

# 女媧 - NuWa 计算

*Deta AI and its Application*

罗瑶光

DETA 浏阳德塔软件开发有限公司 2018~2021

# 目录 / Outcome

Deta AI 明确 目的 / Goals

Deta AI 有了目的就开始 规划 / Visionary

Deta AI 规划了愿景开始 实现 / Dreams

Deta AI 实现组件后包装 作品 / Dreams Come True

Deta AI 作品论证的价值 贡献 / Contribution

Deta AI 作品的部分 展示 / Landscape

Deta AI 当前的计划 进度 / Pending ...

# Deta AI 目的/ Goals

## 1: 解放生产力, 创造新的生产力.

*Emancipate the productive forces, Create new productivity*

医学教育领域实践

## 2: 优化已有的生产工具更好的适应生产环境.

*Optimize existing production tools to better adapt to the production environment.*

商品与API需求分解

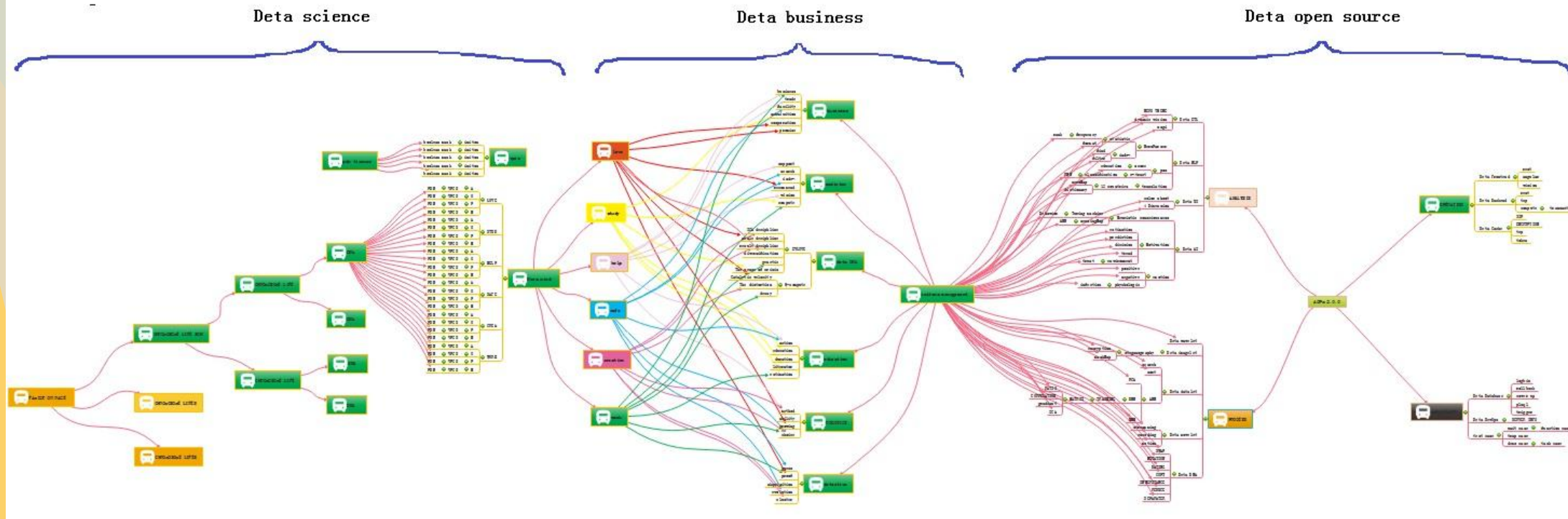
## 3: 更好的辅助智慧生物理解, 适应和改造环境.

*Better assists Human-oid in where understanding, adaptation and transformation of the environment.*

DNA与神经元函数 肽展编码, 类人与进化系统设计

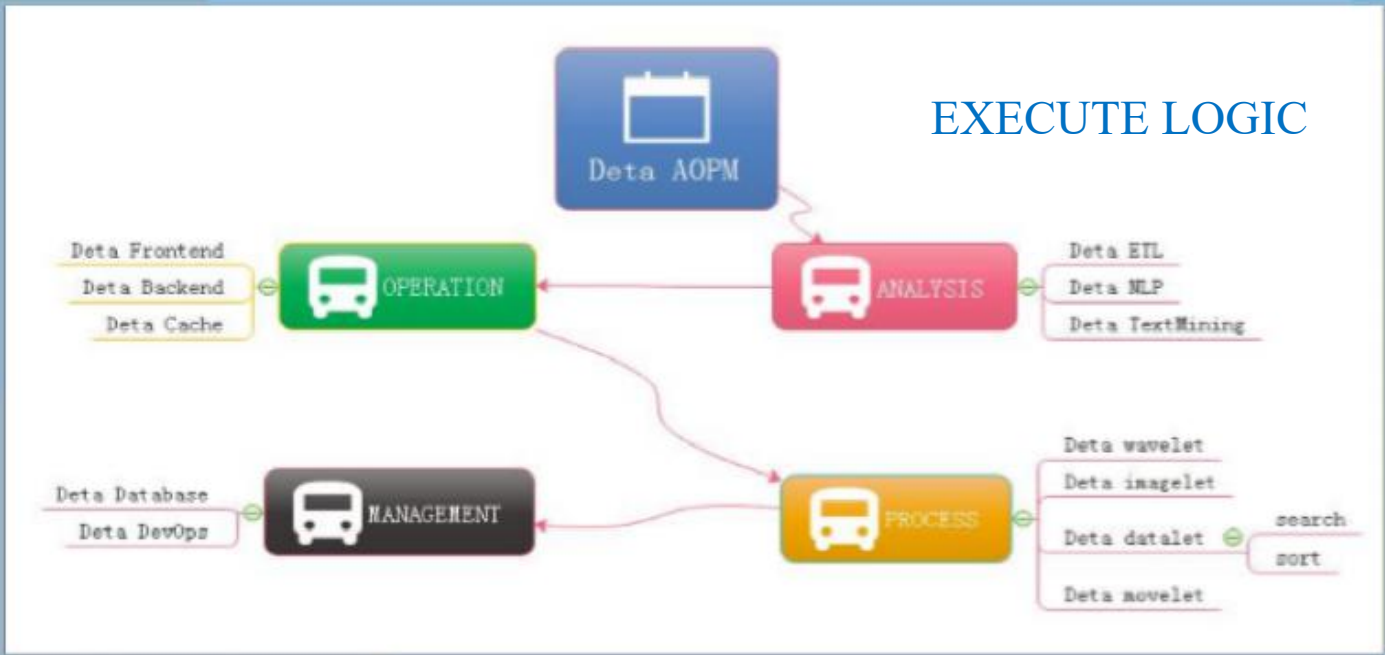
# Deta AI 规划/Visionary 2018~2019

Deta Project 2019-05-05



- 1: 智能数据的AOPM基础组件研发/Deta Open Source
- 2: 智能组件的VPCS具体商业应用/Deta Business
- 3: 商业论证与归纳细节用于研发类人DNA智能生态系统/Deta Science

