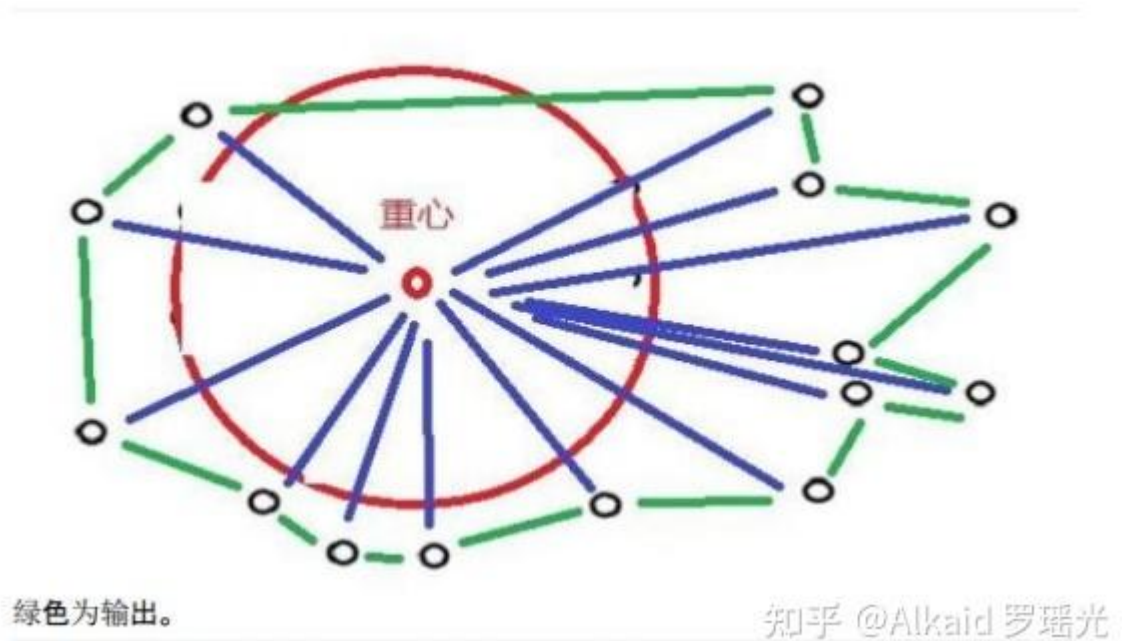


5 辐射进行边缘按角度连接



此算法为

版权算法

api 包 函数完整包含 2 维和 3 维的空间轨迹算法。

[GitHub - yaoguanguo/Data_Prediction: 快速计算商旅轨迹 非线性坐标数据分析](#)

Java

api https://github.com/yaoguanguo/ChromosomeDNA/blob/main/BloomChromosome_V19001_20220108.jar

坐标系统预测，

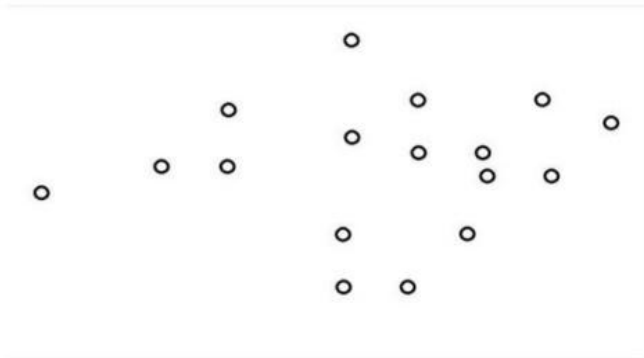
- 1 数据预测引擎的坐标系统主要用来做离散非线性计算。refer page 566~
- 2 离散非线性计算主要体现在 降维 商旅 TSP 路径的线性求解。refer page 629~
- 3 坐标的降维计算包含 轨迹降维，趋势降维，观测降维。refer page 567~
- 4 降维计算过程可以进行逆向跟踪还原。refer page 570

环境预测，

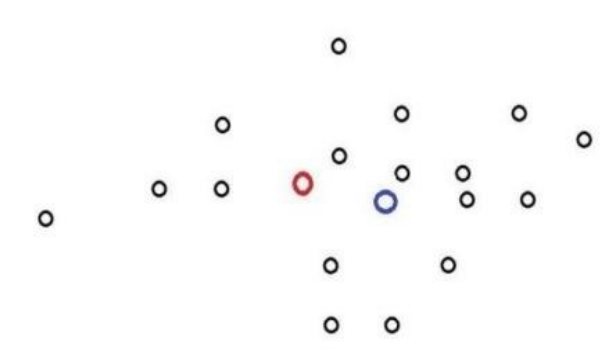
- 1 数据预测引擎的环境计算主要体现在 压力计算。refer page 570, 573
- 2 压力计算可理解为 中心向重心的两点间距离。refer page 674
- 3 两点间距离的长短和方向代表压力的大小和趋势。refer page 574 红蓝点距离

