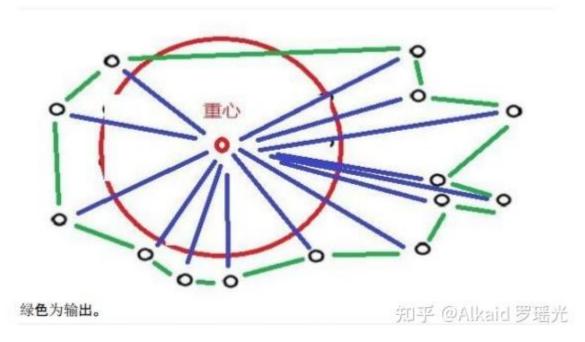
5 辐射进行边缘按角度连接



此算法为版权算法

api 包 函数完整包含 2 维和 3 维的空间轨迹算法。

GitHub - yaoguangluo/Data Prediction: 快速计算商旅轨迹 非线性坐标数据分析

Java

api https://github.com/yaoguangluo/ChromosomeDNA/blob/main/BloomChromosome_V19001_20220108.jar

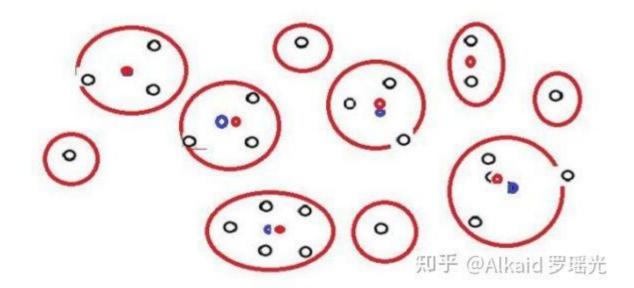
坐标系统预测,

- 1 数据预测引擎的坐标系统主要用来做离散非线性计算。refer page 566~
- 2 离散非线性计算主要体现在 降维 商旅 TSP 路径的线性求解。refer page 629~
- 3 坐标的降维计算包含 轨迹降维,趋势降维,观测降维。refer page 567~
- 4 降维计算过程可以进行逆向跟踪还原。refer page 570

环境预测,

- 1 数据预测引擎的环境计算主要体现在 压力计算。refer page 570,573
- 2 压力计算可理解为 中心向重心的两点间距离。refer page 674
- 3 两点间距离的长短和方向代表压力的大小和趋势。refer page 574 红蓝点距离

- 4 趋势大小确定环境的稳定性表达。refer page 574
 - 3 切裂团的运动向量趋势分析,红色为 重心,蓝色为中心,比较清晰的观测坐标团 分子稳定性不错。

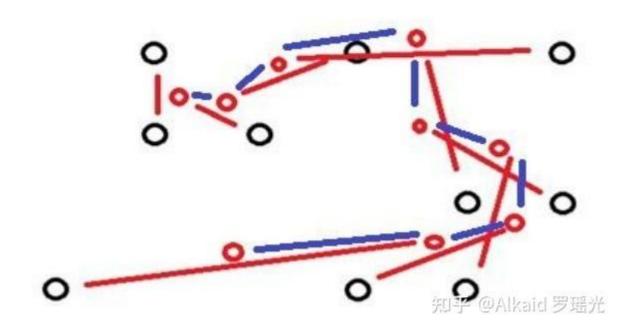


雷达机,

- 1 数据预测引擎的雷达机主要体现在坐标群的边缘识别和归纳计算。refer page 577
- 2 坐标群的边缘识别和归纳计算 采用角度 + 中心到点距离进行进行轮循链接。refer page 576
- 3 链接的面形成 极速计算边缘包含,确定坐标的团大小面积,密度。refer page 577
- 4 极速边缘计算的价值可以迅速利用在所有实时坐标系统中。refer page 593

状态机,

- 1 数据预测引擎的状态机主要包含 压力状态, 轨迹状态, refer page 571, 573,
- 2 压力状态体现在坐标团的之间的距离,和团中心和重心的距离分析。refer page 571
- 3 轨迹状态体现在坐标团的内部欧基里德距离熵增和团中心 KNN 迁移熵增分析。refer page 569,570
- 4 数据预测引擎的状态机应用在非线性坐标计算系统中。refer page



离散模型预测,

- 1 数据预测引擎的离散模型预测,作者主要用在商旅计算中。refer page
- 2 作者主要用在商旅计算中的 小坐标分子群计算中。refer page 568
- 3 作者的商旅计算最大价值主要体现在 欧拉环路的分析中。refer page 568
- 4 作者的 欧拉环路为破解 十六进制 十六元基进制编码 起到了基础研究作用。refer page 下册 56, 下册 125