# Deta AI 规划/Visionary AOPM 工程架构

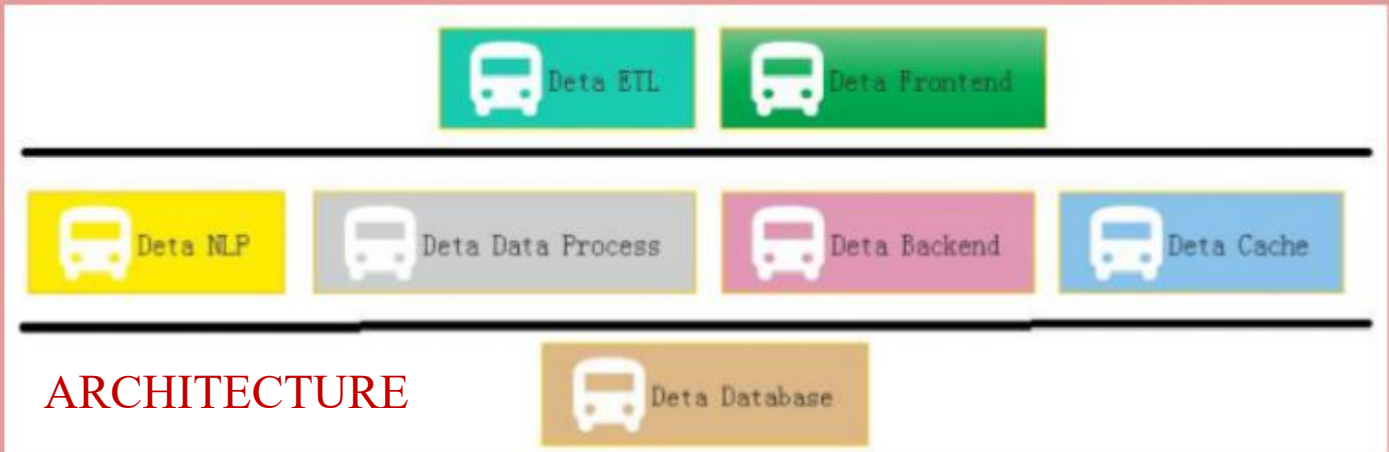


德塔开源可以根据执行逻辑来进行工程分类。

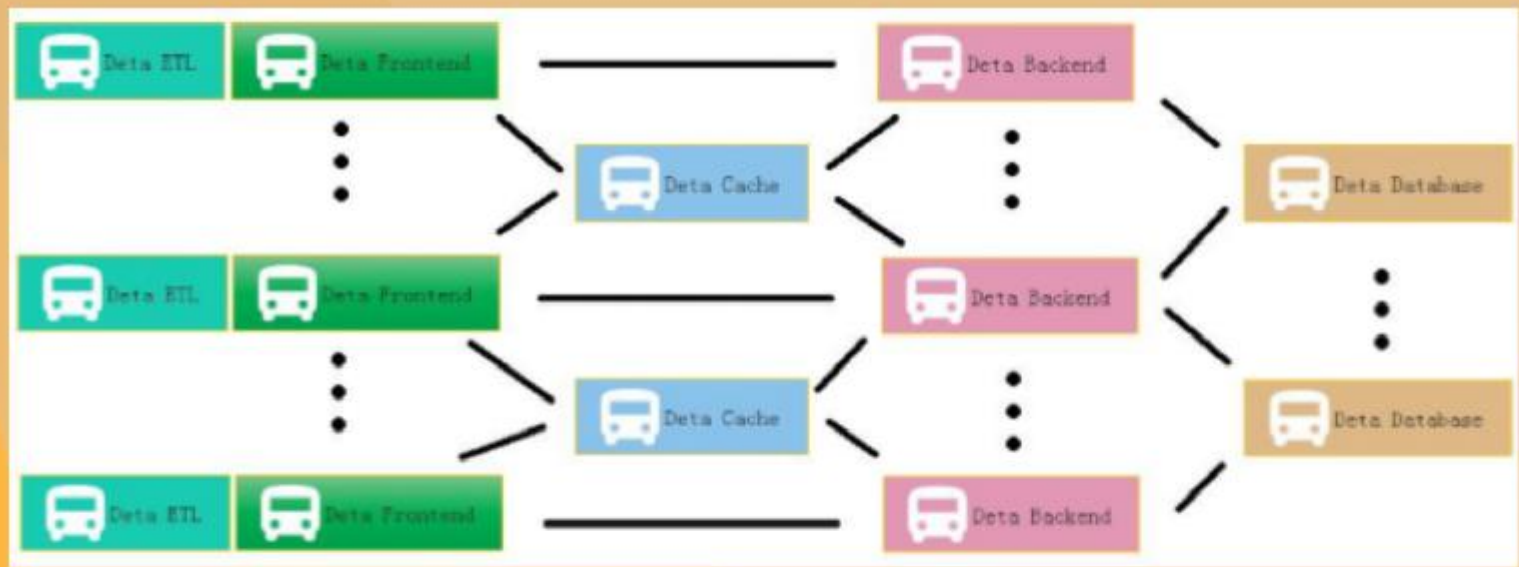
*DETA AOPM*  
执行逻辑

同时德塔开源工程也可以按照架构逻辑来进行分类。

*DETA AOPM*  
架构逻辑



Deta AI 规划/Visionary AOPM 后端架构

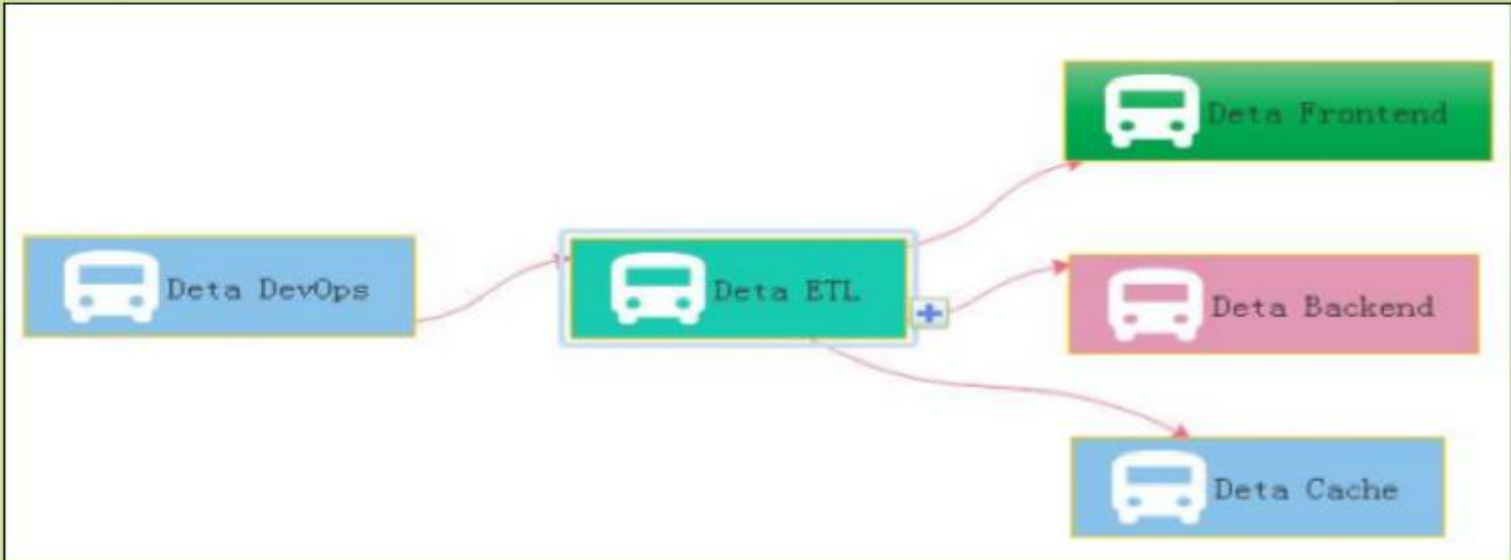


德塔开源可以根据并发逻辑来进行工程分类。

*DETA AOPM*  
**并发逻辑**  
CONCURRENT  
LOGIC

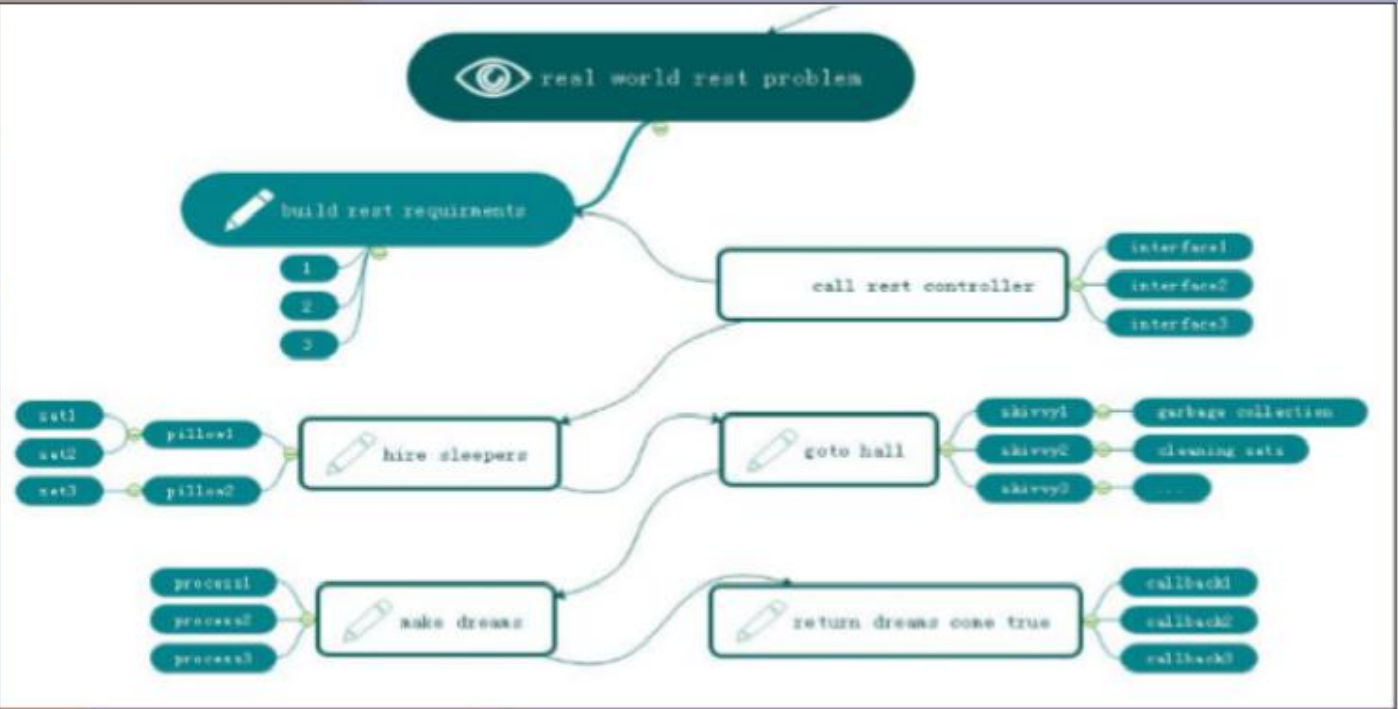
同时德塔开源工程也可以按照运维逻辑来进行分类。

*DETA AOPM*  
**运维逻辑**  
DEVOPS LOGIC





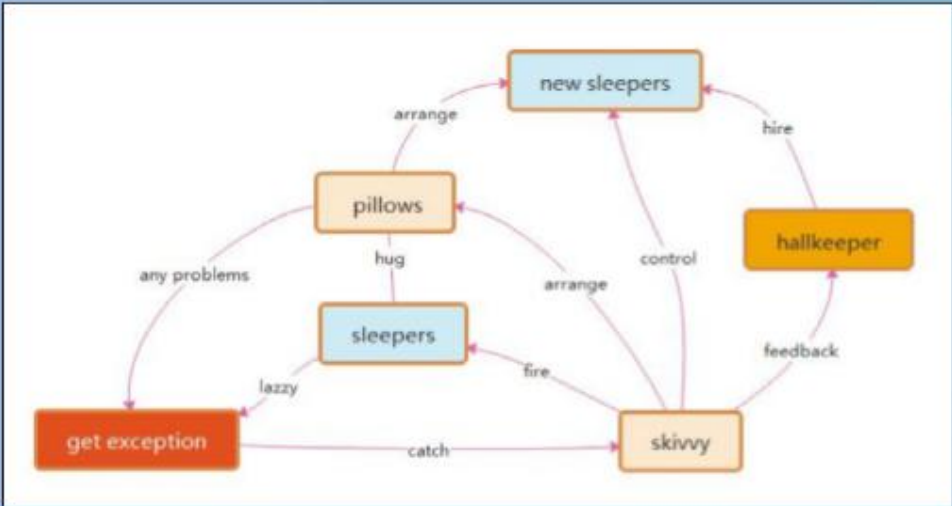
# Deta AI 规划/Visionary VPCS 工程架构



DETA VPCS  
执行逻辑  
EXECUTE LOGIC

VPCS 的组件 按照软件工程的瀑布模型分类。它的核心中枢类似一种酒店管理的业务调度模型。目前世界调度量最大的复杂模型来自3个环境，1 酒店，2医院，3 车站。

KERNEL  
DETA VPCS  
核心中枢



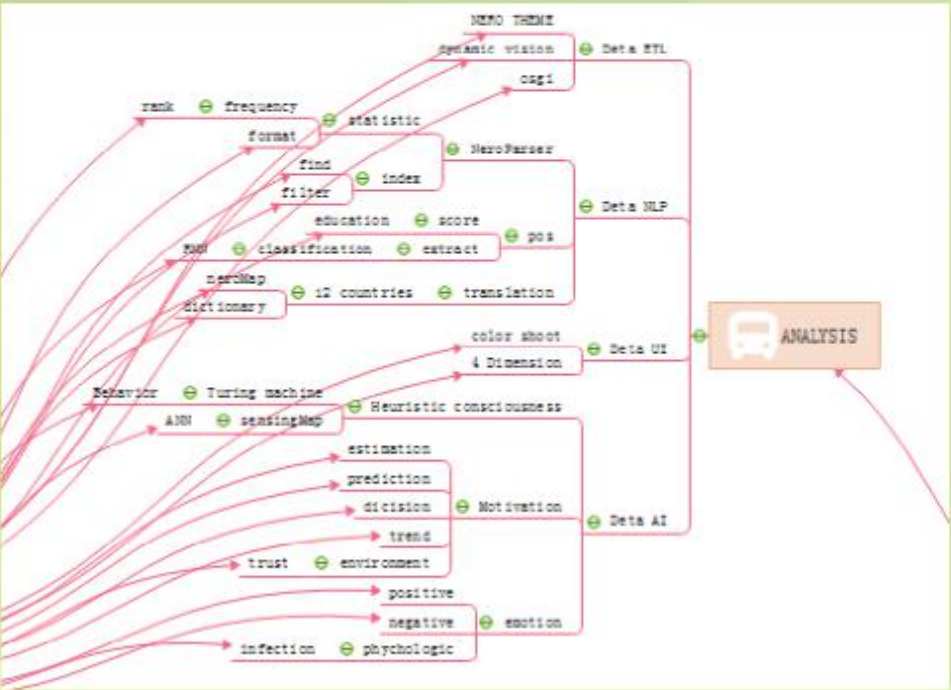
# Deta AI 规划/Visionary AOPM INITONS ~2018

## 数据分析基础元基

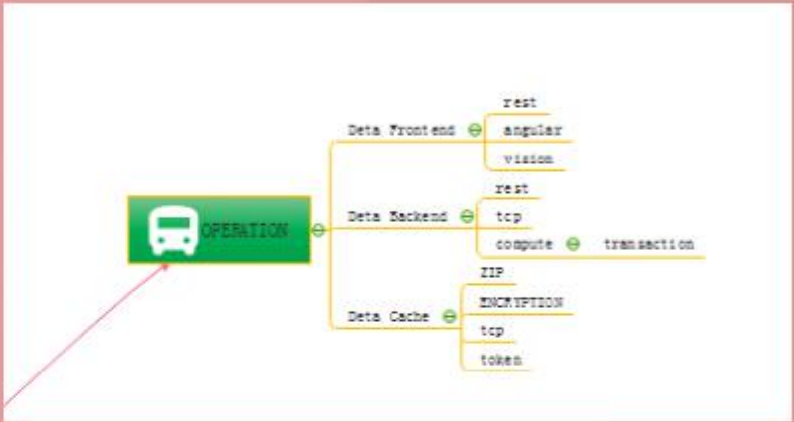
德塔数据分析开源 *Deta ETL*  
德塔开源图灵分词  
德塔开源人工智能  
德塔开源*Unicorn*界面设计

## Analysis initons

DETA ETL  
DETA Parser  
DETA AI NLP  
DETA Unicorn UI



德塔的开源工程中的 具体应用功能分类按照元基 进行划分。



## 数据操作基础元基

*GIT* 德塔前端开源项目  
*GIT* 德塔后端开源项目  
*GIT* 德塔缓存开源项目

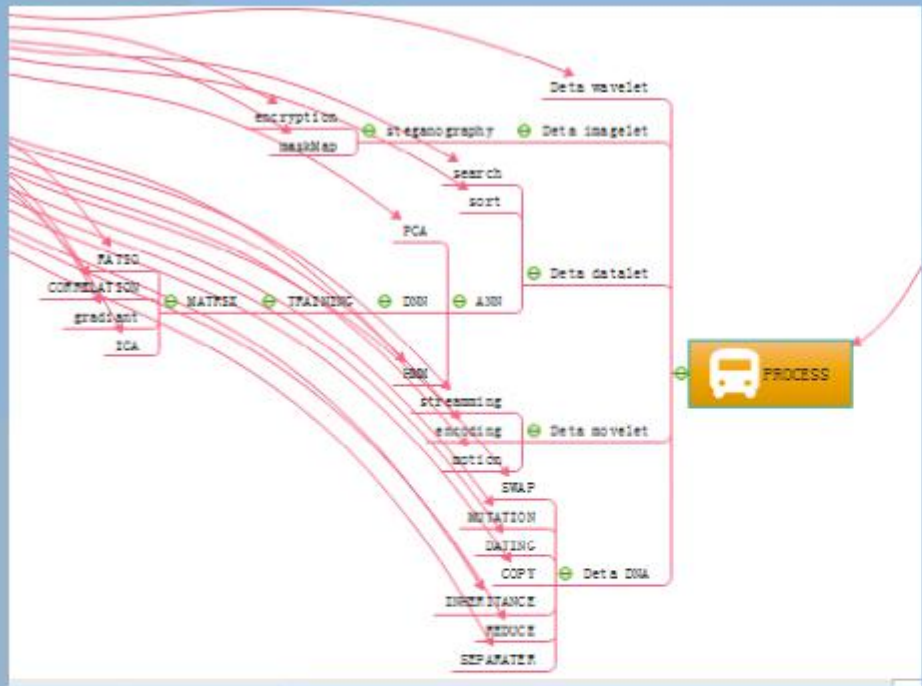
## Operations initons

DETA Frontend  
DETA Backend  
DETA Cache

...

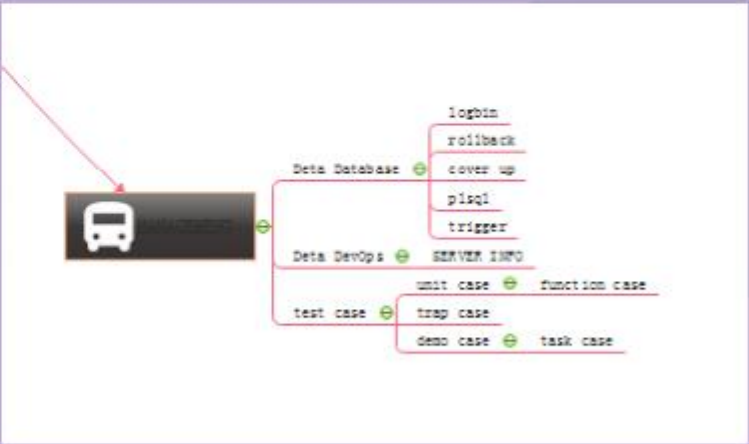


# Deta AI 规划/Visionary AOPM INITONS 2018~2019



**数据处理基础元基** Process initons  
德塔数据处理开源 DETA OSS DATAlet  
DETA 扩展编码 DETA PDE Initons  
Deta Data Processor API DETA Processor API

**数据管理基础元基** Management initons  
德塔数据库 DETA Database  
德塔PLSQL DETA PLSQL  
德塔运维 DETA Devops  
德塔测试 DETA Test  
德塔数据变换引擎 DETA Swap



# Deta AI 规划/Visionary VPCS -AOPM INITONS 2019~2020

VPCS 编码 Initons 六元肽展

VPCS 后端进化与分析

德塔六元微分催化项目

德塔数据预测

德塔读心术

...