4 趋势大小确定环境的稳定性表达。refer page 574

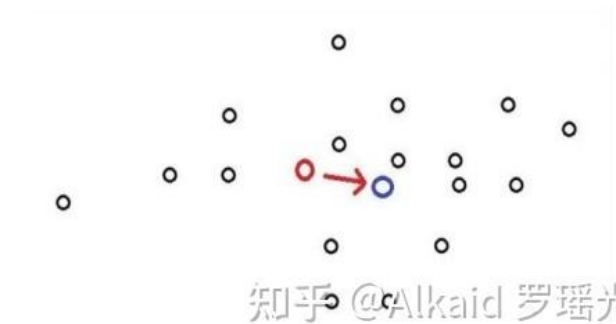
1 随机坐标团



2 团重心和团中心 蓝色为重心，红色为中心



3 双心向量距离观测 红色箭头为运动趋势。或者叫压强方向，不同的力学观测，词 汇用语不一。



雷达机，

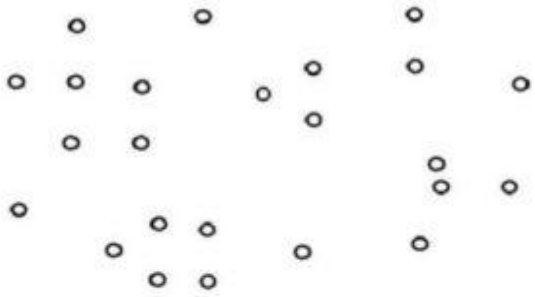
1 数据预测引擎的雷达机主要体现在坐标群的边缘识别和归纳计算。refer page 577

2 坐标群的边缘识别和归纳计算 采用角度 + 中心到点距离进行进行轮循链接。refer page 576

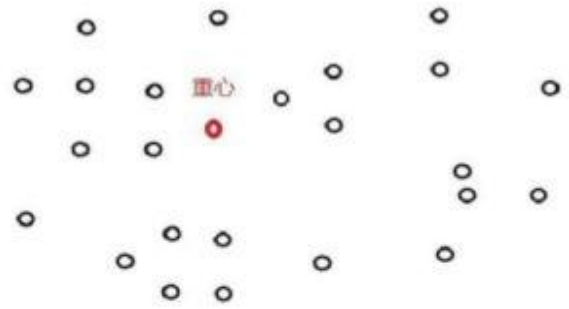
3 链接的面形成 极速计算边缘包含，确定坐标的团大小面积，密度。refer page 577