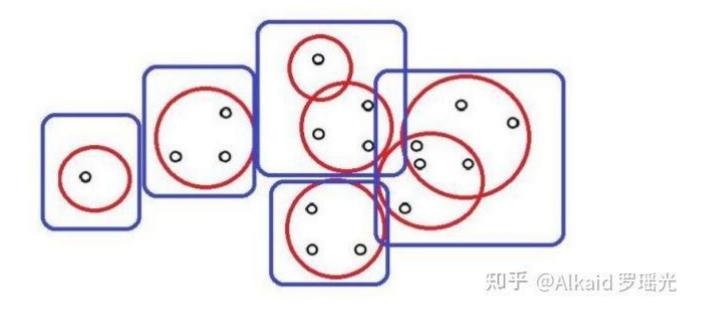
概率机,

- 1 数据预测引擎的概率机比较简单,仅仅贝叶斯系统。refer page
- 2 贝叶斯系统在作者的工程中很少用到,如线性回归,衰变失效就不包括。refer page
- 3 贝叶斯系统作者有设计交叉概率机,关于数据挖掘 pangningtan 教材的质量分析。讲课教授 卡拉森。refer page 616
- 4 作者设计概率机,主要是之后做图片识别预测用。refer page

向量机,

- 1 数据预测引擎的向量机作者主要设计了团中心和重心的距离向量。refer page 595
- 2 距离向量 可以作为路径猜测,运动趋势,和轨迹判断用途。refer page 621,624,634
- 3 距离向量理解为斥力,可以表达坐标团的稳定性评估。refer page 601
- 4 距离向量理解为压力,与雷达机结合,可以计算表达坐标团的密度。refer page 610,613,605,593

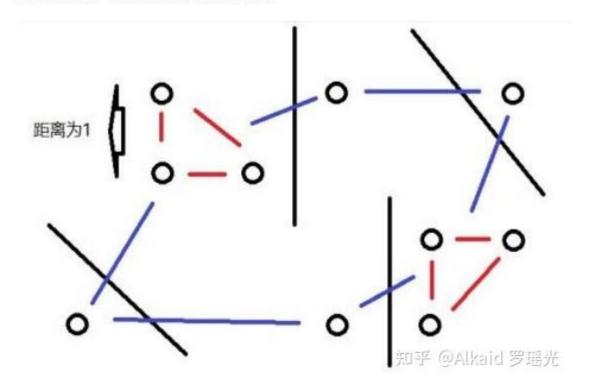
3 关于核心算法融聚算法 蓝色方框可观测临近团融聚根据不同长度的精度可以自 由的进行控制融聚热度。



德塔坐标团的密度 一般指,将坐标进行 观测距离的区间进行划分后的坐标融聚小团,的坐标数和团数的比值举例 如果划分有 5 个区间,每个区间坐标数是 1,3,4,3,6,,那么比值是 1/5 , 3/5, 4/5, 3/5, 6/5 这里的观测距离是可以精度调节的。通过排序可以迅速计算 用于确定压力的位置。 定义归纳人 罗瑶光,稍后优化

商旅 TSP,

- 1 数据预测引擎的商旅 TSP, 主要计算随机坐标集的欧拉环路。refer page 625
- 2 数据预测引擎的商旅 TSP, 作者设计动机为极速小分子团间的欧拉 2 阶图研究。refer page 630
- 3 作者研究动机为破解元基罗盘的 离散活性邻接矩阵变换。refer page 下册 5,
 - 4 离散融聚路径,标记后进行整个商旅路径整合。



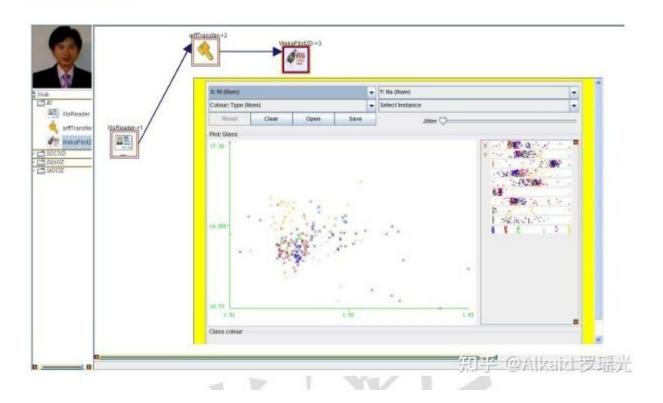
4 作者研究结果为十六元基进制 破解 DCPE-THOS-MAXF-VIUQ 。 refer page 下册 5, 下册 56, 下册 125