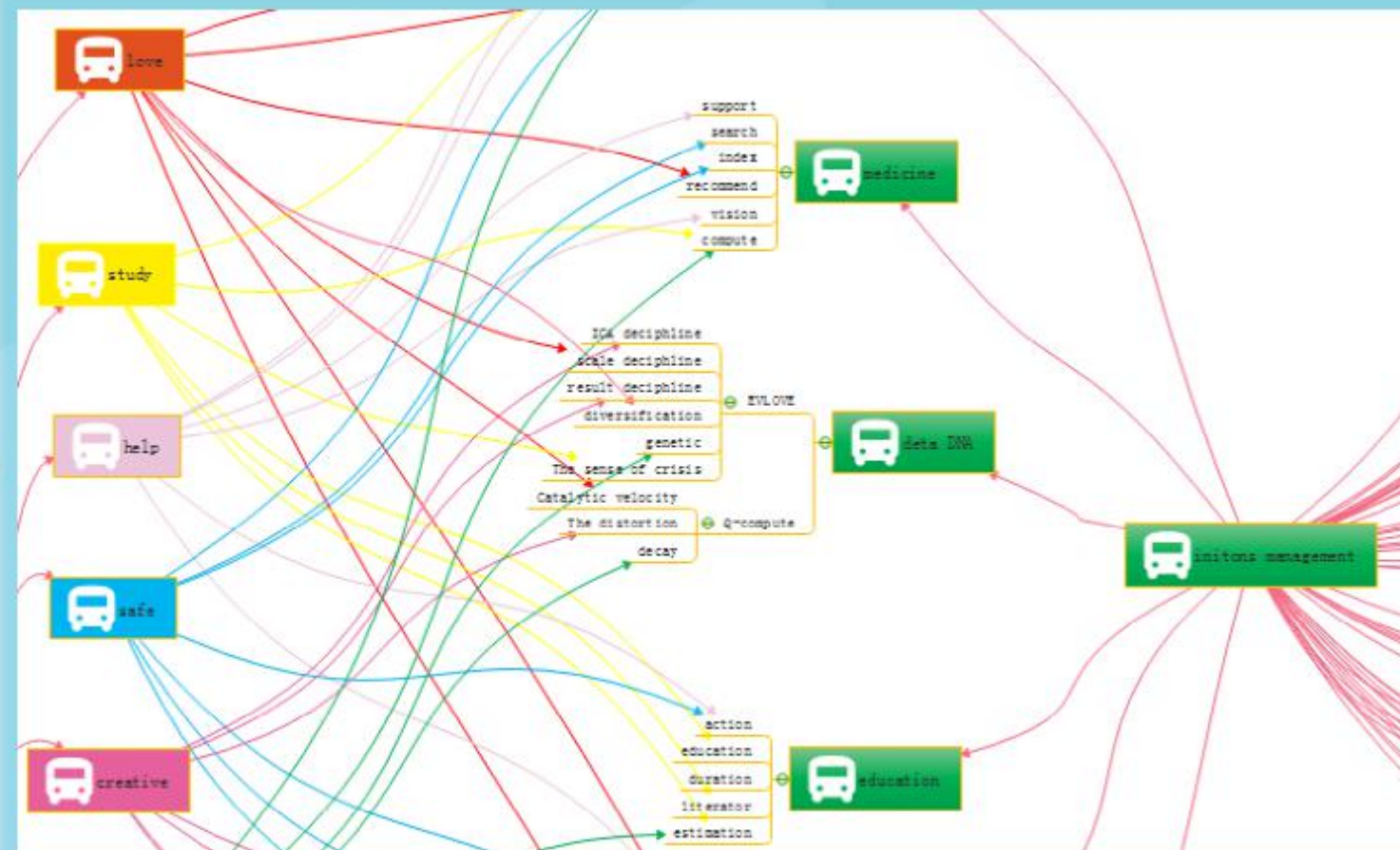
VPCS & PDE Encoder

Catalytic Computing

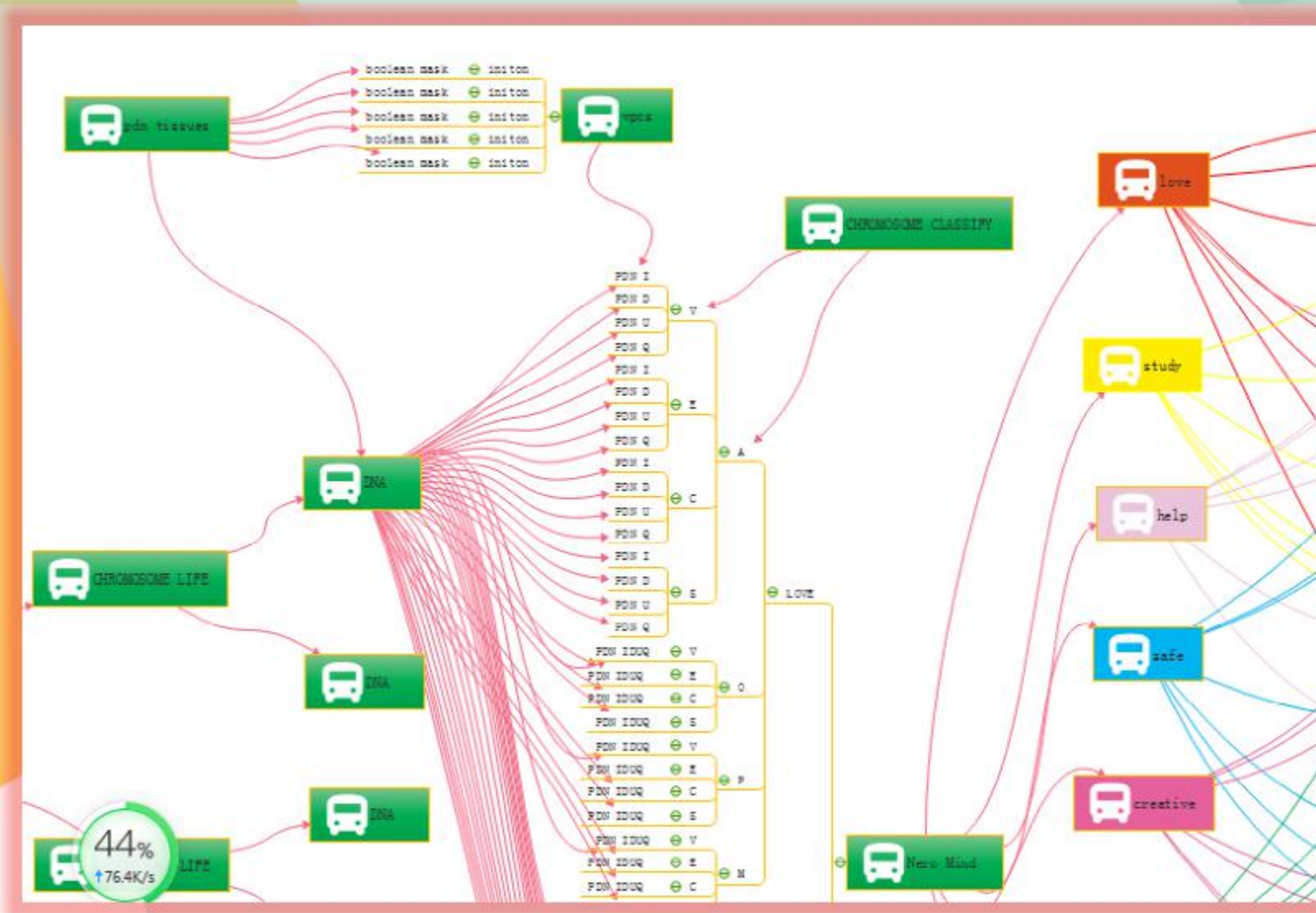
DETA DATA Prediction

DETA dnn Mind Reader

...



*Deta AI 规划*/Visionary DNA- PDE- IDUQ- VECS- AOPM INITONS 肽展2020



## 类人DNA VPCS 元基解码

## 微分催化计算在分词与排序上的应用

## 德塔极速排序

德塔象契分词

## DNA 与神经元映射催化寡子编码规范

22

## Humanoid DNA VPCS Decoder

### Catalytic Word Segment

### Catalytic TOP Sort

### Catalytic Pictographic -wedge Index



# Deta AI 实现/ Dreams

## 个人软著

- 1: 德塔象契分词
- 2: 德塔 DNN 读心术
- 3: 德塔 Socket 流 PLSQL 数据库
- 4: 德塔数据变换引擎
- 5: 德塔极速排序
- 6: 德塔数据预测
- 7: 德塔 Unicorn ETL 数据分析引擎
- 8: 德塔数据处理引擎



## 个人论文

- 1: AOPM 的进化逻辑
- 2: VPCS 的后端计算应用
- 3: DETA PLSQL 数据库语法规范
- 4: 微分催化计算在分词与排序上的应用
- 5: DNA 与神经元映射催化算子编码规范
- 6: PDE 肽展公式
- 7: AOPM VECS IDUQ TXHF DD 十六元基解码

# Deta AI 作品/ Dreams Come True

## 开源作品

### 麓塔华瑞集 医学大数据学习软件

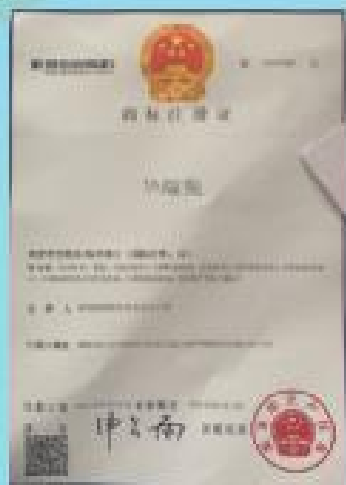
600 本医学教材.

2200 万字古籍医学经典.

每秒double 数组排序1100 万 开源小高峰过滤排序算法.

性能每秒1700 万 DETA 开源分词解析器.

线性, 图片, 表格, 三维, 向量, 音频, 视频, 综合医学数据索引查询满足医学养生领域学习需求.



## 闭源作品

### 麓塔养疗经 医学辅助诊疗软件

1.6 亿字医学资料, 1800 万字教材加节点无限扩展.  
可2次开发平台 涉及: 养生, 声诊, 处方, 推拿等88 个医学专科领域.

函数全局有机肽展编码开辟类人智慧新纪元.

集成 DETA 所有最新版本科技成果.



## 罗瑶光 个人 贡献/ Contribution

- 1: 单机峰值 每秒排序 1160 万 Double 线性数组.<2019~2020>
- 2: 单机峰值 Sonar lint 高级认证下 每秒分词 1630 万+ 象形文字混合字符串. <2021>
- 3: 单机 象契混合 按拼音与笔画排序每秒 800 万字 +. <2019~2020>
- 4: 人类史 首次 类人软件 肽链组 染色体化 和 DNA initon元基规范编码.
- 5: 软件工程瀑布模型维度优化与AOPM 真实环境应用.
- 6: MVC 后端逻辑维度优化与 VPCS 真实环境应用.
- 7: 这些精华已经全部融入 养疗经 18830+ 版本. (支持多种渠道下载).
- 8: 养疗经 作品索引功能 已持续17 个月的真实医学临床测试.
- 9:人类史首次 完整破译 DNA INITONS 肽展变换定理公式.
- 10:人类史首次算能定义. 着手开源 RNA 元基芯片设计。
- 11: 德塔已经开源了18个 互联网数据领域工程, 一直通过实体应用优化他们.
- 12: 编著 DNA 元基催化与肽计算 第三次修订版 039010版本 和 元基花 18830 数据应用API

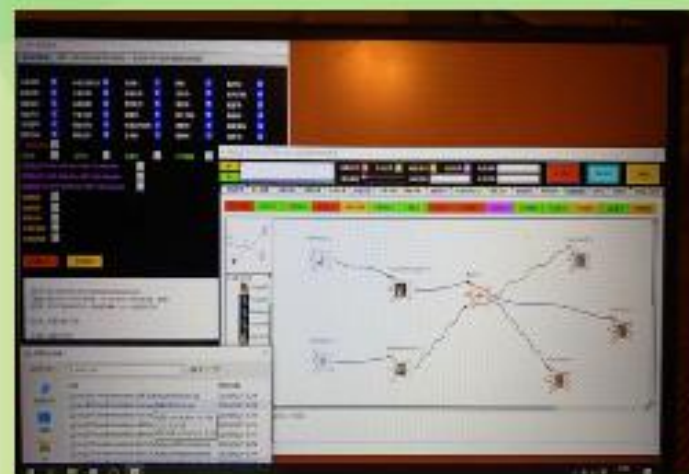
## Deta AI 部分版权展示 / Landscape



医学中药数据检索



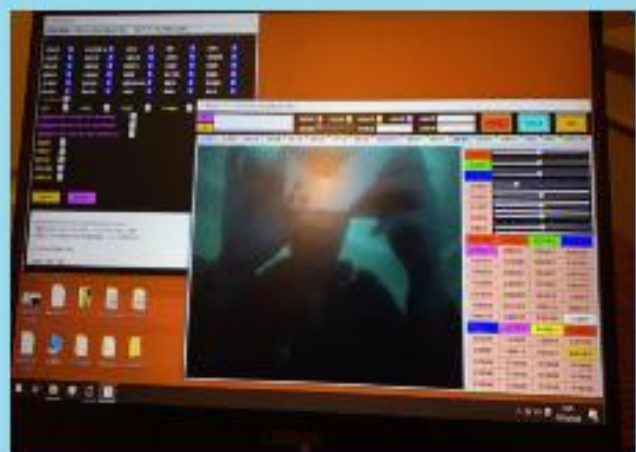
西医文献搜索



神经网络处理医学任务



医学文字处理



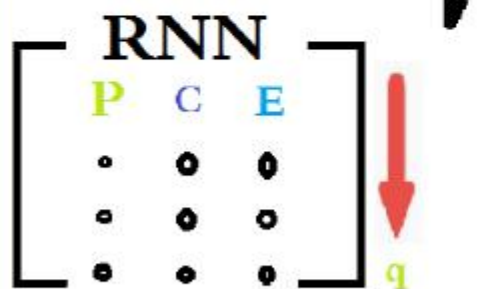
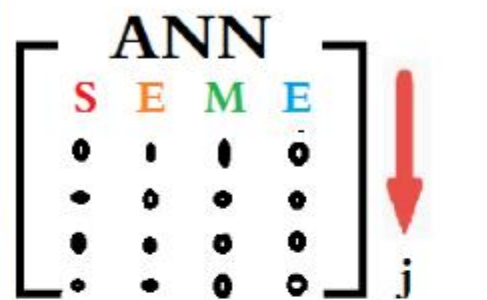
影像数据处理