4 极速边缘计算的价值可以迅速利用在所有实时坐标系统中。refer page 593

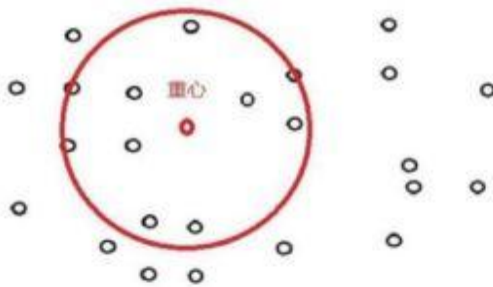
1 随机坐标团



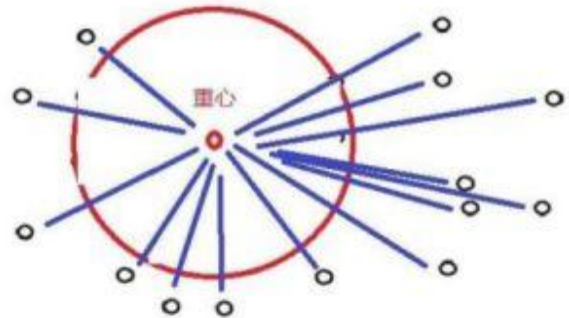
2 坐标团的重心。



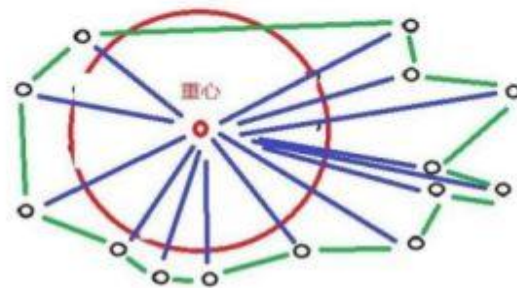
3 重心辐射精度内过滤



4 过滤后进行重心时钟弧度辐射



5 辐射进行边缘按角度连接



绿色为输出。

知乎 @Alkaid 罗瑶光

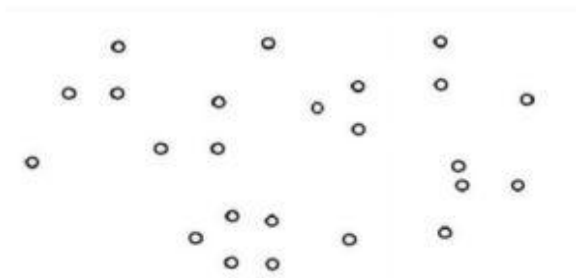
整理漂亮些

状态机，

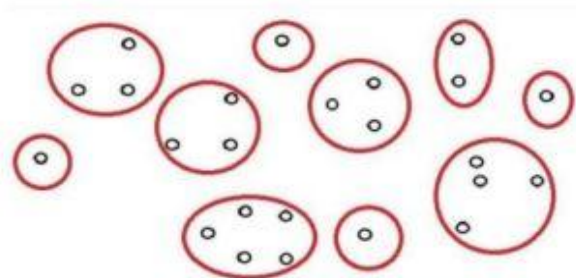
1 数据预测引擎的状态机主要包含 压力状态，轨迹状态，refer page 571，573，

2 压力状态体现在坐标团的之间的距离，和团中心和重心的距离分析。refer page 571

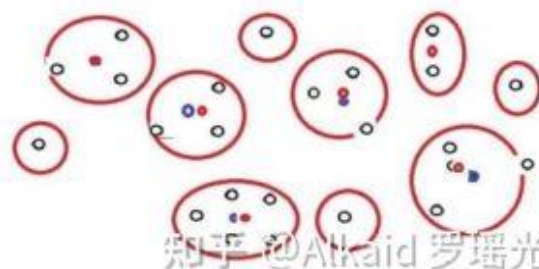
1 随机坐标团



2 坐标团的精度切裂。



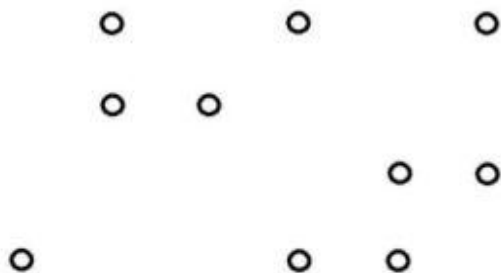
3 切裂团的运动向量趋势分析，红色为 重心，蓝色为中心，比较清晰的观测坐标团 分子稳定性不错。



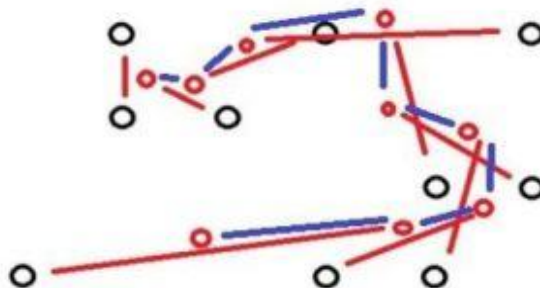
3 轨迹状态体现在坐标团的内部欧基里德距离熵增和团中心 KNN 迁移熵增分析。refer page 569, 570

4 数据预测引擎的状态机应用在非线性坐标计算系统中。refer page

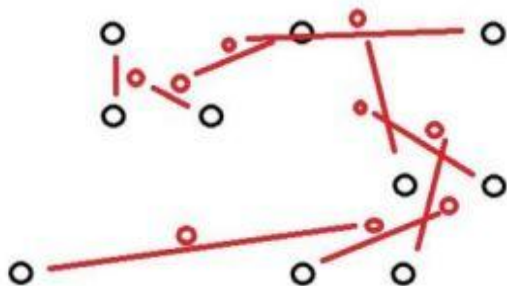
1 关于核心算法坐标团重心轨迹算法思想图解



3 坐标轨迹观测 蓝色线段为轨迹。



2 坐标欧基里德轨迹添加，红色线段为欧基里德熵增。



轨迹算法做漂亮些。

离散模型预测，

- 1 数据预测引擎的离散模型预测，作者主要用在商旅计算中。refer page
- 2 作者主要用在商旅计算中的 小坐标分子群计算中。refer page 568
- 3 作者的商旅计算最大价值主要体现在 欧拉环路的分析中。refer page 568
- 4 作者的 欧拉环路为破解 十六进制 十六元基进制编码 起到了基础研究作用。refer page 下册 56, 下册 125

