

TinShell 插件_元基花模拟染色体组计算索引系统 V20211226

罗瑶光

ID:430181198505250014

313699483@qq.com

软件介绍

TinShell 插件_元基花模拟染色体组计算索引系统 是一个 Java api 数据处理计算的底层插件，因为不含第三方 api，可以直接翻译成其它高级语言版本插件。

软件开发动机

随着 TinShell 的不断完善，作者发现目前 TinShell 还属于养疗经的接口调用级别，还不能脱离 APP 的主引擎，作者需要一个 api 包底层级别的自动接口智慧列表系统，于是项目开始了。方便 TinShell 调用。

软件开发目的

为了方便作者的个人软著在数据领域迅速产业应用，罗瑶光先生开始将 6 个著作的软件上千函数进行 DNA 元基编码[1] 模拟染色体组分类，这样接口将逐渐的序列化，于是用人类语言来调用这些序列函数，模拟成记忆执行序列，这个序列 一旦也开始元基编码[1] 记录，便是罗瑶光先生要的 DNA 遗传基因，方便下一步杂交繁衍。

软件价值

解放生产力，解放程序员。让代码自动编译，生产，运行和维护，让计算机听懂人话。

软件主要功能

为了方便作者的个人软著在数据领域迅速产业应用，罗瑶光先生开始将 7 个著作软件（分词，排序，预测，搜索，ETL，读心，视觉，加密，服务器，数据库）的上千函数进行 DNA 元基编码[1]模拟 24 组染色体分类，这样接口将逐渐的序列化，于是用人类语言来调用这些序列函数，模拟成记忆执行序列，这个序列 一旦也开始元基编码[1] 记录，便是罗瑶光先生要的 DNA 遗传基因，方便下一步杂交繁衍。目前已经实现 单行语言执行 接口。

