第十章\_DNA 非卷积视觉技术

定义: 非卷积腐蚀视觉,一般指在不采用卷积内核进行图片低速计算的方式下,图片每个像素仅仅做一次遍历来模拟酸碱腐蚀肽展公式计算,目的是 达到人肉眼观测不到而又难以辨认的色阶群进行观察拉伸。用于极速图片观测识别领域。

定义人 罗瑶光

#### DNA 催化视觉计算



Alkaid 罗瑶光的视频

• 11 播放

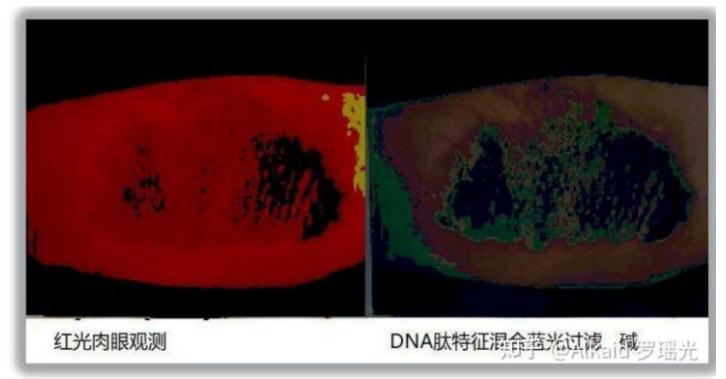
#### 测试原图来自医学教材

#### DNA 非卷积视觉技术原理

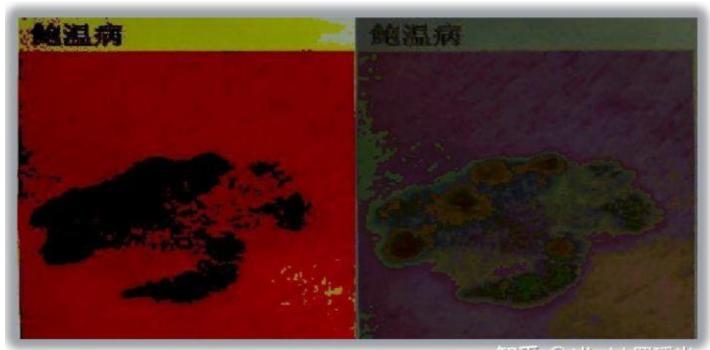
- 1 DNA 非卷积视觉技术将图片像素 0~255 的区间捕获后,进行元基进制变换,产生了离散色阶。
- 2 这个色阶,与之前像素亮度色阶完全不对称,利用这一点不对称,可以将邻近像素差不大的像素团进行颜色差的拉伸。
- 3 颜色差 的拉伸方式 为 有系统的 10 进制色 变换为 元基色 进行固定的 酸碱 更换。实践观测后发现价值巨大。

#### DNA 非卷积视觉技术原理

- 1 DNA 非卷积视觉技术将图片像素 0~255 的区间捕获后,进行元基进制变换,产生了离散色阶,
- 2 这个色阶,与之前像素亮度色阶完全不对称,利用这一点不对称,可以将邻近像素差不大的像素团进行颜色差的拉伸。
- 3 颜色差 的拉伸方式 为 有系统的 10 进制色 变换为 元基色 进行固定的 酸碱 更换。实践后发现价值巨大。



测试原图来自医学教材



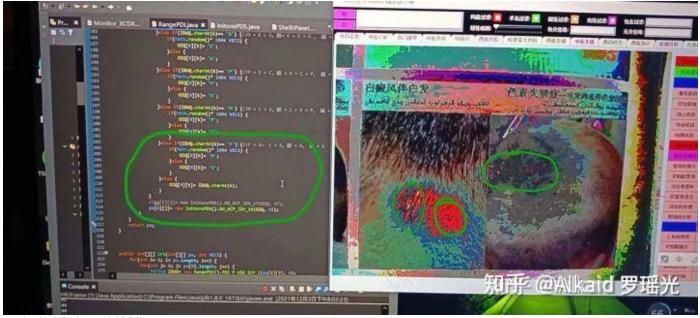
红光肉眼观测

测试原图来自医学教材

## 肽腐蚀,

1 DNA 非卷积视觉 用元基的酸碱变化规律定义为肽腐蚀。refer page 723

DNA 肽特征混合蓝光过滤 碱



测试原图来自医学教材

- 2 DNA 非卷积视觉的肽腐蚀 需要将 10 进制数字变换成生化进制数值。refer page 724
- 3 DNA 非卷积视觉的肽腐蚀观测体征体现在颜色区间上。refer page 735,742
- 4 DNA 非卷积视觉的肽腐蚀浓度用概率百分比来标识。refer page 756 monitor.fac x y...
- /\* 不在此章移出去