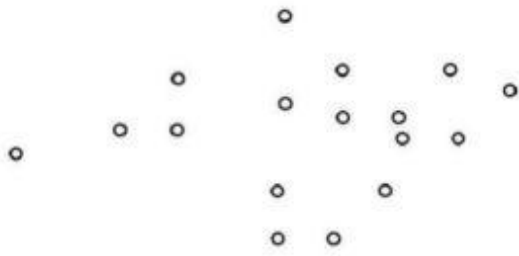
概率机，

- 1 数据预测引擎的概率机比较简单，仅仅贝叶斯系统。refer page
- 2 贝叶斯系统在作者的工程中很少用到，如线性回归，衰变失效就不包括。refer page
- 3 贝叶斯系统作者有设计交叉概率机，关于数据挖掘 pangningtan 教材的质量分析。讲课教授 卡拉森。refer page 616
- 4 作者设计概率机，主要是之后做图片识别预测用。refer page

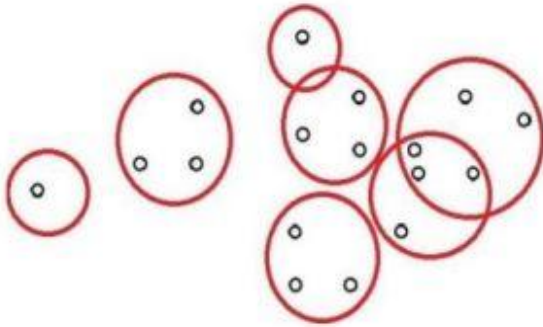
向量机，

- 1 数据预测引擎的向量机作者主要设计了团中心和重心的距离向量。refer page 595
- 2 距离向量 可以作为路径猜测，运动趋势，和轨迹判断用途。refer page 621, 624, 634
- 3 距离向量理解为斥力，可以表达坐标团的稳定性评估。refer page 601
- 4 距离向量理解为压力，与雷达机结合，可以计算表达坐标团的密度。refer page 610, 613, 605, 593

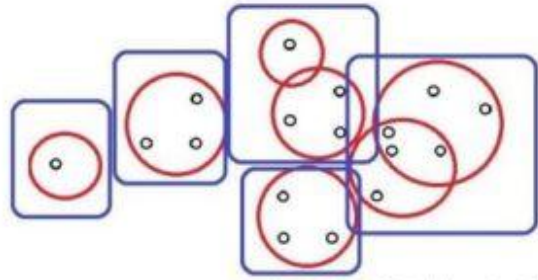
1 随机坐标入团



2 精度长度切割，红色圆圈为切割观测



3 关于核心算法融聚算法 蓝色方框可观测临近团融聚根据不同长度的精度可以自由的控制融聚热度。



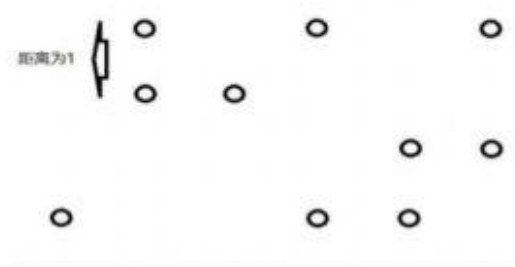
知乎 @Alkaid 罗瑶光

德塔坐标团的密度 一般指，将坐标进行 观测距离的区间进行划分后的坐标融聚小团，的坐标数和团数的比值举例 如果划分有 5 个区间，每个区间坐标数是 1, 3, 4, 3, 6,，那么比值是 $1/5$ ， $3/5$ ， $4/5$ ， $3/5$ ， $6/5$ 这里的观测距离是可以精度调节的。通过排序可以迅速计算 用于确定压力的位置。 定义归纳人 罗瑶光，稍后优化