软件开发系统环境

Windows

硬件开发系统环境

联想 y7000

软件开发软件环境

Eclipse, jdk1.8

软件开发硬件环境

16g 内存， 2g nvidia 显卡，英特尔 corei5 处理器，

软件部署软件环境

一切支持 jdk1.8 的 软件平台

软件部署硬件环境

一切支持 Java JDK1.8+的硬件平台包括手机移动设备

软件办公环境

Wps, git,

软件使用方法

任何 Java 工程，像 StaticRootMap 里面的 main 函数一样 调用即可。例子已经测试，当前开源插件版本为 **BloomChromosome_V19001_20211226.jar** , GPL2.0 协议开源， 内含完整 40 万行源码

```
public static void main(String[] argv) throws Exception {
    //写法 1
    //StaticRootMap staticRootMap= new StaticRootMap();
    //staticRootMap.initMap();
    //StaticClassMap staticClassMap= staticRootMap.staticRootMap.get("U_VECS");
    //StaticFunctionMapU_VECS_E staticFunctionMapU_VECS_C
    //=(StaticFunctionMapU_VECS_E) staticClassMap.staticClassMap.get("U_VECS");
    //staticFunctionMapU_VECS_C.main(null);
    //写法 2
    String[] strings= new String[3];
    strings[0]= "执行 U_VECS 下 main 接口，参数是 null";
    //strings[1]= "执行 I_VECS 下 main 接口，参数是 null";
    strings[1]= "执行 U_VECS 下 main 接口，参数是 null";
    //
    Map<String, Object> output= new HashMap<>();
    String[] 传参因子= new String[2];
    Map<String, Object> inputValue= new HashMap<>();

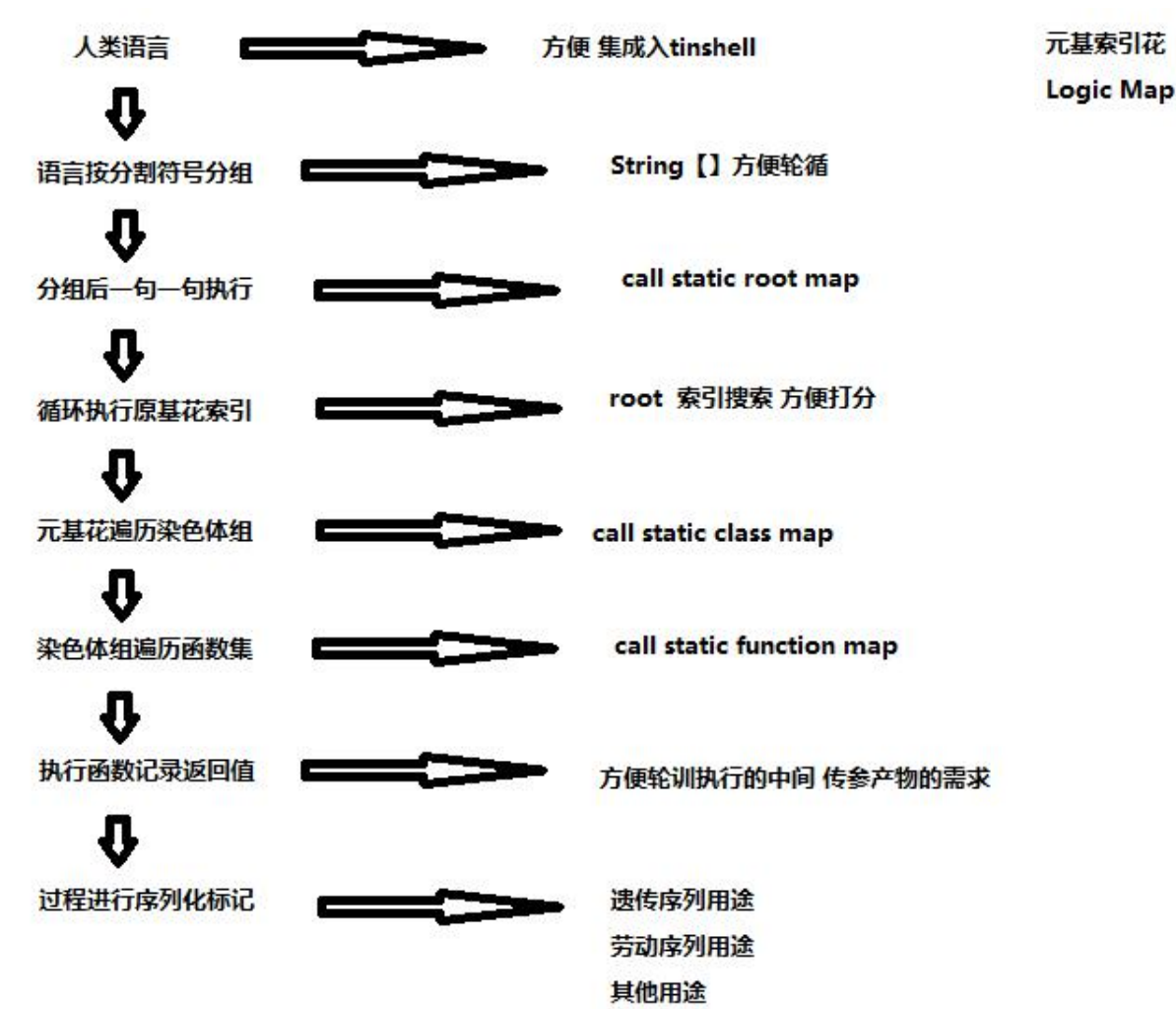
    double[] doubles= new double[5];
    doubles[0]= 2.2222262;
    doubles[1]= 3.2226222;
    doubles[2]= 6.2622222;
    doubles[3]= 4.6226222;
    doubles[4]= 1.2222226;

    double dou= 2.22;

    传参因子[0]= "input";
    传参因子[1]= "rank";
    inputValue.put(传参因子[0], doubles);
    inputValue.put(传参因子[1], dou);
    output.put("传参因子", 传参因子);
    output.put("inputValues", inputValue);

    strings[2]= "执行 U_AOPM 下 min_v 接口，参数是 传参因子";
    //...
    StaticRootMap.tinShellV003(strings, output);
    //写法 3
}
```

软件执行逻辑



软件注意细节

元基编码[1]环境需要支持 GBK 和 UTF8 字符集，避免乱码。

软件申明

作者采用 GPL2.0 开源协议发布，任何使用者二次研发和商业化修改也需要完整开源。

软件大小

5 万行- 源码

Refer

1 元基编码，罗瑶光，罗荣武，中华人民共和国 国家版权局, DNA 元基催化与肽计算_第三修订版 V039_010912, 国作登字 2021-L-00268255, Page564,