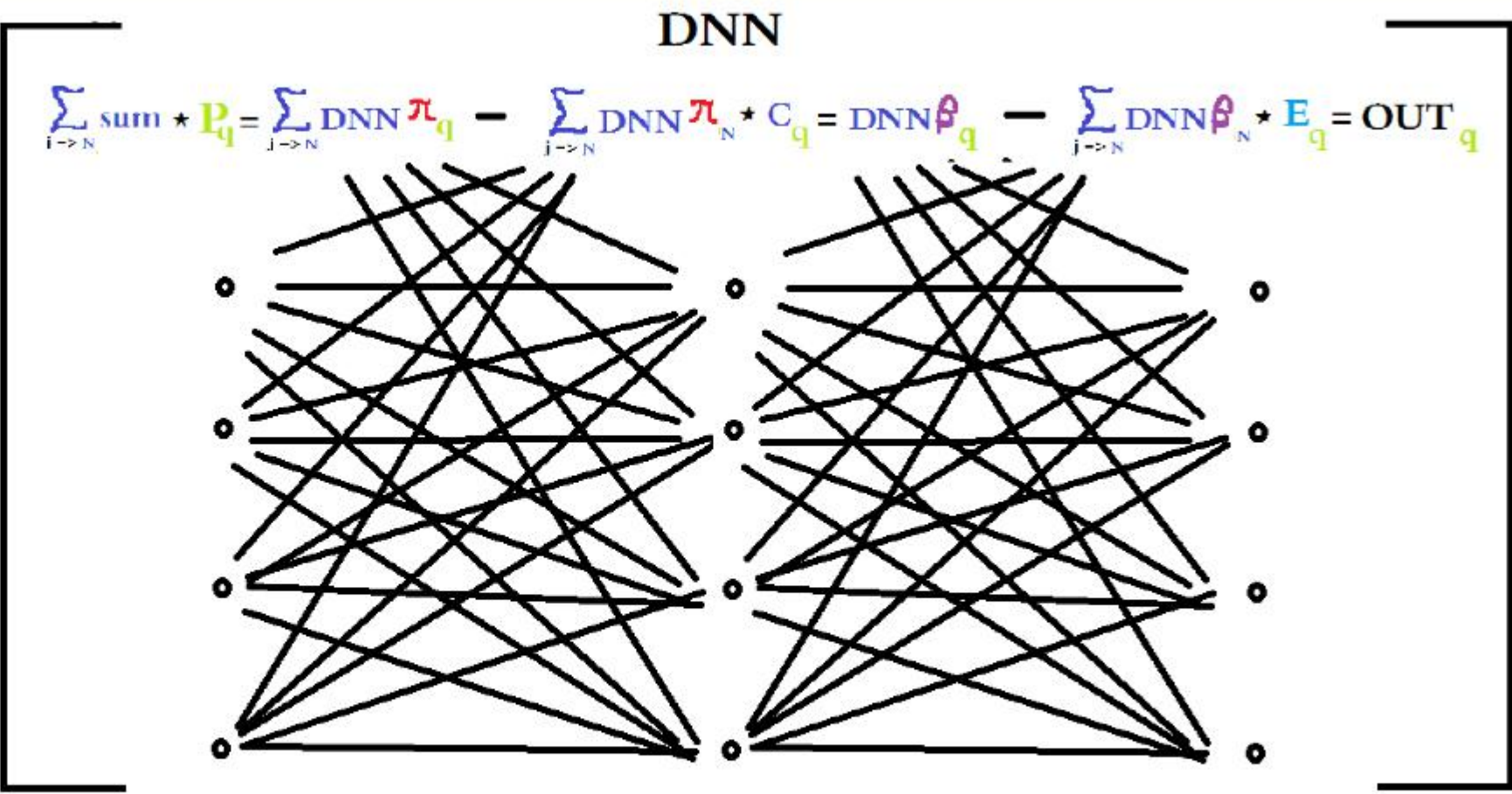
声学数据处理



Deta NLP Demo  
for Mind Reading



$$S_j + E_j + M_j + E_j = \text{sum}_j$$



- S sensing
- E emotion
- P POS
- E environment
- M motivation
- C correlation
- E E-distance

亮点: 该公式的 ANN-SEME 和 RNN-PCE 子核同样适用于 AOPM 与 VPCS 子核替换 用于其他工业智能场景

# Deta AI 部分版权作品展示 / Landscape DNN 应用



德塔DNN支持 重心词汇，中心词汇，主要词汇，词性，词频等计算进行颜色标注展示。方便大文本文件阅读的一目了然。核心算法全部拥有自主研发知识产权。并开源，方便全世界见证和比对。

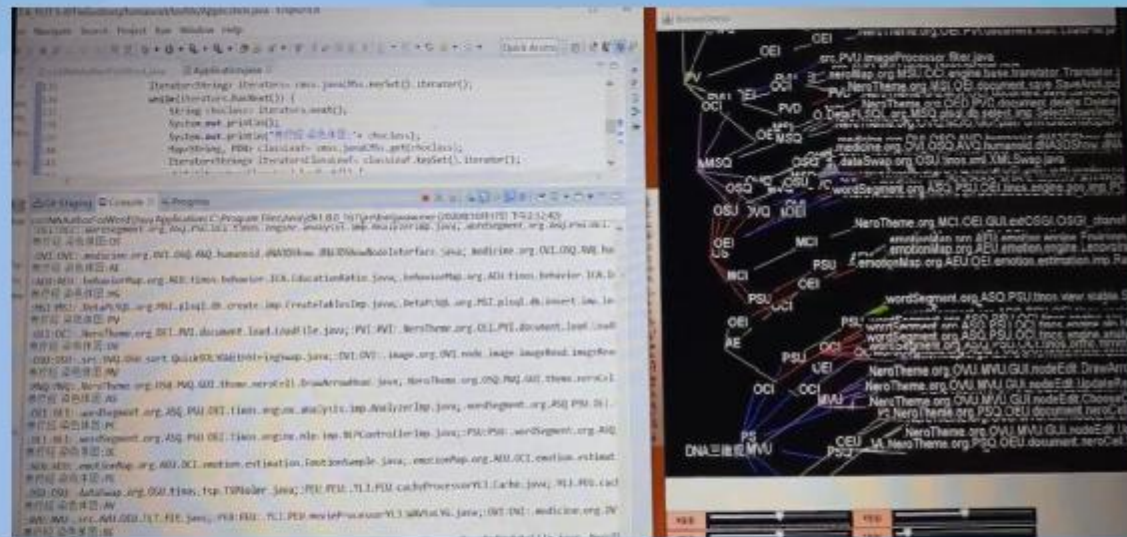
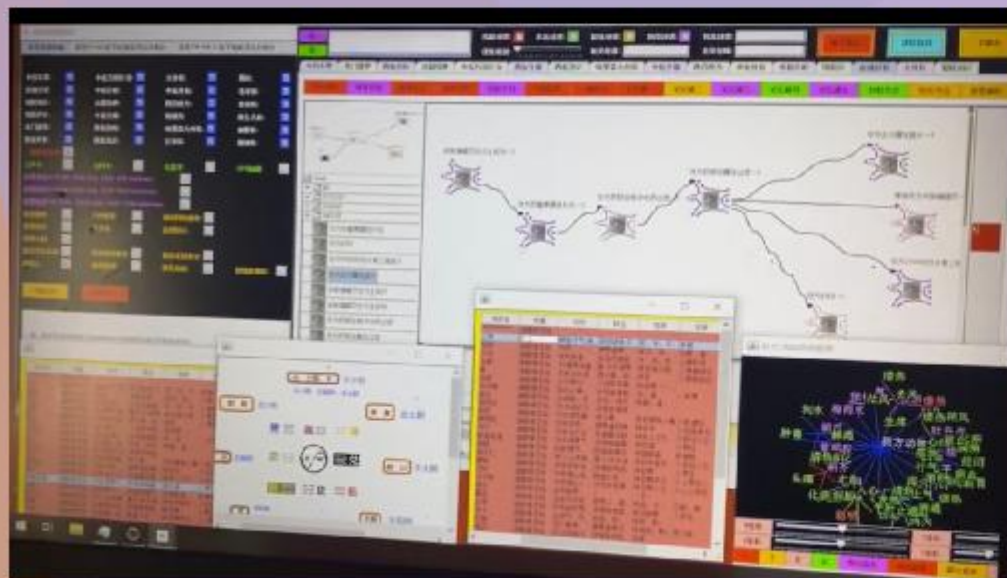
其中重心DNN的基础ANN,RNN支撑算法 也是德塔自主知识产权版本，国家著作权备案。

DNN 读心术在医学跨专科集群搜索中的应用



## Deta AI 部分版权作品展示 / Landscape

## 一键处方生成与综合三维筛选观测打印



## Initons 遗传肽链生成与养疗经染色体分类

德塔ETL的节点支持插件开发，嵌入式集成和网页界面操作，目前函数已经支持DNA 元基索引新陈代谢分类。速度可观，如分词从2019年的1300万每秒峰值到现在 1630万每秒峰值。效率增加了30%，意味着计算服务器的部署量大大减少。



Deta AI 部分版权作品展示 / Landscape

疾病辨证与深度筛选



五行术数与中医观测

德塔技术的疾病辨证 所有细节来自完整知识产权的基础应用组件，按照国家卫健委的医学教材语法来定义疾病的搜索和打分权重。所有算法全部来自罗瑶光先生个人著作权， 真正的技术可控。

## Deta AI 部分版权作品展示 排序 Landscape

```
private int partition(double[] array, int leftPoint, int rightPoint) {  
    double x= array[leftPoint]< array[rightPoint]? array[leftPoint]: array[rightPoint];  
    int leftPointReflection= leftPoint;  
    while(leftPointReflection< rightPoint){  
        while(!(array[leftPointReflection]> x|| leftPointReflection++ >= rightPoint)) {}  
        while(array[rightPoint--]> x) {}  
        if(leftPointReflection< ++rightPoint){  
            double temp= array[rightPoint];  
            array[rightPoint]= array[leftPointReflection];  
            array[leftPointReflection]= temp;  
        }  
    }  
    array[leftPoint]= array[rightPoint];  
    array[rightPoint]= x;  
    return rightPoint;  
}
```

The Top Sort 4D  
德塔版权源码

养疗经搜索组件

养疗经分词组件

养疗经象契字符排序组件

养疗经表格排序组件

更多资源:

感谢如下媒体为作者提供了大量 第三方存储与发布 协助:

微信视频, 新浪视频, 抖音视频, 快手视频, 优酷视频 ...

QQ群下载, 百度下载 ...

Github, Gitee, bitbucket, codingnet & LinkedIn ...

该算法在单机PC上 联想Y7000拯救者电  
脑 win10 测试 每秒排序1160 万 峰值随机  
double数。



# Deta AI 著作权作品成果与展示 DNA 加密, 1077页

The screenshot shows the Java code for the login service and a table of DNA keys.

```

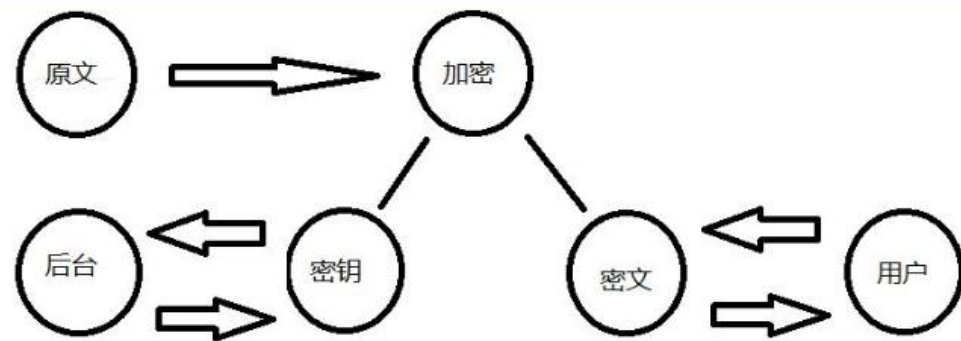
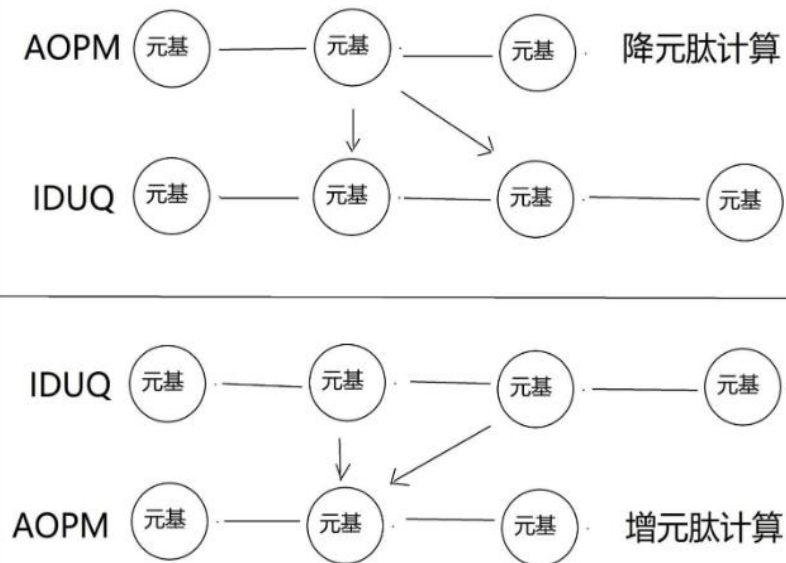
//数据库取密
UsrToken usrToken= LoginServiceImp
if(null== usrToken.getuPassword())
    return false;
}
//取密进行加密
String[] MD5dice_DNA= usrToken.get
if(0== MD5dice_DNA.length) {
    return false;
}
//humanpassword-> twnpassword
SessionValidation sessionValidation= new SessionValidation();
TokenCerts tokenCerts= sessionValidation.sessionTokenCertsInitWithHumanWordsByDNA(da
//twnpassword->pde, dos
TokenPDI tokenPDI= new TokenPDI();
TokenPDI bootTokenPDI= new TokenPDI();
tokenPDI.pdedeKey= MD5dice_DNA[1];
tokenPDI.pdedeKey= MD5dice_DNA[2];
tokenPDI.pdeieKey= MD5dice_DNA[3];
tokenPDI.pdeisKey= MD5dice_DNA[4];
bootTokenPDI.doKeyUnPress(tokenCerts.getPdnPassword(), tokenPDI, true);
//对比 入参密码的加密 与 DB获取PDE密码
if(tokenPDI.pde.equals(usrToken.getuPassword())) {
    return true;
}
return false;
}

public static boolean DNAAu