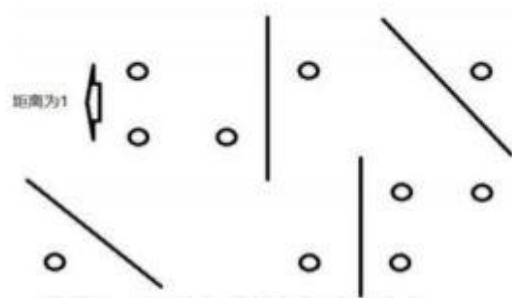
商旅 TSP，

- 1 数据预测引擎的商旅 TSP，主要计算随机坐标集的欧拉环路。refer page 625
- 2 数据预测引擎的商旅 TSP，作者设计动机为极速小分子团间的欧拉 2 阶图研究。refer page 630
- 3 作者研究动机为破解元基罗盘的 离散活性邻接矩阵变换。refer page 下册 5，

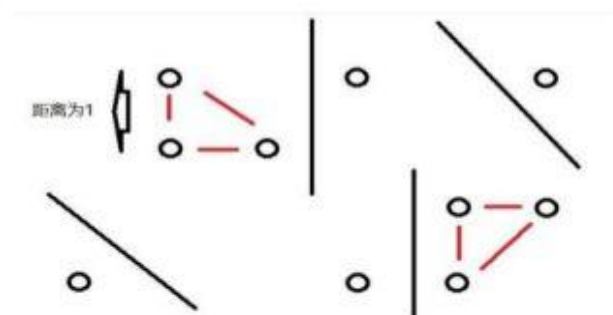
1 随机给与坐标点如下，图中的圆圈为坐标。



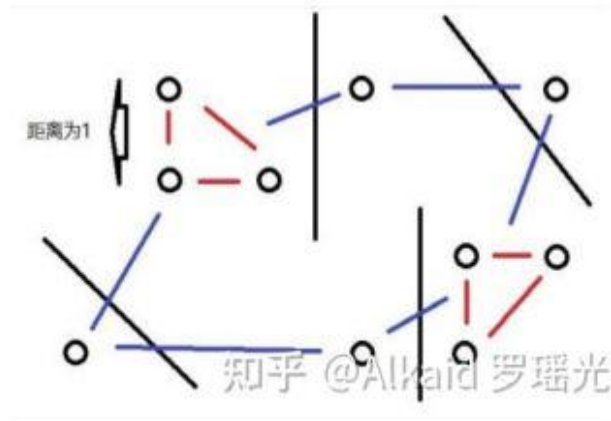
2 坐标点距离精度 2 切裂，黑色的线为切裂的观测。



3 切割图就欧拉求解，切割后的坐标进行欧拉商施路径算法分析。红色线段标记



4 离散跳跃路径，标记后进行整个商施路径整合。



图片做漂亮些

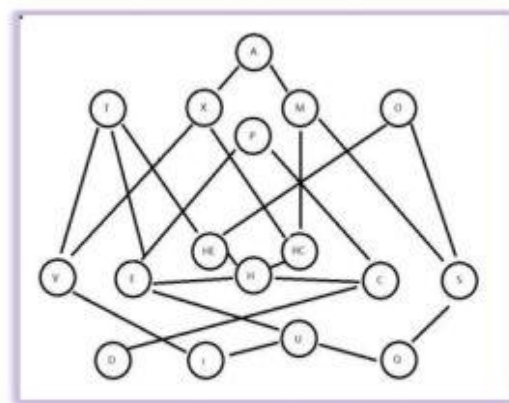
4 作者研究结果为十六元基进制 破解 DCPE-THOS-MAXF-VIUQ 。refer page 下册 5, 下册 56, 下册 125

PDE SWAP LAW	PDE MASK LAW	PDE COMPS LAW
S = I (肽减)	I = ID (反码)	I = ++D(补码)
S = Q (肽减)	D = ID(反码)	U = ++I(补码)
C = D (肽减)	U = IQ(反码)	Q = ++U(补码)
	Q = IU(反码)	DD = ++Q(补码)

AOPM PDE LAW	VECS PDE LAW
A = V + S (肽展)	V = U + Q(肽展)
O = E + S (肽展)	E = I + U (肽展)
P = E + C (肽展)	C = I + D (肽展)
M = C + S (肽展)	S = I + Q (肽展)
	E = D + U (肽展)

PDE (肽展) LAW	PDE (肽增) LAW
A = U + Q + I (不饱和错误肽展)	D = DD (肽增)
A = U + Q + I + Q (肽展)	U = E (肽增)
O = I + U + Q (不饱和错误肽展)	I = U (肽增)
O = I + U + I + Q (肽展)	E = I + E (肽增)
P = I + U + D (不饱和肽展)	P = P + D (肽增)
M = I + D + Q (不饱和错误肽展)	C = U + D + D(肽增)
M = I + D + I + Q (肽展)	