## 肽钥匙,

- 1 DNA 非卷积视觉的肽钥匙采用化学的 酸酚酮酯 醇酶酰醚 来做钥匙
- 2 DNA 非卷积视觉的肽钥匙按 CNO 比例和活性来罗盘归纳
- 3 DNA 非卷积视觉的肽钥匙通过罗盘的方位和活性确定其语义属性
- 4 DNA 非卷积视觉的肽钥匙具备双元 生化语义无理级价值。

#### 肽活性表达,

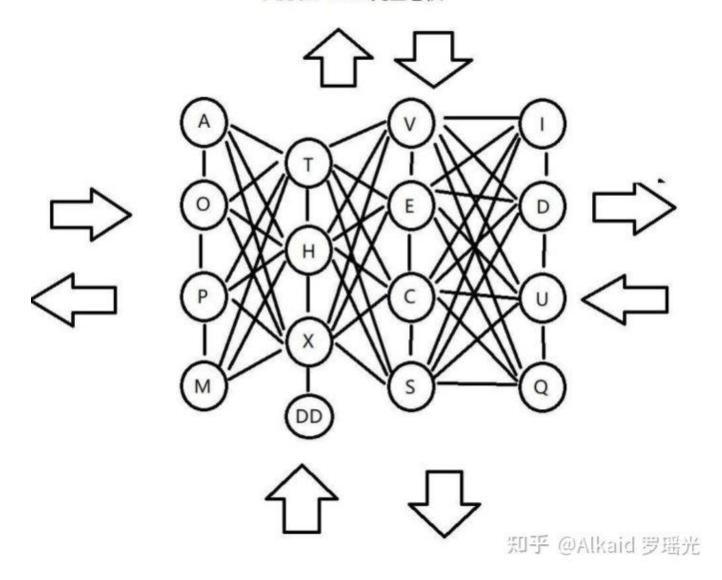
- 1 DNA 非卷积视觉的肽元基有化学活性归纳
- 2 DNA 非卷积视觉的肽元基有方位语义归纳
- 3 DNA 非卷积视觉的肽元基有活性归纳

\* /

#### 元基的视觉叠加与表达方式,

1 视觉流计算。refer page 756

# 四方位 DNN元基卷积



- 2 animation 动画。refer page 744
- 3 颜色的腐蚀精度调节。refer page 757
- 4 肽展公式的应用。refer page 723

## 时序视觉模拟机,

- 1 线性神经网络卷积计算 。refer page 772
- 2 卷积计算的方式。refer page 773
- 3 非卷积视觉的应用。refer page 756



图片识别应用,测试原图来自医学教材

## 费洛蒙的计算方式,

- 1 CNN 卷积元基 PDC 扩展。refer page 774
- 2 邻近元基 PDC 代谢 共同基。refer page 774
- 3 PDC 链结构 rotation。refer page 774
- 4 丝化散开与腐蚀。refer page 775

(下图的丝化是元基的概率组合的归纳如矩阵的新陈代谢模拟发散。不是肽展公式 PDS 丝化过程。下图的 1 和 2, 作者认为是一种比较合乎情理的又具有代表性的概率矩阵组合归纳。罗瑶光补充 20220307)

1 首先假证	设两个三元组	正交 于	是产生一个 笛卡尔	矩阵如下					
P P	Р	P PS	PI						
E (.) S	575	P ES	EI						
I I		P IS	П						
2 将笛卡尔	尔组合矩阵进	行 DNN	(图片我写错了不)	是线性代数是 DNN)	的卷积列	循环合并排列	则有		
PPPSPI	EPESEI	IPISII							
PPEPIP PSESIS PIEIII									
PPESII	PSEIIP P	IEPIS							
3 开始肽原	展观測 非 PD	E的腐蚀	排列 如下						
ppp sp	LEPE.SELIP	II SII							
PPE.PIP.PSE.SIS.PIE.III									
	I.PSE.IIP.PIE								
4 寻找共同	同基 因为頻率	区相同进行	<b>「吸附。如下</b>						
	PPP.SPI.E	PE.SEI.I	PI.SII						
	PPE.PIP.P								
	SII	ПР	PIS						
5 进行整理	理得到								
	P	PE PIP P	SE SIS PIE III.						
	50000	SII	IIPPIS						
PPP.S	PI.EPE.SEI.I								
6 寻找共	同基 因为頻率	区相同进行	<b>·</b> 吸附。如下						
	PI	PE.PIP.P	SE.SIS.PIE.III						
		SII	IIPPIS						
PPP.S	PI.EPE.SEI.I	PI							
7 再次进行	行整理得到								
	(222)	PIP	SISIII						
			SEPIE						

知乎 @Alkaid 罗瑶光

罗瑶光的费洛蒙计算发散

费洛蒙计算在非生化研究领域发散的价值,主要体现在作者第一次有信心进行 DNA 元基仿生进化模拟计算,如之后的元基索引和 确定索引元基的新陈代谢方式的思维发散。通过大量证据逐步的论证出:软件的元基索引新陈代谢进化方式,与生物的进化方式是一致的。

## 应用

1 舌诊观测应用。refer page 736

...PPP.SPI.EPE.SEI.IPI.....