```

DNA	AOPMVECS	TDD	VECSAOPM	TII	MPOA
Full dna					MPOA
Full back			MPOASCEV	TDI	VECSA
dna					
Full up			VECSAOPM	TII	MPOA
dna					

	DNA		PDE B		PDE C	
Dna	AOPMVECS	TDD	VECSAOPM	TII		
Full dna					MPOASCEV	TDI
Full back			MPOASCEV	TDI	VECSAOPM	TII
dna						
Full up			VECSAOPM	TII	MPOASCEV	TDI
dna						



德塔DNA加密已经应用于养疗经网站的登陆系统中。源码完整无保留GPL2.0 GIT开源。

# Deta AI 著作权作品成果展示 DNA 图片识别, 1074页

The screenshot displays the Deta AI software interface. On the left, there is a sidebar with various settings and a list of similar images. The main area shows a large image of a person's back with a red outline, and a smaller image of a person's face with a red outline. The interface includes a top menu bar with options like '总启动专科与系统配置版面', '德塔PLSQL控制台', '德塔TIN SHELL语言控制台', and '德塔WEB智能控制'. Below the menu bar, there are several tabs for different medical specialties: '中药本草', '中医诊断', '奇门遁甲', '中医外伤', '中医生殖', '西医生殖', '西医内科', '西医急诊', '西药处方', '数据分析', '智能相诊', and '大外科'. The sidebar on the left contains a table of settings for '四元酸脂浓度' and '四元酸脂浓度阈值', and a list of similar images with their scores. The main area shows a large image of a person's back with a red outline, and a smaller image of a person's face with a red outline. The interface includes a top menu bar with options like '总启动专科与系统配置版面', '德塔PLSQL控制台', '德塔TIN SHELL语言控制台', and '德塔WEB智能控制'. Below the menu bar, there are several tabs for different medical specialties: '中药本草', '中医诊断', '奇门遁甲', '中医外伤', '中医生殖', '西医生殖', '西医内科', '西医急诊', '西药处方', '数据分析', '智能相诊', and '大外科'. The sidebar on the left contains a table of settings for '四元酸脂浓度' and '四元酸脂浓度阈值', and a list of similar images with their scores. The main area shows a large image of a person's back with a red outline, and a smaller image of a person's face with a red outline.

四元酸脂浓度:	四元酸脂浓度:	四元酸脂浓度:
5	95	8
四元酸脂浓度阈值:	四元酸脂浓度阈值:	四元酸脂浓度阈值:
10	10	8
四元酸脂浓度比值:	四元酸脂浓度比值:	四元酸脂浓度比值:
5	8	8
四元酸脂浓度精度:	四元酸脂浓度精度:	四元酸脂浓度精度:
8	8	8
四元酸脂浓度PCA:	四元酸脂浓度PCA:	四元酸脂浓度PCA:
25	25	8
四元酸脂浓度ICA:	四元酸脂浓度ICA:	四元酸脂浓度ICA:
15	15	8
四元酸脂浓度ECA:	四元酸脂浓度ECA:	四元酸脂浓度ECA:
20	20	8
四元酸脂浓度UPCA:	四元酸脂浓度UPCA:	四元酸脂浓度UPCA:
15	15	8

四元酸脂浓度训练文件地址: C:\Users\Lenovo\Desktop\deciphering\F\_DB6.txt

四元酸脂浓度训练文件地址: C:\Users\Lenovo\Desktop\deciphering\F\_DB5.txt

相似图片: 0位/骨石.png——分数: 13331.663064688917

相似图片: 1位/视神经-网膜II-基底动脉-茎乳神经-颈内动脉末上段-大前动脉近段-ACA-AI-网膜II示意图.jpg——分数: 15109.563859135828

相似图片: 2位/肋骨骨折.jpg——分数: 109331.51713263098

相似图片: 3位/副神经近段-舌下神经-面神经远段.jpg——分数: 109776.08892764422

相似图片: 4位/人工血管炎-瘤样性紫癜.jpg——分数: 110220.25469933504

相似图片: 5位/瘤样性紫癜.jpg——分数: 110664.41992635909

相似图片: 6位/皮肤混合瘤.jpg——分数: 110664.462165259

相似图片: 7位/血管瘤.jpg——分数: 110664.46564305057

相似图片: 8位/疣状角质不良瘤.jpg——分数: 110664.47055471974

相似图片: 9位/炎性疤痕2.jpg——分数: 110664.48704097621

相似图片: 10位/单纯疱疹-白血病患者-弥漫性大细胞淋巴瘤伴发Kaposi水痘样疹.jpg——分数: 110664.50233511905

相似图片: 11位/动脉粥样硬化.jpg——分数: 110664.51569357896

相似图片: 12位/二期梅毒疹.jpg——分数: 110664.52934357544

德塔的DNA图片识别目前的特别脏数据识别率保持在1%与前30, 可自适应统计肽展计算增加精度。养疗经已经集成。

普通脏, 一般脏的数据识别率精度在前5 与 0.01%

计算算子可以自由设计, 函数已经全部开源。GPL2.0协议

元基视觉技术应用领域很广如气象, 地理, 医学, 生化等领域都能涉猎。

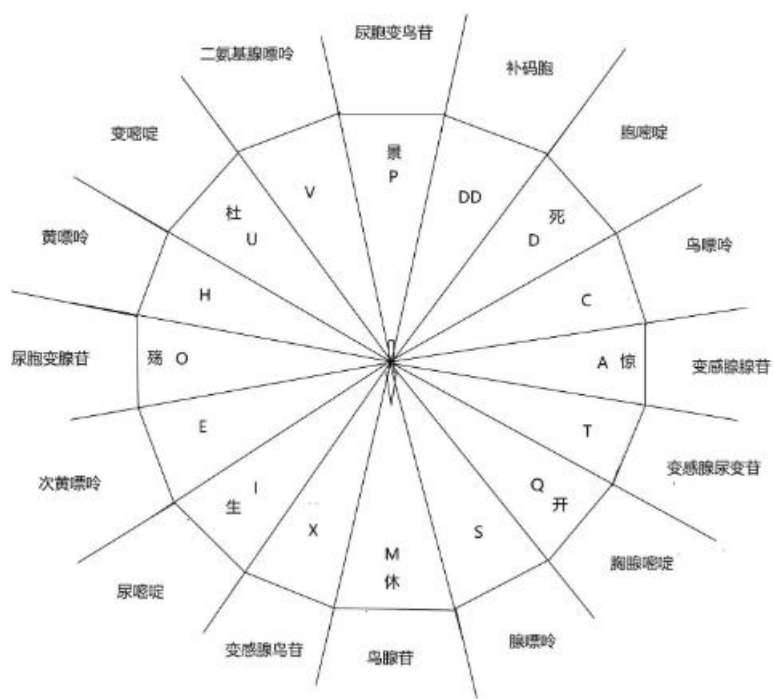


## 展示 DNA 数术, 912, 914, 915~页

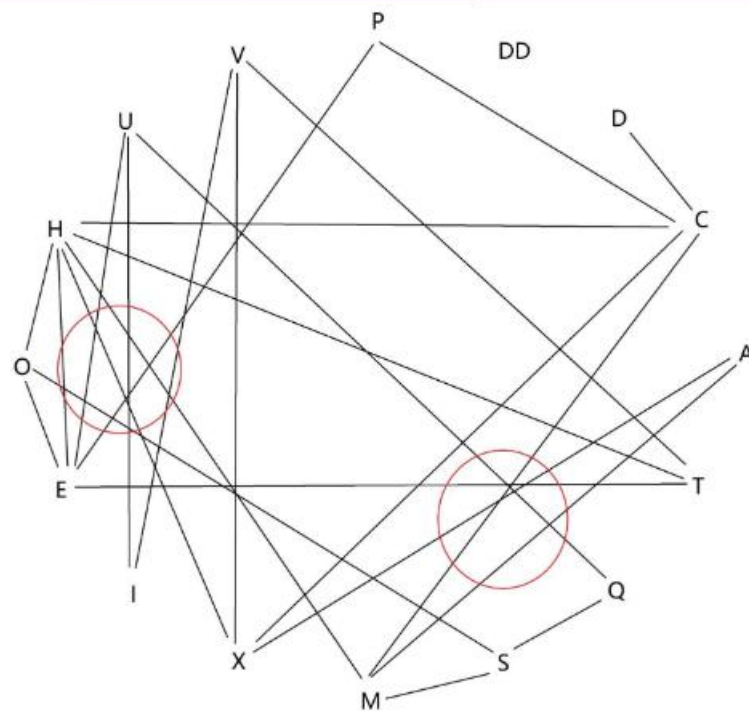
- 元基比值
- 元基活性
- 元基极性

### 元基数术, 活性, 腐蚀性排序表

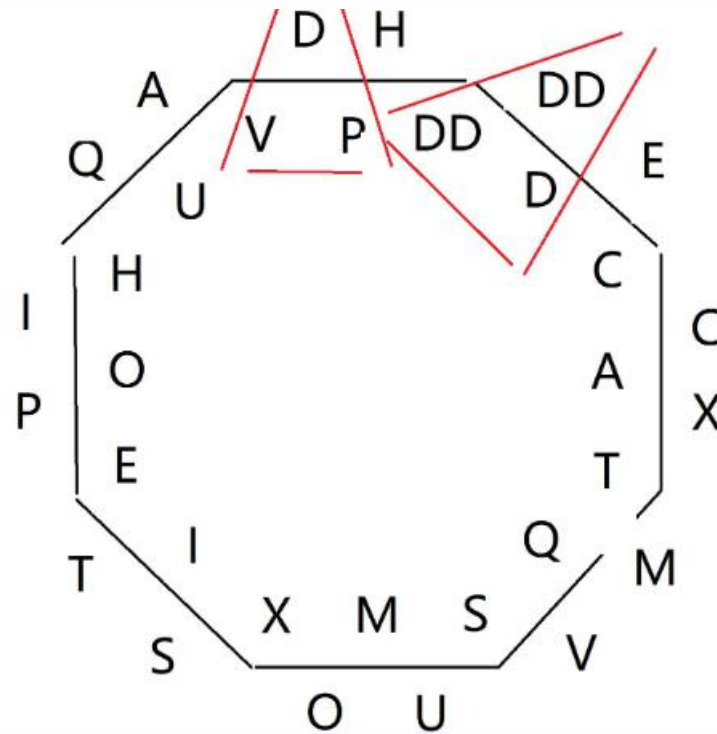
A	O	P	M	V	E	C	S	I	D	U	Q	T	X	H
0	1	2	1	0	1	1	0	2	1	1	2	1	1	2
5	3	3	3	3	1	2	2	1	2	3	1	4	5	1
-5	-2	-1	-2	-3	0	-1	-2	1	-1	-2	1	-3	-4	1
I	Q	H	E	P	C	D	O	M	S	U	V	T	X	A
D	A	Q	I	P	T	S	O	U	V	M	X	C	E	H
O	U	V	M	P	T	S	X	C	I	E	D	A	Q	H



元基语义排序罗盘



元基语义肽展 活性排序罗盘



语义生化双元基叠加罗盘



## Deta AI 当前版权作品跟进/ 元基词汇

1: 商业计划: 智能项目融资与实体经济应用: 养疗经系统函数名,接口名,变量名,插件名已经开始肽展应用.

2: 科研计划: 按 DNA 编码规范 对 人类语言词汇 进行AOPM VECs IDUQ initon 元编码. 如:

X-> A分析, O操作, P处理, M管理,

Y-> V感知, E执行, C 控制, S静态,

Z-> I增加, D删除, U改变, Q查找...

书写-> ...OVQ.OEQ.MVQ.OSU...