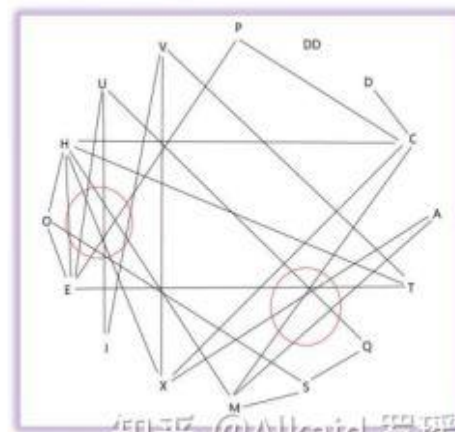
Figure 11-1



元基肽展公式关系图



元基语义肽展活性排序罗盘



知乎 @Alkaid 罗瑶光

整理漂亮些

破解方式，当作者的欧拉图算法成型后（《数据预测引擎系统 V1.0.0》），首先通过 DNA 元基编码（《类人 DNA 与 神经元基于催化算子映射编码方式 V_1.2.2》）进行推导出语义肽展公式（《肽展公式推导与元基编码进化计算以及它的应用发现》），然后进行按公式归纳关联方式得到十七元（《DNA 催化与肽展计算和 AOPM-TXH-VECS-IDUQ 元基解码 013026 中文版本》）肽展公式关系图（《DNA 元基催化与肽计算第二卷养疗经应用研究 20210305》），通过元基语义肽展活性排序罗盘观测，开始寻找一条十七元基的欧拉路径（《DNA 元基催化与肽计算第二卷养疗经应用研究 20210305》），随着全嘌呤 F 元基（《DNA 元基催化与肽计算 第三修订版 V039010912》）的定义，于是替换掉文中的 HE, HC, DD 元基，重新寻找一条 十六元基的 欧拉路径。于是发现了 DCPE-THOS-MAXF-VIUQ 进制（《DNA 元基催化与肽计算 第四修订版 V00919》）。

应用

太多了，略，

早期应用实例，不仅在德塔自己的坐标插件可以灵活应用， detaETL 也可以集成 awt+ weka 第三方插件研发 进行数据显示实现。如下图的 pilot 例子。作者早期用 swt+knime 进行 weka 设计，自从自己写了 etl unicorn 后，发现 SWT 插件都不需要了。

Weka in LYG



另外函数分类方法如 切裂，融聚，隔离，簇类，就不介绍了数据挖掘的聚类思想作者个人表达方法而已。



知乎 @Alkaid 罗瑶光

章节的著作权文件列表:

1. 罗瑶光. 《数据预测引擎系统 V1.0.0》. 中华人民共和国国家版权局, 软著登字第 5447819 号. 2020.
2. 罗瑶光, 罗荣武. 《类人 DNA 与 神经元基于催化算子映射编码方式 V_1.2.2》. 中华人民共和国国家版权局, 国作登字-2021-A-00097017. 2021.
3. 罗瑶光, 罗荣武. 《DNA 元基催化与肽计算第二卷养疗经应用研究 20210305》. 中华人民共和国国家版权局, 国作登字-2021-L-00103660. 2021.
4. 罗瑶光, 罗荣武. 《DNA 元基催化与肽计算 第三修订版 V039010912》. 中华人民共和国国家版权局, 国作登字-2021-L-00268255. 2021.
5. 类人数据生命的 DNA 计算思想 Github [引用日期 2020-03-05] https://github.com/yaoguangluo/Deta_Resource
6. 罗瑶光, 罗荣武. 《DNA 元基催化与肽计算 第四修订版 V00919》. 中华人民共和国国家版权局, SD-2022Z11L0025809. 2022.

文件资源

1 jar: https://github.com/yaoguanguo/ChromosomeDNA/blob/main/BloomChromosome_V19001_20220108.jar

2 book 《DNA 元基催化与肽计算 第四修订版 V00919》上下册

<https://github.com/yaoguanguo/ChromosomeDNA/tree/main/元基催化与肽计算第四修订版本整理>

3 函数在 git 的存储地址: demos

Github: <https://github.com/yaoguanguo/ChromosomeDNA/>

Coding: [公开仓库](#)

Bitbucket: [Bitbucket](#)

Gitee: 浏阳德塔软件开发有限公司 GPL2.0 开源大数据项目 (DetaChina) - [Gitee.com](#)