值为: 决策后**实际到达的下一状态**  $s_j$  的所有  $Q(s_j,a_{jk})$  中最大值

方法 2: 为避免需要过多实验才能得到准确的  $Q^*(s_i, a_{ij})$ , 使用  $\epsilon$  – greedy policy。

决策时每一步有  $\epsilon$  几率随机选择下一行为, $1-\epsilon$  几率选择  $Q_{s_i,a_{ij}}$  最大的行为

Q 更新函数同方法 1

方法 3: 另一随机 explore 算法, 使用 exploration function 根据行为被选择的次数判断行为被 explore 的程度

选择行为时仍选取  $max_{a_{ij}}Q(s_i, a_{ij})$ 

更新函数:  $Q(s_i, a_{ij}) \leftarrow_{\alpha} r + \gamma * max_{a_{ik}} f(Q(s_i, a_{jk}), N(s_i, a_{jk}))$ 

 $N(s_i, a_{jk})$  为行为  $a_{jk}$  在状态  $s_i$  下被选择的次数。

f(Q,N) 根据选择次数和 Q 值决定行为的优先级。例:  $f(Q,N) = Q + \frac{\kappa}{1-N}$ 

# **Approximate Q-Learning**

解决当模型的状态数 行为数过大时训练过慢的问题。通过找到方程  $Q_{\theta}(s_i,a_{ij})$  估计实际  $Q^*(s_i,a_{ij})$ ,根据给定参数向量  $\vec{\theta}$ 

# deep Q-networks DQNs

使用神经网络估计  $Q_{\theta}(s_i, a_{ij})$  值, 使用的神经网络称 DQN

DQN 得到  $s_i$ ,返回  $Q_{\theta}(s_i, a_{ij})$ 。最终选取行为时根据  $Q_{target}(s_i, a_{ij}) = r + \gamma * max_{a_{jk}}Q_{\theta}(s_j, a_{jk})$  得到训练集:

一个样本包含  $s_i$ ,  $a_{ij}$ , 得到的 rewardr, 进入的下一  $s_j$ , bool 值 done 代表下一状态为终止状态 将所有样本加入集合 replay buffer,取样本时随机选取,避免相邻样本的 correlation 影响训练  $s_i$  可为图片,无需人工得到参数

### 迭代:

- 1. 进行多组试验,每组试验的每一决策加入 replay buffer。前几次迭代不进行训练,由于 replay buffer 中样本多样性较低
  - 2. 训练从 replay buffer 取一批量样本,对于每一样本  $(s_i, a_{ij}, r, s_j, done)$

得到  $Q_{target}(s_i, a_{ij})$ 

将下一状态  $s_i$  通过 DQN 得到向量  $Q_{\theta}(\vec{s_i}, a_{ik})$ , 元素数为行为数

对  $Q_{\theta}(s_j, a_{jk})$  取最大值,即得到  $\max_{a_{jk}} Q_{\theta}(s_j, a_{jk})$  值

根据  $\max_{a_{jk}} Q_{\theta}(s_j, a_{jk})$  计算  $s_i$  的新 target 值  $Q_{target}(s_i, a_{ij})$ 

得到  $Q_{\theta}(s_i, a_{ij})$ 

将  $s_i$  传入 DQN,得到  $Q_{\theta}(\vec{s_i}, a_{ij})$ 。并和 one hot 向量点乘 得到决策实际选取的行为  $a_{ij}$  的  $Q(s_i, a_{ij})$ 

3. 代价值为一批量的  $Q_{\theta}(s_i, a_{ij})$  和  $Q_{target}(s_i, a_{ij})$  的平均平方代价值,根据代价值梯度下降训练 DQN

# Fixed Q-Value Target

使用 2 神经网络,分别负责计算  $Q_{target}$ ,  $Q_{\theta}$ 

两网络初始参数一致,每 n 次循环后将计算  $Q_{\theta}$  的网络参数抄入  $Q_{target}$  网络

计算 target 时使用  $s_i$  传入  $Q_{target}$  网络的结果。即 使得 target 计算不再每一循环一更新而是每 n循环更新。训练更稳定

## Double DQN

类似 Fixed Q-Value layer, 每次循环更新  $Q_{target}$  网络, 每 n 次循环后将  $Q_{target}$  抄入  $Q_{\theta}$ 

### Pritorized Experience Relay

#### Evolutionary algorithm

通过交换参数的一部分得到更优的参数组合

模型:

对参数向量  $\vec{x} = [x_1, x_2, ...]$  评估方程  $f(\vec{x}) \in \mathbb{R}$ 

目标:得到  $\vec{x}$  使  $f(\vec{x})$  值最大化

算法:

- 1. 随机初始化 n 参数向量
- 2. 每一迭代中取 m 个参数向量进入集合 S

取法 1: 每一参数向量  $\vec{x_i}$  有  $\frac{f(x_i)}{\sum_i f(x_i)}$  几率被选中进入 S

取法 2: 将每一参数向量  $\vec{x_i}$  根据  $f(\vec{x_i})$  排序,排名第 j 向量有  $P(\vec{x_i}) = p*(1-p)^(j-1)$  几率 被选中进入 S。第 m 参数向量有可能性 1-(1 到 m-1 参数可能性之和)

取法 3: 定义参数向量间间距  $D(\vec{x_i}, \vec{x_j})$ , 用于保证选取的参数分部范围广泛

取  $f(\vec{x_i})$  最大的  $\vec{x_i}$  放入 m 集合

随后选取 m-1 个向量, 选取  $\vec{x_i}$  使得  $f(\vec{x_i}) * E_{v \in S}(D(\vec{x_i}, v))$  最大的

即选取参数向量使得 其与已经选择的向量平均距离 \* 自身  $f(\vec{x_j})$  值 最大化 tornament 取法: 每次随机选择 n 个参数向量,选择其中 fit 值最高者加入 S

支持 concurrent 创建 S

无需准确得到 fit 值,只需能够比较两参数向量优劣即可

Elitism 取法: 选择 fit 最优的部分参数向量直接加入 S, 比例多取 10%

3. 根据最优 m 个参数向量,交换参数得到 m 个下一代参数向量,变异出剩余 n-m 个参数向量 交换参数: 对  $\vec{x} = [x_1, x_2, ...]$ ,  $\vec{y} = [y_1, y_2, ...]$  交换结果为  $\vec{x}' = [x_1, y_2, ...]$ ,  $\vec{y}' = [y_1, x_2, ...]$  交换元素的位置根据算法可变

变异向量由已有的 m 个后代参数向量变异得到

对  $\vec{x} = [x_1, x_2, ...]$ ,变异参数向量每一元素  $x_i'$  有  $x_i'U(-step\_size + x_i, step\_size + x_i)$  使用的分部不一定为 Uniform 分部

4. 当迭代次数达到限制, 当一参数向量 fit 值达到限度, 当 fit 值不再大幅改变, 停止

# Genetic algorithm

定义:

Gene: 单一可选的参数值

Genetype:一段二进制值,对应一参数向量

当参数使用编码导致可选值大于限定值域,将多余编码的评估值设为0,使其不被选入下一

迭代

Phenotype: 将 Genetype 分离成单个参数对应参数向量中每一元素

crossover 交换数据时交换 Genotype 一段 bit 值

mutation 变异: 每一 bit 有 m 几率取相反值, m 常取  $\frac{1}{qenotype\ length}$ 

Evolutionary strategy  $(\mu + \lambda)$  - ES

定义:

Genotype: 一数组实数

 $\mu, \lambda$  为给定超参数。常取  $\frac{\lambda}{\mu} = 5$ 

初始化: 随机创建  $\mu + \lambda$  个参数向量

选择 S: 选择 fit 值最高的  $\mu$  个参数向量

生成下一迭代参数:

- 1. 使用超参数  $\sigma$ : 随机选择  $\lambda$  个向量  $\vec{x}_i$ , 分别生成  $\vec{x}_i = \vec{x}_i + N(0, \sigma)$ 
  - + 为对每一  $\vec{x}_i$  中参数值加 normal 变量
  - σ 较大则数据分散。较小则学习率低,受局部最优影响。
- 2. 在迭代过程中改变  $\sigma$ ,有超参数  $\tau_0 \propto \frac{1}{\sqrt{n}}$ ,n 为参数向量元素数 前一迭代有  $\sigma_i$ ,选择  $\lambda$  个参数向量  $\vec{x}_i$  下一迭代有  $\sigma_j = \sigma_i exp(\tau_0 N(0,1))$

生成新参数向量  $\vec{x}_i = \vec{x}_i + \sigma_i N(0,1)$ 

# **Novelty Search**

定义:

Novelty(x, A) =  $\frac{1}{N}\sum_{i}^{N}d(x,x_{i})$ , 即参数向量到 A 中 N 个邻近参数向量的平均距离。A 为 Novelty Archive,为一参数向量集合

11 机器翻译 16

behavioural descriptor: 定义参数向量对应的策略类型, Novelty Search 目标为找到合适的 behaviour descriptor