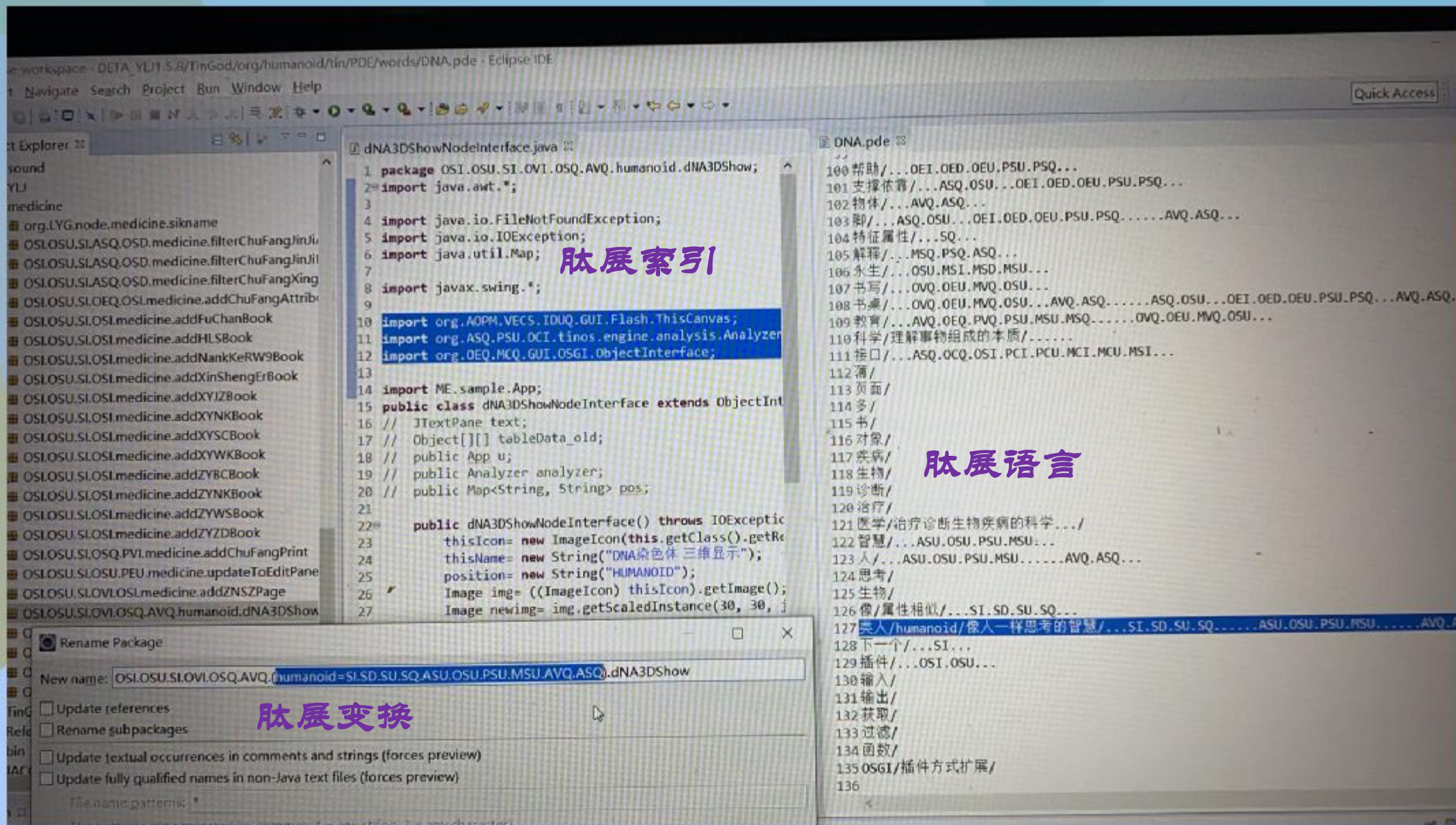
物体-> ...AVQ.ASQ...

桌子-> ...OVQ.OEQ.MVQ.OSU...AVQ.ASQ.....

教育-> ...AVQ.OEQ.PVU.PSU.MSU.MSQ...OVQ.OEQ.MVQ.OSU....

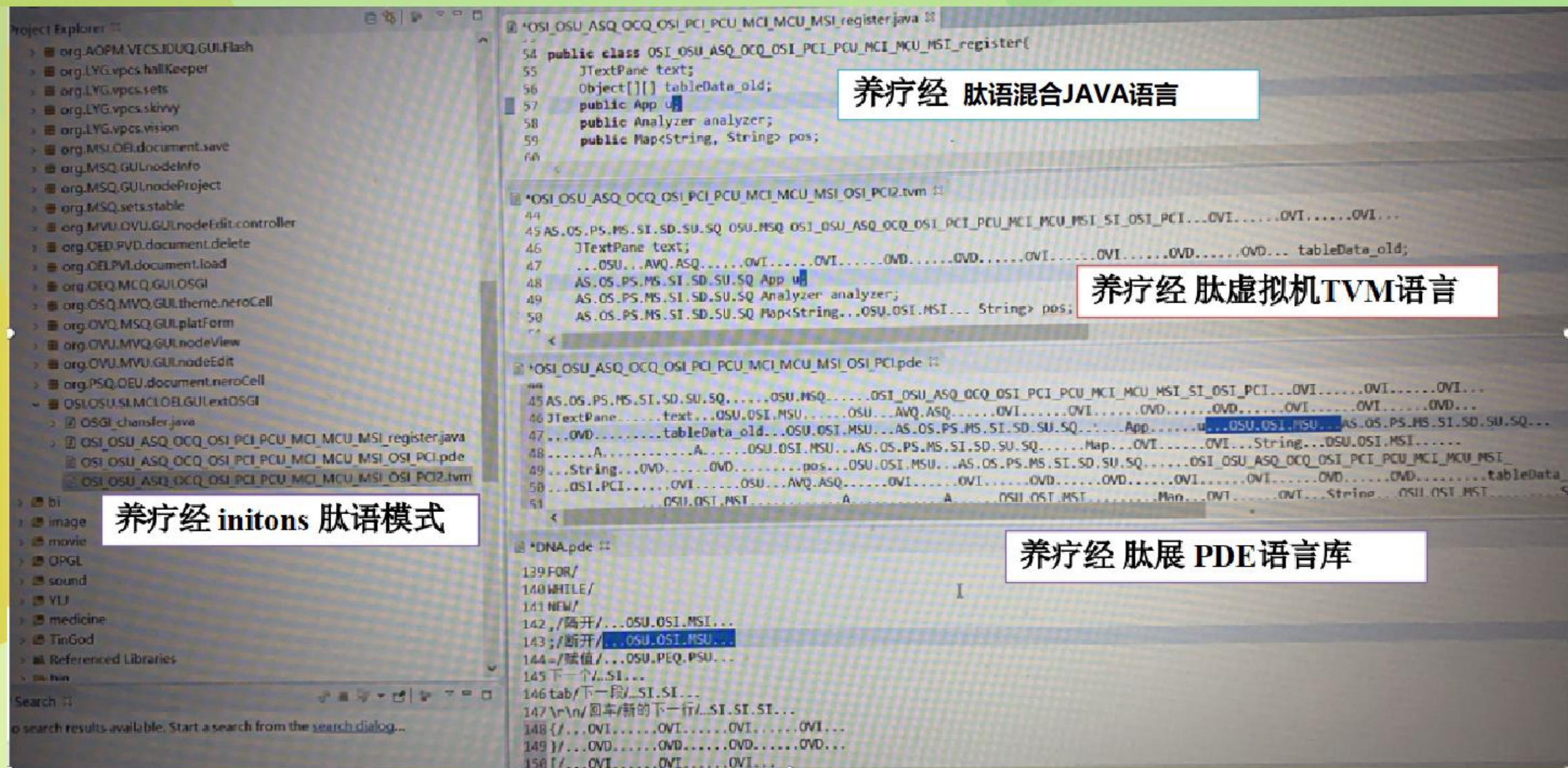
3: 开源计划: 类人染色体配对 遗传实现.

# Deta AI 当前版权作品跟进 / 元基虚拟机 TVM





Deta AI当前版权作品跟进/ 元基虚拟机 TVM



养疗经 initons 肽语模式

养疗经 肽语混合JAVA语言

养疗经 肽虚拟机TVM语言

养疗经 肽展 PDE语言库



Deta AI当前版权作品跟进/ <染色体分类>

V E	V E	V E	V E	
A	O	P	M	
C S	C S	C S	C S	AOPM 染色体对 显性
C S	C S	C S	C S	
A	O	P	M	
V E	V E	V E	V E	
I D	I D	I D	I D	
A	O	P	M	
U Q	U Q	U Q	U Q	AOPM 染色体对 隐性
U Q	U Q	U Q	U Q	
A	O	P	M	
I D	I D	I D	I D	
A O	A O	A O	A O	
V	E	C	S	
P M	P M	P M	P M	VECS 染色体对 显性
P M	P M	P M	P M	
V	E	C	S	
A O	A O	A O	A O	
I D	I D	I D	I D	
V	E	C	S	
U Q	U Q	U Q	U Q	VECS 染色体对 隐性
U Q	U Q	U Q	U Q	
V	E	C	S	
I D	I D	I D	I D	
A O	A O	A O	A O	
I	O	U	Q	
P M	P M	P M	P M	IDUQ 染色体对 显性
P M	P M	P M	P M	
I	O	U	Q	
A O	A O	A O	A O	
V E	V E	V E	V E	
I	D	U	Q	
C S	C S	C S	C S	IDUQ 染色体对 隐性
C S	C S	C S	C S	
I	D	U	Q	
V E	V E	V E	V E	

AOPM元基	AV	AE	AC	AS	OV	OE	OC	OS	PV	PE	PC	PS	MV	ME	MC	MS
AOPM元基	AI	AD	AU	AQ	OI	OD	OU	OQ	PI	PD	PU	PQ	MI	MD	MU	MQ
VECS元基	VA	VO	VP	VM	EA	EO	EP	EM	CA	CO	CP	CM	SA	SO	SP	SM
VECS元基	VI	VD	VU	VQ	EI	ED	EU	EQ	CI	CD	CU	CQ	SI	SD	SU	SQ
IDUQ元基	IA	IO	IP	IM	DA	DO	DP	DM	UA	UO	UP	UM	QA	QO	QP	QM
IDUQ元基	IV	IE	IC	IS	DV	DE	DC	DS	UV	UE	UC	US	QV	QE	QC	QS

96个 2元基肽团 除以 维度层 4个 解码 = 24个染色体相似聚类功能区。  
诺贝尔级染色体 配对条件完美解决。  
24个染色体可以实现反向组合 配对 如 OC -- CO ,, CD--DC....

A O  
I  
P M 染色体中的 IA枝叶 将 养疗经 关于处理<IA>增加  
分析 的函数 如 <IAV>增加分析感知 <IAE>增加分析执行  
<IAC>增加分析控制 <IAS>增加分析静态数据 的函数 按  
<PDE>肽展 编码变换 保存成单链 <INITONS DNA LINK>

下一步单链的遗传配 繁殖 对实现...

AOPM 体现了养疗经的智慧形态  
VECS 体现了养疗经的多样化特征  
IDUQ 体现了养疗经的生物应激活性

AOPM -vecs 智慧 <显性> 染色体对, 确定智慧联想方式  
AOPM -iduq 智慧 <隐性> 染色体对, 确定智慧表达方式  
VECS -aopm 多样性 <显性> 染色体对, 确定多样化的意识特征  
VECS -iduq 多样性 <隐性> 染色体对, 确定多样化的运动特征  
IDUQ -aopm 应激性 <显性> 染色体对, 确定应激性的功能方面  
IDUQ -vecs 应激性 <隐性> 染色体对, 确定应激性的表达对象

V E	V E	V E	V E
A	O	P	M
C S	C S	C S	C S
C S	C S	C S	C S
A	O	P	M
V E	V E	V E	V E
I D	I D	I D	I D
A	O	P	M
U Q	U Q	U Q	U Q
U Q	U Q	U Q	U Q
A	O	P	M
I D	I D	I D	I D
A O	A O	A O	A O
V	E	C	S
P M	P M	P M	P M
P M	P M	P M	P M
V	E	C	S
A O	A O	A O	A O
I D	I D	I D	I D
V	E	C	S
U Q	U Q	U Q	U Q
U Q	U Q	U Q	U Q
V	E	C	S
I D	I D	I D	I D
A O	A O	A O	A O
I	D	U	Q
P M	P M	P M	P M
P M	P M	P M	P M
I	D	U	Q
A O	A O	A O	A O
V E	V E	V E	V E
I	D	U	Q
C S	C S	C S	C S
C S	C S	C S	C S
I	D	U	Q
V E	V E	V E	V E

AOPM-vecs initons, wisdom dominant chromosome pair determines the way of wisdom association.

AOPM-iduq initons, wisdom recessive chromosome pair determines the way of wisdom expression.

VECS-aopm initons, diversity dominant chromosome pairs, determine the diversity of consciousness characteristic.

VECS-iduq initons, diversified recessive chromosome pairs to determine diversified motion characteristics.

IDUQ-aopm initons, stress dominant chromosome pair to determine the functional aspects of stress.

IDUQ-vecs initons, stress recessive chromosome pair to determine the expression object of stress.



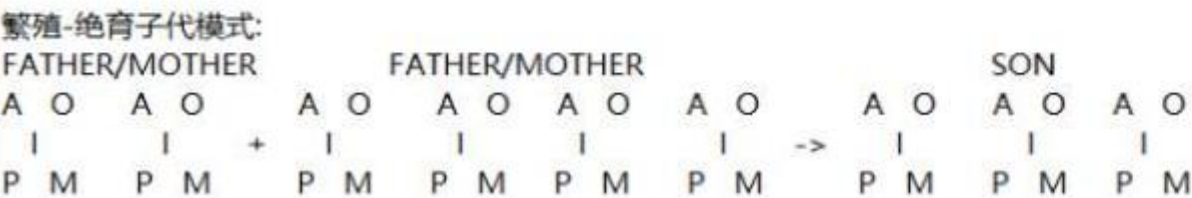
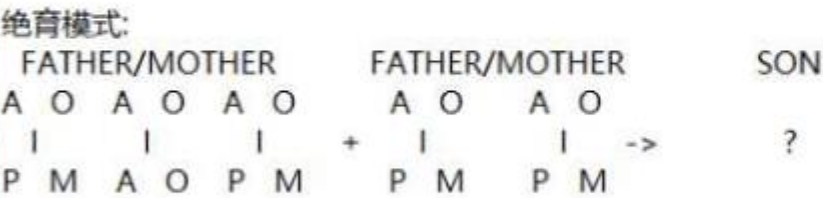
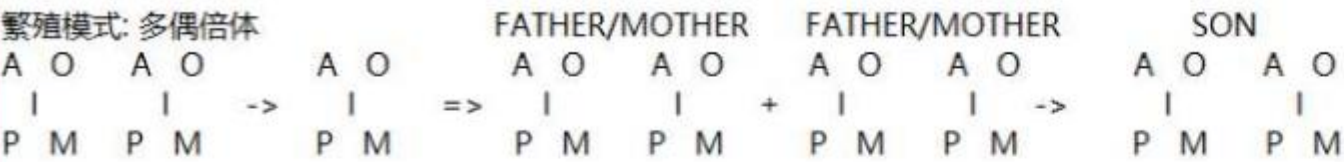
Deta AI当前版权作品跟进

A	O				
I					
P	M	染色体中的 IA枝叶	将 养疗经 关于处理	增加分析 的 函数 如 增加分析感知	
		增加分析执行	增加分析控制	增加分析静态数据 的函数 按 肽展 编码变换 保存成单链	
-----					
下一步遗传配对					
A	O	A	O		
I		I			
P	M	P	M	AA模式 显性	处理 增加分析 应激智慧活性增强 如紧急情况 的思维决策能力：急嫡
A	O	V	E		
I		I		Aa模式 显性	处理 增加分析 应激智慧和表达活性平均：灵感
P	M	C	S		
V	E	V	E		
I		I		aa模式 隐性	处理 增加分析 应激表达活性增强 如紧急情况 的动手能力：本能
C	S	C	S		
-----					

Deta initons 染色体  
似乎具有肽展语言  
函数属性, 需要编  
码实践论证计划...