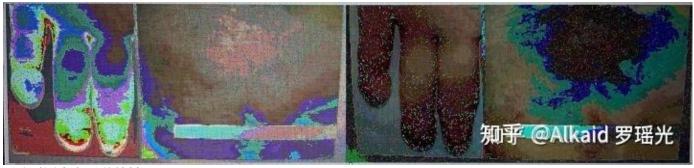
.....SII......IIP.....PIS...

2 骨 CT 观测应用。refer page 735



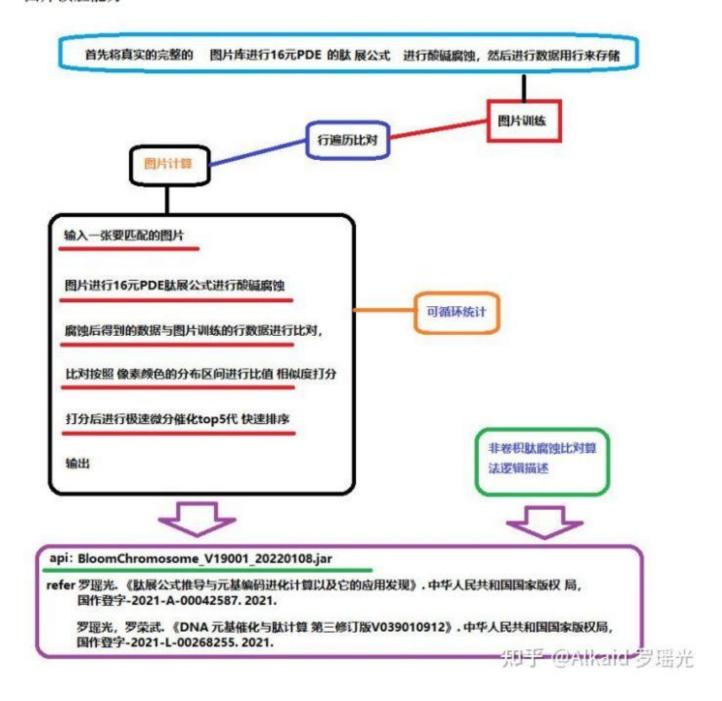
测试原图来自医学教材

3 皮肤病观测应用。refer page 下册 156, 下册 157



测试原图来自医学教材

4 图片读脏 应用逻辑



#### 章节的著作权文件列表:

- 1. 罗瑶光. 《Java 数据分析算法引擎系统 V1. 0. 0》. 中华人民共和国国家版权局, 软著登字第 4584594 号. 2014.
- 2. 罗瑶光. 《数据预测引擎系统 V1.0.0》. 中华人民共和国国家版权局, 软著登字第 5447819 号. 2020.
- 3. 罗瑶光,罗荣武. 《类人 DNA 与 神经元基于催化算子映射编码方式  $V_1$ . 2. 2》. 中华人民共和国国家版权局,国作登字-2021-A-00097017. 2021.
- 4. 罗瑶光. 《肽展公式推导与元基编码进化计算以及它的应用发现》. 中华人民共和国国家版权局,国作登字-2021-A-00042587. 2021.
- 5. 罗瑶光. 《DNA 催化与肽展计算和 AOPM-TXH-VECS-IDUQ 元基解码 013026 中文版本》. 中华人民共和国国家版权局,国作登字-2021-A-00042586. 2021.

- 6. 罗瑶光, 罗荣武. 《DNA 元基催化与肽计算第二卷养疗经应用研究 20210305》. 中华人民共和国国家版权局, 国作登字-2021-L-00103660. 2021.
- 7. 罗瑶光, 罗荣武. 《DNA 元基催化与肽计算 第三修订版 V039010912》. 中华人民共和国国家版权局,国作登字 -2021-L-00268255. 2021.
- 8. 类人数据生命的 DNA 计算思想 Github [引用日期 2020-03-
- 05] https://github.com/yaoguangluo/Deta\_Resource
- 9. 罗瑶光, 罗荣武. 《DNA 元基催化与肽计算 第四修订版 V00919》. 中华人民共和国国家版权局, SD-2022Z11L0025809. 2022.

## 文件资源

1 jar: https://github.com/yaoguangluo/ChromosomeDNA/blob/main/BloomChromosome V19001 20220108. jar

2 book 《DNA 元基催化与肽计算 第四修订版 V00919》上下册

https://github.com/yaoguangluo/ChromosomeDNA/tree/main/元基催化与肽计算第四修订版本整理

3 函数在 git 的存储地址: demos

Github: https://github.com/yaoguangluo/ChromosomeDNA/

Coding: 公开仓库

Bitbucket: Bitbucket

Gitee: 浏阳德塔软件开发有限公司 GPL2.0 开源大数据项目 (DetaChina) - Gitee.com