## 9.5 双因素方差分析

在双因素方差分析中,受试者被分配到两因子的交叉类别组中。以基础安装中的Tooth-Growth数据集为例,随机分配60只豚鼠,分别采用两种喂食方法(橙汁或维生素C),各喂食方法中抗坏血酸含量有三种水平(0.5 mg、1 mg或2 mg),每种处理方式组合都被分配10只豚鼠。牙齿长度为因变量,分析的代码见代码清单9-6。

## 代码清单9-6 双因素ANOVA

```
> attach(ToothGrowth)
> table(supp, dose)
   dose
supp 0.5 1 2
 OJ 10 10 10
 VC 10 10 10
> aggregate(len, by=list(supp, dose), FUN=mean)
 Group.1 Group.2
                  x
    ОЈ 0.5 13.23
1
2
     VC
           0.5 7.98
3
     OJ
           1.0 22.70
     VC
           1.0 16.77
4
5
     OJ
            2.0 26.06
           2.0 26.14
     VC
> aggregate(len, by=list(supp, dose), FUN=sd)
 Group.1 Group.2 x
     OJ
           0.5 4.46
1
           0.5 2.75
2
     VC
3
    OJ
           1.0 3.91
     VC
           1.0 2.52
5
    OJ
            2.0 2.66
     VC
            2.0 4.80
> fit <- aov(len ~ supp*dose)
> summary(fit)
          Df Sum Sq Mean Sq F value Pr(>F)
          1 205 205 12.32 0.0009 ***
supp
          1 2224 2224 133.42 <2e-16 ***
dose
supp:dose
         1
               89
                       89
                            5.33 0.0246 *
Residuals 56 934
                        17
Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
```

table语句的预处理表明该设计是<mark>均衡设计(各设计单元中样本大小都相同),</mark>aggregate 语句处理可获得各单元的均值和标准差。用summary()函数得到方差分析表,可以看到主效应(supp和dose)和交互效应都非常显著。

有多种方式对结果进行可视化处理。此处可用interaction.plot()函数来展示双因素方 差分析的交互效应。代码为:

结果如图9-6所示。图形展示了各种剂量喂食下豚鼠牙齿长度的均值。

## Interaction between Dose and Supplement Type

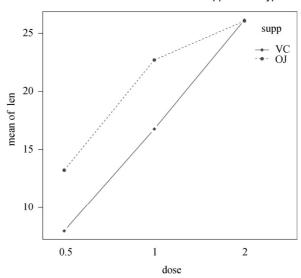


图9-6 喂食方法和剂量对牙齿生长的交互作用。用interaction.plot() 函数绘制了牙齿长度的均值

还可以用gplots包中的plotmeans()函数来展示交互效应。生成图形如图9-7所示,代码如下:

图形展示了均值、误差棒(95%的置信区间)和样本大小。

最后,你还能用HH包中的interaction2wt()函数来可视化结果,图形对任意顺序的因子设计的主效应和交互效应都会进行展示(图9-8):

```
library(HH)
interaction2wt(len~supp*dose)
```

同样的,图9-8为适合黑白印刷做了修改,若你运行上面的代码,生成的图形会略有不同。

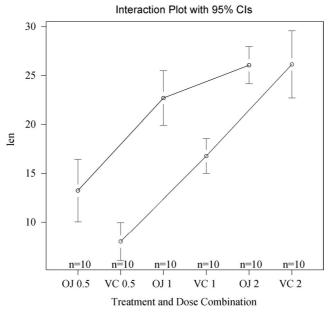


图9-7 喂食方法和剂量对牙齿生长的交互作用。用plotmeans()函数绘制的95%的置信区间的牙齿长度均值

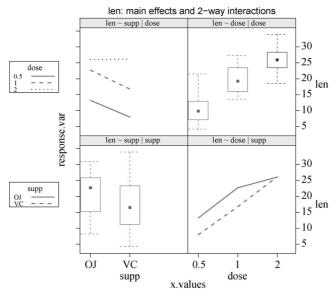


图9-8 ToothGrowth数据集的主效应和交互效应。图形由interaction2wt()函数 创建

以上三幅图形都表明随着橙汁和维生素C中的抗坏血酸剂量的增加,牙齿长度变长。对于0.5~mg和1~mg剂量,橙汁比维生素C更能促进牙齿生长;对于2~mg剂量的抗坏血酸,两种喂食方法下牙