Deta AI 当前版权作品跟进

下一步多倍体遗传配对 养疗经 肽展进行 遗传繁衍进化同样 要 避开这个问题.



- 目前能想到的研发阻力
- 肽展的链数统计问题.
- 隔代观测问题.
- 配对评估问题.
- 自我倍数修复机制.
- Initons-> PDE-> CMS 断句方式

Initons

FIGURE 1

A 分析 O 操作 P 处理 M 管理  
V 感知 E 执行 C 控制 S 静态  
I 增加 D 减少 U 改变 Q 查找

FIGURE 1联想 +假设 =联想假设FALSE结果

V + S = V + I => S = I  
E + S = E + Q => S = Q  
E + C = E + D => C = D  
C + S = C + Q => S = Q

S 为 A 腺嘌呤 在dna中属于原生活性物质  
Q 为 T 胸腺嘧啶 在dna中属于感应活性物质  
I 为 U 尿嘧啶 在dna中属于增生活性物质  
C 为 G 鸟嘌呤 在dna中属于控制活性物质  
D 为 C 胞嘧啶 在dna中属于降解活性物质  
=>

嘌呤 生物多样性特征 属于VPCS INTIONS肽!  
嘧啶 生物应激性特征 属于IDUQ INTIONS肽!

FIGURE 2

我得到严谨的论证结果:

A 分析 O 操作 P 处理 M 管理  
V 感知 E 执行 C 控制(G 鸟嘌呤) S 静态(A 腺嘌呤)  
I 增加(U 尿嘧啶) D 减少(C 胞嘧啶) U 改变 Q 查找(T 胸腺嘧啶)

可以 guess 推断 FALSE:

A 分析(TA 变感腺嘌呤) O 操作(UA 增变腺嘌呤) P 处理(UG 增变鸟嘌呤) M 管理(GA 鸟腺嘌呤)  
V 感知(T 变感嘌呤) E 执行(U 增变嘌呤) C 控制(G 鸟嘌呤) S 静态 (A 腺嘌呤)  
I 增加(U 尿嘧啶) D 减少(C 胞嘧啶) U 改变(变嘧啶) Q 感应(T 胸腺嘧啶)

U 改变(变嘧啶) Named by yaoguangluo 20201025

FIGURE 1

PDE肽展公式3.0 in DeMorgan 结合律 加法

A = V + S = U + Q + I + Q = U + Q + I = V + I =?  
O = E + S = I + U + I + Q = I + U + Q = E + Q =?  
P = E + C = I + U + I + D = I + U + D = E + D =?  
M = C + S = I + D + I + Q = I + D + Q = C + Q =?

FIGURE 1联想

V + S = V + I => S = I ~联想~~ A=U  
E + S = E + Q => S = Q ~联想~~ A= T  
E + C = E + D => C = D ~联想~~ G=C  
C + S = C + Q => S = Q ~联想~~ A= T  
=> 联想: 竟然和人类的ACGTU 腺吻合! 论证下~  
假设 S 已经彻底解码为 A 腺嘌呤  
假设A 腺嘌呤在dna中属于原生静态物质

FIGURE 1 假设

V = U + Q  
E = I + U  
C = I + D  
S = I + Q  
I = !D  
U = !Q

PDE COMPS LAW

I = ++D  
U = ++I  
Q = ++U  
DD= ++Q  
!-> mask  
~~> comp's

FIGURE 3

//SORT 20201025 19:47 AM D8+  
来继续持续绝对专注论证肽增公式1.0 BY USING ENGLISH FOR - 4 BITS DIUQ  
WAY

SO :

I 增加 !-> D ~-> I !-> D ~-> I  
D 减少 !-> I ~-> U !-> Q ~-> DD (肽增)  
U 改变 !-> I ~-> U !-> I ~-> U  
Q 查找 !-> U ~-> Q !-> U ~-> Q

THEN WE FIND?

PDE SWAP NEW LAW  
D = DD

V 感知->U + Q !-> QU ~-> QQ !-> UU ~-> UQ = V  
E 执行->I + U !-> DQ ~-> DDD !-> III ~-> IIU = I + E (肽增)  
C 控制->I + D !-> DI ~-> DU !-> IQ ~-> UDD = U + D (肽展) = U + D + D (肽增)  
=>THEN WE FIND  
=>U = E  
=>I = U

S 静态->I + Q !-> DU ~-> DQ !-> IU ~-> IQ = S  
S 静态->I !-> D ~-> I !-> D ~-> I ~-S (OLD)(肽减)  
S 静态->Q !-> U ~-> Q !-> U ~-> Q ~-S (OLD)(肽减)

THEN 1

A = V + S = U + Q + I + Q = UQIQ !-> QUDU ~-> QUDQ !-> UQIU ~-> UQIQ = A  
O = E + S = I + U + I + Q = IUIQ !-> DQDU ~-> DQDQ !-> IUIU ~-> IUIQ = O  
P = E + C = I + U + I + D = IUID !-> DQDI ~-> DQDU !-> IUIQ ~-> IUIDD = P + D (肽增)  
M = C + S = I + D + I + Q = IDIQ !-> DIDU ~-> DIDQ !-> IDIU ~-> IDIQ = M

THEN 2 联想假设FALSE结果 dream seems come TRUE

A = V + S = U + Q + I + Q = UQI !-> QUD ~-> QUI !-> UQD ~-> UQI = A  
O = E + S = I + U + I + Q = IUQ !-> DQU ~-> DQQ !-> IUU ~-> IUQ = O  
P = E + C = I + U + I + D = IUD !-> DQI ~-> DQU !-> IUQ ~-> IUDD = P + D (肽增)  
M = C + S = I + D + I + Q = IDQ !-> DIU ~-> DIQ !-> IDU ~-> IDQ = M



## Deta AI当前版权作品跟进 肽展公式 1.2.2

### PDE MASK LAW

$$I = D!$$

$$D = I!$$

$$U = Q!$$

$$Q = U!$$

### PDE COMP'S LAW

$$DD = ++Q$$

$$I = ++D$$

$$U = ++I$$

$$Q = ++U$$

### PDE (肽减) LAW

$$C = D \text{ (肽减)}$$

$$S = I \text{ (肽减)}$$

$$S = Q \text{ (肽减)}$$

### PDE (肽增) LAW

$$D = DD \text{ (肽增)}$$

$$U = E \text{ (肽增)}$$

$$I = U \text{ (肽增)}$$

$$E = E + U \text{ (肽增)}$$

$$P = P + D \text{ (肽增)}$$

$$C = U + D + D \text{ (肽增)}$$

### PDE (肽展) LAW

$$A = V + S \text{ (肽展)}$$

$$A = U + Q + I \text{ (不严谨肽展)}$$

$$O = E + S \text{ (肽展)}$$

$$O = I + U + Q \text{ (不严谨肽展)}$$

$$P = E + C \text{ (肽展)}$$

$$P = I + U + D \text{ (不严谨肽展)}$$

$$M = C + S \text{ (肽展)}$$

$$M = I + D + Q \text{ (不严谨肽展)}$$

$$V = U + Q \text{ (肽展)}$$

$$E = I + U \text{ (肽展)}$$

$$E = D + U \text{ (肽展)}$$

$$C = I + D \text{ (肽展)}$$

$$S = I + Q \text{ (肽展)}$$

$$A = U + Q + I + Q \text{ (肽展)}$$

$$O = I + U + I + Q \text{ (肽展)}$$

$$P = I + U + I + D \text{ (肽展)}$$

$$M = I + D + I + Q \text{ (肽展)}$$

FLASH A NEW NAME 可以推断 模拟 类人 肽功能区 定义 TRUE :

**A** 分析(LTA 变胸腺腺苷) **O** 操作(UCLA 尿胞变腺苷) **P** 处理(UCLG 尿胞变鸟苷) **M** 管理(GA 鸟腺苷)

**V** 感知(LT 变胸腺嘌呤) **E** 执行(UCL 尿胞变嘌呤) **C** 控制(G 鸟嘌呤) **S** 静态(A 腺嘌呤)

**I** 增加(U 尿嘧啶) **D** 减少(C 胞嘧啶) **U** 改变(L 变嘧啶) **Q** 感应(T 胸腺嘧啶)

U 改变(L 变嘧啶)定义为 L the first char of Luo and Liang, Named by yaoguanguo 20201025

Deta AI当前版权作品跟进 永生核苷糖肽展推导公式 1.2.2

A 分析(LTA 变胸腺腺苷) O 操作(UCLA 尿胞变腺苷) P 处理(UCLG 尿胞变鸟苷) M 管理(GA 鸟腺苷)  
V 感知(LT 变胸腺嘌呤) E 执行(UCL 尿胞变嘌呤) C 控制(G 鸟嘌呤) S 静态(A 腺嘌呤)  
I 增加(U 尿嘧啶) D 减少(C 胞嘧啶) U 改变(L 变嘧啶) Q 感应(T 胸腺嘧啶)

永生有关 核酸成分 ...MCI.MSI.OSU.OSI.SDI...

-> ...GAGU.GAAU.UCLAA.UCLAAU.LACU... ,一种核酸永生核苷糖, 肿瘤增生核苷糖

-> ...鸟腺苷-鸟嘌呤-尿嘧啶.鸟腺苷-腺嘌呤-尿嘧啶.尿胞变腺苷-腺嘌呤-变嘧啶.尿胞变腺苷-腺嘌呤-尿嘧啶.腺嘌呤-胞嘧啶-尿嘧啶... 根据肽展公式1.2.2 分解为 为

=...MCI.MSI.OSU.OSI.SDI...

=...IDQ-ID-I.IDQ-IQ-I.IUQ-IQ-U.IUQ-IQ-I.IQ-D-I...

=...I.D.Q.I.D.I.I.D.Q.I.Q.I.I.U.Q.I.Q.U.I.U.Q.I.Q.I.I.Q.D.I... 根据肽增公式1.2.2 聚合为

=...C.Q.C.I.C.Q.S.I.I.U.Q.S.U.I.U.Q.S.I.S.D.I...

=...C.Q.C.I.C.Q.S.I.P.S.U.P.S.I.S.D.I...

=...CQ.CI.CQ.SI.PSU.PSI.SDI... 完美变换过程 全程透明

论证结果:永生核苷糖, 肿瘤增生核苷糖核酸成分 可以转换为 控制执行 静态胞嘧啶增加 (SDI) 论证人: 罗瑶光 2020-10-27 11:37 AM

## Deta AI当前版权作品跟进 永生核苷糖肽展推导公式 1.2.2

现在用跟进算法 进行2 次推导论证如下 永生有关 核酸成分 ...MCI.MSI.OSU.OSI.SDI...

-> ...GAGU.GAAU.UCLAA.UCLAAU.LACU... ,一种核酸永生核苷糖, 肿瘤增生核苷糖

-> ...鸟腺苷-鸟嘌呤-尿嘧啶.鸟腺苷-腺嘌呤-尿嘧啶.尿胞变腺苷-腺嘌呤-变嘧啶.尿胞变腺苷-腺嘌呤-尿嘧啶.腺嘌呤-胞嘧啶-尿嘧啶... 再次根据肽展公式1.2.2 分解为 为 =...MCI.MSI.OSU.OSI.SDI...

分解1 =...CS-ID-I.CS-IQ-I.ES-IQ-U.ES-IQ-I.IQ-D-I...

分解E= IU =1...CS-ID-I.CS-IQ-I.IUS-IQ-U.IUS-IQ-I.IQ-D-I...

分解S= IQ =1.1...IDIQ-ID-I.IDIQ-IQ-I.IUIQ-IQ-U.IUIQ-IQ-I.IQ-D-I...

=1.1...I.D.I.Q.I.D.I.I.D.I.Q.I.Q.I.I.U.I.Q.I.Q.U.I.U.I.Q.I.Q.I.I.Q.D.I...

=1.1...MCI.MSI.OSU.OSI.SDI...

解S= I =1.2...IDI-ID-I.IDI-IQ-I.IUI-IQ-U.IUI-IQ-I.IQ-D-I...

=1.2...IDIIDIIDIQIUIIQUIUIIQUIQDI...

=1.2...ID.I.ID.I.ID.I.IQ.I.IU.I.IQ.U.IU.I.IQ.I.IQ.DI...

=1.2...C.I.C.I.C.I.S.I.E.I.S.U.E.I.S.I.S.DI...

=1.2...CI.CI.CI.SI.EI.SU.EI.SI.SDI... =活性

解S= Q =1.3...IDQ-ID-I.IDQ-IQ-I.IUQ-IQ-U.IUQ-IQ-I.IQ-D-I...

=1.3...C.Q.C.I.C.Q.S.I.I.V.S.U.I.V.S.I.S.D.I...

=1.3...C.Q.C.I.C.Q.S.I.I.VS.U.I.VS.I.S.D.I...

=1.3...CQ.CI.CQ.SI.IAU.IA.ISD.I...

=IAU 变胸腺腺苷发育, I代谢, L变嘧啶 合成过程

这里的元基肽展公式 没有用到DD补码和H, F 元基, 计算推导过程是一种理想环境



## Deta AI当前版权作品跟进 永生昔糖肽展推导公式 1.2.2

分解2 = ...CS-ID-I.CS-IQ-I.ES-IQ-U.ES-IQ-I.IQ-D-I...

分解E= DU =2...CS-ID-I.CS-IQ-I.DUS-IQ-U.DUS-IQ-I.IQ-D-I...

分解S= IQ =2.1...IDIQ-ID-I.IDIQ-IQ-I.DUIQ-IQ-U.DUIQ-IQ-I.IQ-D-I... =略.

分解S= I =2.2...IDI-ID-I.IDI-IQ-I.DUI-IQ-U.DUI-IQ-I.IQ-D-I...

=2.2...I.D.I.I.D.I.I.D.I.I.Q.I.D.U.I.I.Q.U.D.U.I.I.Q.I.I.Q.D.I...