迭代:

fit 函数即 Novelty(x),一次迭代从参数向量中选择 Novelty 最高向量加入 Archive,由 archive 生成下一代参数向量

# Novelty Search with Local Competition

为一 Multi-objective EA: 同时最大化 Novelty 和 Local Competition

Local Competition LC(x): 对 Archive 中邻近的 N 个参数向量,其中 fit 值 < f(x) 的向量个数 迭代时将  $f(x_i) < f(x)$  的  $x_i$  替换为 x

#### **MAP-Elites**

将参数向量对应到 2d 网格,每一格仅存在 0-1 个向量。

向量在网格的分部不一定为 uniform

迭代时随机选择一个参数,变异。得到新的参数向量对应网格中一格,若已有一参数向量对应此格,则选择两参数向量中 fit 值较大的加入 archive,较小参数被移除

performance 计算:

diversity: archive size, 即网格中有参数对应的格数

fit 值: archive 中参数的最大或平均 fit 值

converge 速度

QD-Score: archive 中参数的 fit 值总和

假设 fit 值全部为正

同时考虑 diversity 和 fit 值的表现

# 11 机器翻译

#### 分析翻译结果

Bilingual Evaluation understudy BLEU-n:

对预测翻译  $\hat{s} = [\hat{s}_1, \hat{s}_2, ...]$ ,计算和给定目标翻译 s 的相似度

BLEU-n=  $BP * (\prod_{i=1}^{n} (i \cdot precision(i)))^{\frac{1}{n}}$ 

precision(i):

使用 i 词长度的窗口, 选取  $\hat{s}$  的子字符串  $\{[\hat{s}_1,...,\hat{s}_i],[\hat{s}_2,\hat{s}_{i+1}],...\}$ 

precision(i) = 子字符串中同时为目标翻译 substring 的个数 / 子字符串个数

BrevityPenaltyBP: 当输出远小于目标长度, 惩罚更多

 $BP = \min(1, \frac{|\hat{s}|}{|s|})$ 

#### BERTScore:

对预测和目标翻译每一词转为词向量

对每一目标词向量,和每一预测词向量点乘,取最高值作为权重

求目标词权重平均值, 当赋目标词权重时可计算加权平均值

## Recurrent Network Machine Translate RNMT

使用两 RNN, 分别为 encoder, decoder

encoder RNN 得到输入句,产生隐藏状态作为 decoder 的隐藏状态。

decoder 初始输入为 < s > 代表句子开始产生词序,直至输出为 < /s > 作为句末结束

12 分析结果 17

# 12 分析结果

## 训练过程

分离训练,验证,测试数据集:

- 将数据集按 (0.6, 0.2, 0.2) (0.8, 0.1, 0.1) 分为训练 验证 测试集
- cross validation

样本分为 N 个 fold $F = \{f_1, ..., f_N\}$ 

1.k-fold cross validation

当无需对超参数调参时使用,不能分离验证集的原因为:验证集过小,将没有代表性 算法:

 $f_1,...,f_N$  分别作为测试集  $f_i$ ,剩余 N-1 fold $\{F\setminus f_i\}$  作为训练集。进行 N 次训练,得到 N 个 同一超参数产生的训练结果

N 个训练后模型在对应测试集准确率为  $x_1,...,x_N$ 。**模型的**准确率为  $\frac{1}{N}\sum_i x_i$ 

2.nested k-fold cross validation

比较 M 组不同超参数  $p_1,...,p_M$  时使用

算法:

 $f_1, ..., f_N$  分别作为测试集  $f_i$ ,在剩余 N-1 fold $\{F \setminus f_i\}$  中每一 fold 分别作为验证集  $f_j$ 。

- 每次 tuning 使用  $\{F \setminus \{f_i, f_j\}\}$  做训练集,  $f_j$  做验证集。
- 每一  $p_m$  在  $f_j \in \{F \setminus f_i\}$  上测试有平均验证代价值  $c_{(p_m,f_i)}$
- 对每一  $p_m$ ,得到  $p_m$  的平均验证代价值。取代价值最小的模型  $p_i^*$  在测试集  $f_i$  上测试最优模型在测试集上得到测试集代价值  $c_{(p_i^*f_i)}$ 。最终总代价值为  $\sum_i \frac{c_{(p_i^*f_i)}}{N}$

最终测试集代价平均值为选取模型的算法的代价值

hyperparameter tuning 得到最优模型设计:

使用不同超参数在训练集上训练,得到多个训练结束的模型。

在验证集上测试,选取准确度最高的 hyperparameter。选取 hyperparameter 后可将测试集和验证集合并重新训练,使模型使用的训练数据集更大。