应用

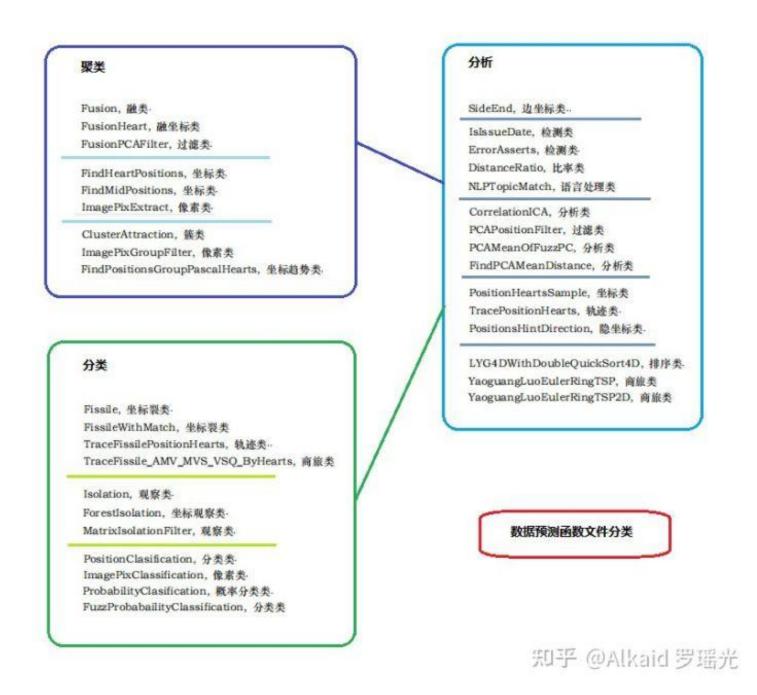
太多了, 略,

早期应用实例,不仅在德塔自己的坐标插件可以灵活应用, detaETL 也可以集成 awt+ weka 第三方插件研发 进行数据显示实现。如下图的 pilot 例子。作者早期用 swt+knime 进行 weka 设计,自从自己写了 etl unicorn 后,发现 SWT 插件都不需要了。

Weka in LYG



另外函数分类方法如 切裂,融聚,隔离,簇类,就不介绍了数据挖掘的聚类思想作者个人表达方法而已。



章节的著作权文件列表:

- 1. 罗瑶光. 《数据预测引擎系统 V1. 0. 0》. 中华人民共和国国家版权局, 软著登字第 5447819 号. 2020.
- 2. 罗瑶光,罗荣武. 《类人 DNA 与 神经元基于催化算子映射编码方式 V_1 . 2. 2》. 中华人民共和国国家版权局,国作登字-2021-A-00097017. 2021.
- 3. 罗瑶光, 罗荣武. 《DNA 元基催化与肽计算第二卷养疗经应用研究 20210305》. 中华人民共和国国家版权局, 国作登字-2021-L-00103660. 2021.
- 4. 罗瑶光, 罗荣武. 《DNA 元基催化与肽计算 第三修订版 V039010912》. 中华人民共和国国家版权局, 国作登字 -2021-L-00268255. 2021.
- 5. 类人数据生命的 DNA 计算思想 Github [引用日期 2020-03-
- 05] https://github.com/yaoguangluo/Deta_Resource

6. 罗瑶光, 罗荣武. 《DNA 元基催化与肽计算 第四修订版 V00919》. 中华人民共和国国家版权局, SD-2022711L0025809. 2022.

文件资源

1 jar: https://github.com/yaoguangluo/ChromosomeDNA/blob/main/BloomChromosome_V19001_20220108.jar

2 book 《DNA 元基催化与肽计算 第四修订版 V00919》上下册

https://github.com/yaoguangluo/ChromosomeDNA/tree/main/元基催化与肽计算第四修订版本整理

3 函数在 git 的存储地址: demos

Github: https://github.com/yaoguangluo/ChromosomeDNA/

Coding: 公开仓库

Bitbucket: Bitbucket

Gitee: 浏阳德塔软件开发有限公司 GPL2.0 开源大数据项目 (DetaChina) - Gitee.com