最终在测试集上运行,得到模型准确度。

confusion matrix 困惑矩阵:分析二元/多元分类

$$egin{bmatrix} TP & FN \ FP & TN \end{bmatrix}$$

一行对应同一期望输出, 一列对应同一计算输出

T/F: 此位置的计算输出是否和期望输出一致

P/N: 此位置的计算输出是否为真

对一个类别/一元:

$$\mathbf{precision} = \frac{TP}{TP + FP}$$

即 P( 计算结果匹配 | 计算结果为正 ): 所有计算为真的样本中预测正确的概率

$$recall = \frac{TP}{TP + FN}$$

即 P( 计算结果匹配 | 期望结果为正 ): 所有期望为真的样本被正确预测的概率

specificity = 
$$\frac{TN}{TN+FN}$$

$$F_1 = \frac{2}{\frac{1}{precision} + \frac{1}{recall}}$$

precision 和 recall 的调和平均值

12 分析结果 18

$$F_{\beta} = (1 + \beta^2) \cdot \frac{precision \cdot recall}{(\beta^2 \cdot precision) + recall}$$
  $\beta \colon \stackrel{}{\cong} precision 为 recall \beta 倍重要$   $accuracy = \frac{TP + TN}{TP + TN + FP + FN}$ 

classification error = 1 - accuracy

macro-average recall: 所有 recall 的平均值,此处 recall 为每行正确预测的概率 macro-average precision: 所有 precision 平均值,即每列求 precision 取均值

# 多类标签 confusion matrix

$$egin{bmatrix} TP & FN & ... \ FP & TN & undefine \ ... & undefine & TN \ \end{bmatrix}$$

对第一类标签的 confusion matrix

micro-avaeraging: 将所有类别的 TP 之和 / 所有类别的 TP + FN 之和 当所有样本只能符合一个类别时 = accuracy

#### imbalanced dataset

- 1 类标签样本数远多于另一样本
- 1. 将 confusion matrix 所有值换为关于横行的百分比,假设所有期望类别下的样本数相同
- 2. down/up sample: 舍弃/复制部分样本,使每一期望类别下样本数相同 无法反应整个模型 generalise 性,由于实际使用时数据为 imbalance 的

# confidence interval

true  $errorerror_D(h)$ : 模型 h 实际的代价值

sample error $error_S(h)$ : 模型 h 在测试集上运行的平均代价值 或预测错误类别的样本比例 error 的 confidence interval=  $error_S(h) \pm Z_{\alpha/2} \sqrt{\frac{error_S(h)(1-error_S(h))}{n}}$ 

# 比较两个模型

randomisation test: 随机交换 2 模型多个测试结果, 比较交换前后模型 performance

two-sample T-test: 两模型在不同测试集上测试, 得到 performance 个数不同。使用 common variance 求 p 值

paired T-test: 两模型在相同测试集上测试, performance 个数相同。取 performance 差求 T-test p 值

## p-hacking

定义:模型依赖于无关的参数得到 p 值 <sig. level

例:对 M pair 特征,验证是否两个参数存在相关性。当增加实验的特征对时,仅有小部分相关性真实存在

## 解决:

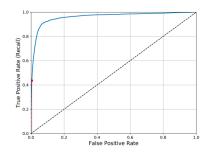
对 M 组特征的 p 值排序,得到  $p_i < ... < p_M$ 

第 i 位置的特征使用 sig. level $z_i = sig.level * \frac{i}{M}$ 

实际存在的特征对 i 为  $p_i < z_i$ 

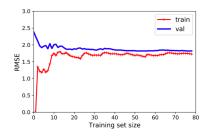
ROC curve: 分析二元/多元分类

12 分析结果 19



y 轴 recall 值, x 轴 false positive rate  $FPR = \frac{FN}{FN+TN} = \frac{FN}{1-specificity}$ 期望的 ROC curve 为 recall 从 0 快速增长到 1。并保持直到 FPR 为 1。即期望曲线下方面积接近 1

learning curves: 观察模型是否有 over underfit



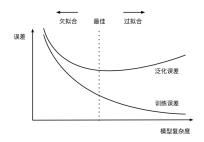
x 轴为一整次训练 (包含多次 epoch) 使用的训练集大小, y 轴为 root MSE。 画出训练集 测试集在使用不同训练集大小后的 root MSE。 分析:

期望2曲线平缓值低且相近,

当2曲线平缓值差值较大,测试集平缓值较低,则过拟合

当2曲线平缓值较高,则欠拟合

# 模型复杂度-error epoch-error:



2 种图,形状类似, x 轴内容不同