=2.2...ID.I.ID.I.ID.I.IQ.ID.U.I.IQ.U.D.U.I.IQ.I.IQ.D.I...

=2.2...C.I.C.I.C.I.S.C.U.I.S.U.D.U.I.S.I.S.D.I...

=2.2...CI.CI.CIS.CUI.SUD.UIS.ISD.I...

=ISD增加静态删除, I代谢

分解S= Q =2.3...IDQ-ID-I.IDQ-IQ-I.DUQ-IQ-U.DUQ-IQ-I.IQ-D-I...

=2.3...I.D.Q.I.D.I.I.D.Q.I.Q.I.D.U.Q.I.Q.U.D.U.Q.I.Q.I.I.Q.D.I...

=2.3...ID.Q.ID.I.ID.Q.IQ.ID.UQ.IQ.U.D.UQ.IQ.I.IQ.D.I...

=2.3...C.Q.C.I.C.Q.S.C.V.S.U.D.V.S.I.S.D.I...

=2.3...C.Q.C.I.C.Q.S.C.VS.U.D.VS.I.S.D.I...

=2.3...C.Q.C.I.C.Q.S.C.A.U.D.A.I.S.D.I...

=2.3...CQ.CI.CQ.SCA.UDA.ISD.I...

=SCA UDA 变胸腺腺昔代谢, ISD生成静态嘧啶, I代谢 根据肽增公式1.2.2 聚合为 完美变换过程 全程透明

论证结果:永生昔糖, 肿瘤增生昔糖核酸成分 可以转换为 控制执行 静态胞嘧啶增加 (SDI) 论证人: 罗瑶光 2020-10-

27 11:37 AM

这里的元基肽展公式 没有用到DD补码和H, F元基, 计算推导过程是一种理想环境

...MSI.OCU.OCL.PCU.PCI...

...GAAU.UCLAGL.UCLAGU.UCLGGL.UCLGGU...一种核酸抑制新冠苷糖

...鸟腺苷-腺嘌呤-尿嘧啶.尿胞变腺苷-鸟嘌呤-变嘧啶.尿胞变腺苷-鸟嘌呤-尿嘧啶.尿胞变鸟苷-鸟嘌呤-变嘧啶.尿胞变鸟苷-鸟嘌呤-尿嘧啶...

...MSI.OCU.OCL.PCU.PCI...

仅仅做不饱和和分解聚合的肽展计算为:

...M.S.I.O.C.U.O.C.I.P.C.U.P.C.I...

...CS.S.I.ES.C.U.ES.C.I.EC.C.U.EC.C.I...

1 E=IU

...CS.S.I.IUS.C.U.IUS.C.I.IUC.C.U.IUC.C.I...

S=I

...C.I.I.I.U.I.C.U.I.U.I.C.I.IUC.C.U.IUC.C.I...

...C.I.I.I.I.U.I.C.U.I.U.I.C.I.I.U.C.C.U.I.U.C.C.I...

...I.D.I.I.I.U.I.I.D.U.I.U.I.I.D.I.I.U.I.D.I.D.U.I.U.I.D.I.D.I...

...C.I.I.I.E.I.I.E.I.U.I.C.I.E.C.I.E.E.C.C.I...

...C.I.I.I.E.I.I.E.I.U.I.C.I.P.I.E.P.C.I...

...C.I.I.I.E.I.I.E.I.U.I.C.I.P.I.E.P.C.I...

生成人体饮食难以形成的染色体 同元基 IEI IPI 物质 做用就是dna 执行钥匙

2 E=DU

...CS.S.I.DUS.C.U.DUS.C.I.DUC.C.U.DUC.C.I...

S=Q

...CQ.Q.I.DUQ.C.U.DUQ.C.I.DUC.C.U.DUC.C.I...

...I.D.Q.Q.I.D.U.Q.I.D.U.D.U.Q.I.D.I.D.U.I.D.I.D.U.D.U.I.D.I.D.I...

...I.D.Q.Q.I.D.U.Q.I.D.U.D.U.Q.I.D.I.E.C.I.E.E.C.C.I...

...C.Q.Q.C.V.I.E.D.V.I.D.I.E.C.I.E.E.C.C.I...

...CQQ.CV.I.EDV.IDI.ECI.EEC.CI...

生成人体饮食难以形成的染色体EDV 执行胞嘧啶的查看增加,EEC .CI 同连元基 执行控制的增加钥匙.

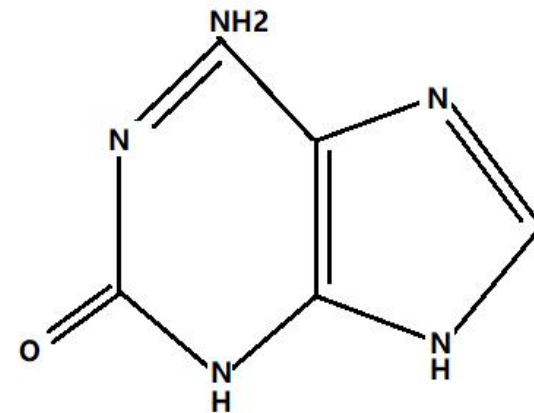
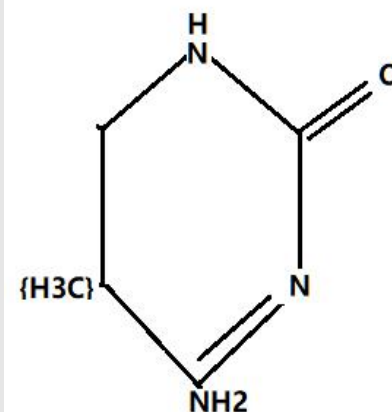
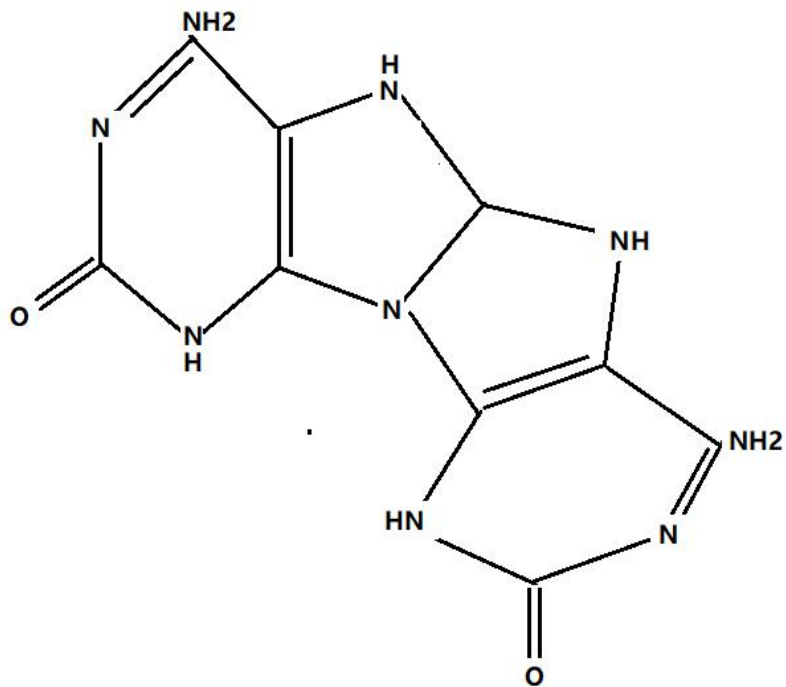
实验推导证明: 补充均衡营养, 多运动, 多喝水, 远离 脏乱环境 提高免疫力 可以有效的预防新冠.

这里的元基肽展公式 没有用到DD补  
码和H, F 元基, 计算推导过程是  
一种理想环境

## *Deta AI* 当前/ {FF} 类甾体与 {F-DU} 碱基对

### *Deta AI* RNA 元基芯片与肽逻辑

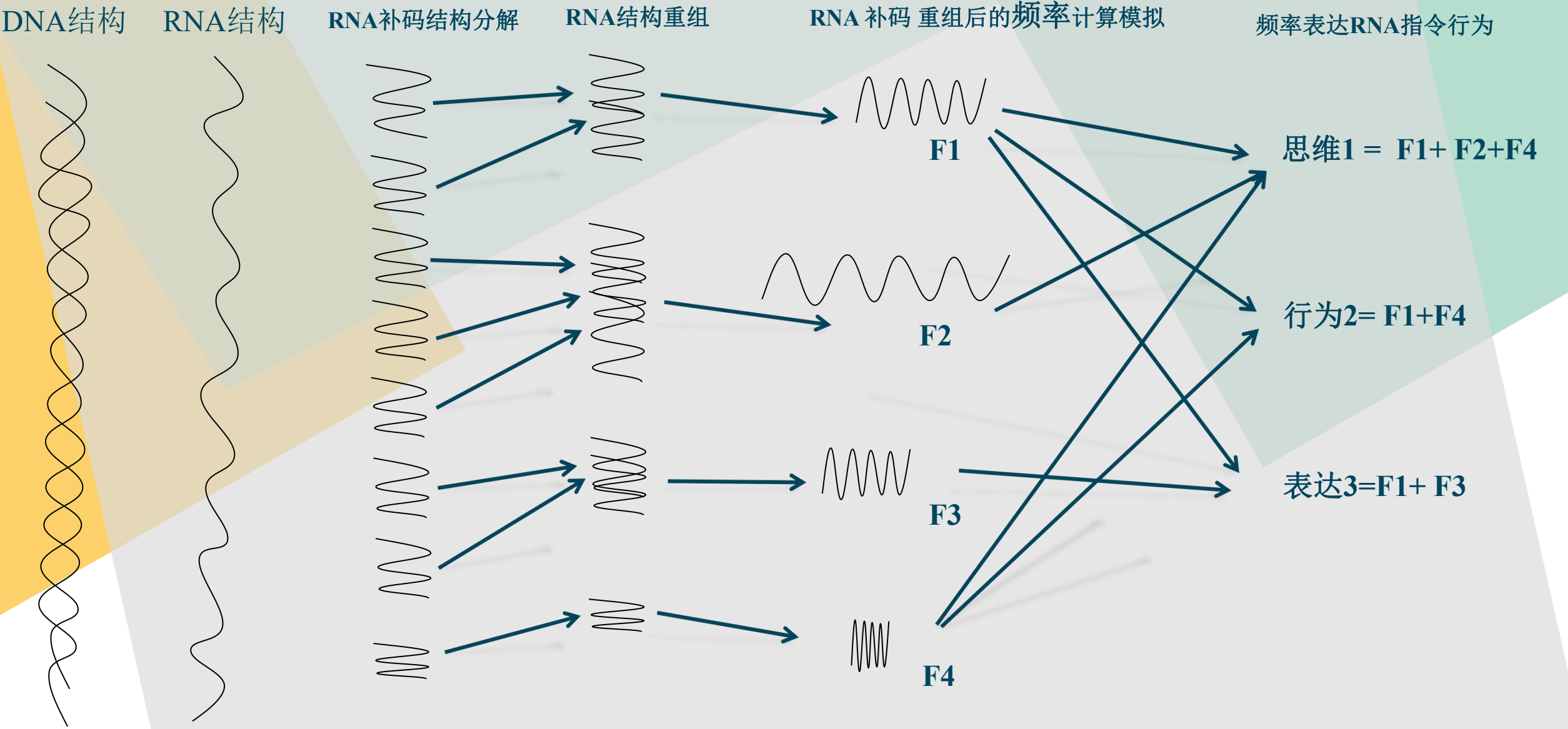
- 1 F元基 全嘌呤定义: 2羟基腺嘌呤, 氨基黄嘌呤 定义为F, 取自Full的意思
- 2 目前探索到 全嘌呤的 {F-DU} 碱基对
- 3 {F-DU} = { {F-D}, {F-U} }



4 对全嘌呤类甾体补码逻辑为全嘌呤苷



# Deta RNA 芯片计算 频率组合 驱动 方式



## Deta RNA 元基 肽展公式的 周期叠加公式

DNA

$$T\{I\} = T\{\text{羟} + \text{羟}\}$$

$$T\{D\} = T\{\text{羟} + \text{氨}\}$$

$$T\{U\} = T\{\text{羟} + \text{氨} + \text{甲}\}$$

$$T\{Q\} = T\{\text{羟} + \text{羟} + \text{甲}\}$$

$$T\{V\} = T\{Q + U\}$$

$$T\{E\} = T\{I + U\} = T\{D + U\}$$

$$T\{C\} = T\{I + D\}$$

$$T\{S\} = T\{I + Q\}$$

$$T\{A\} = T\{V + S\}$$

$$T\{O\} = T\{E + S\}$$

$$T\{P\} = T\{E + C\}$$

$$T\{M\} = T\{C + S\}$$

$$T\{T\} = T\{V + E\}$$

$$T\{X\} = T\{V + C\}$$

$$T\{H\} = T\{(E + C) / 2\}$$

$$T\{HE\} = T\{H + E\}$$

$$T\{HC\} = T\{H + C\}$$

RNA

$$T\{F\} = T\{(D + D)\}$$

$$T\{FF\} = T\{CC\}$$

$$T\{HH\} = T\{E + C\} = T\{P\}$$

{ } 为元基 ( ) 为化合基

... ..=>T (氨基) = T (2\*羟基)

... ..=>T (甲基) = T ( carry标识)

$$f \text{ 频率} = 1 / T \text{ 周期}$$

PDE 肽展公式 在周期与频率的转化中 可以实现减法 逻辑。这种逻辑能同时体现在声音简谐波物质波和电磁波上。

关于养疗经的真实论证体现在智能声诊中的 AOEIU 的元音识别上。

## Deta AI当前版权作品跟进/ 算能公式

最后：如果我进行定义，我定义计算算能优化公式为真实环境中每1秒函数执行需要走的硬件逻辑门（与或非总数S）与软件函数本身执行需要的（与或非总数s）的比

公式为  $N = S(AON)/s(AON)$

N= 算能单位 AON= AND +OR+ NEGATIVE (与或非门器件)

S= 每时间秒函数在非结束状态走过的AON累计总和（微秒对应微N，纳秒对应纳N）

s= 函数本身执行需要走的非重复AON 单元总和

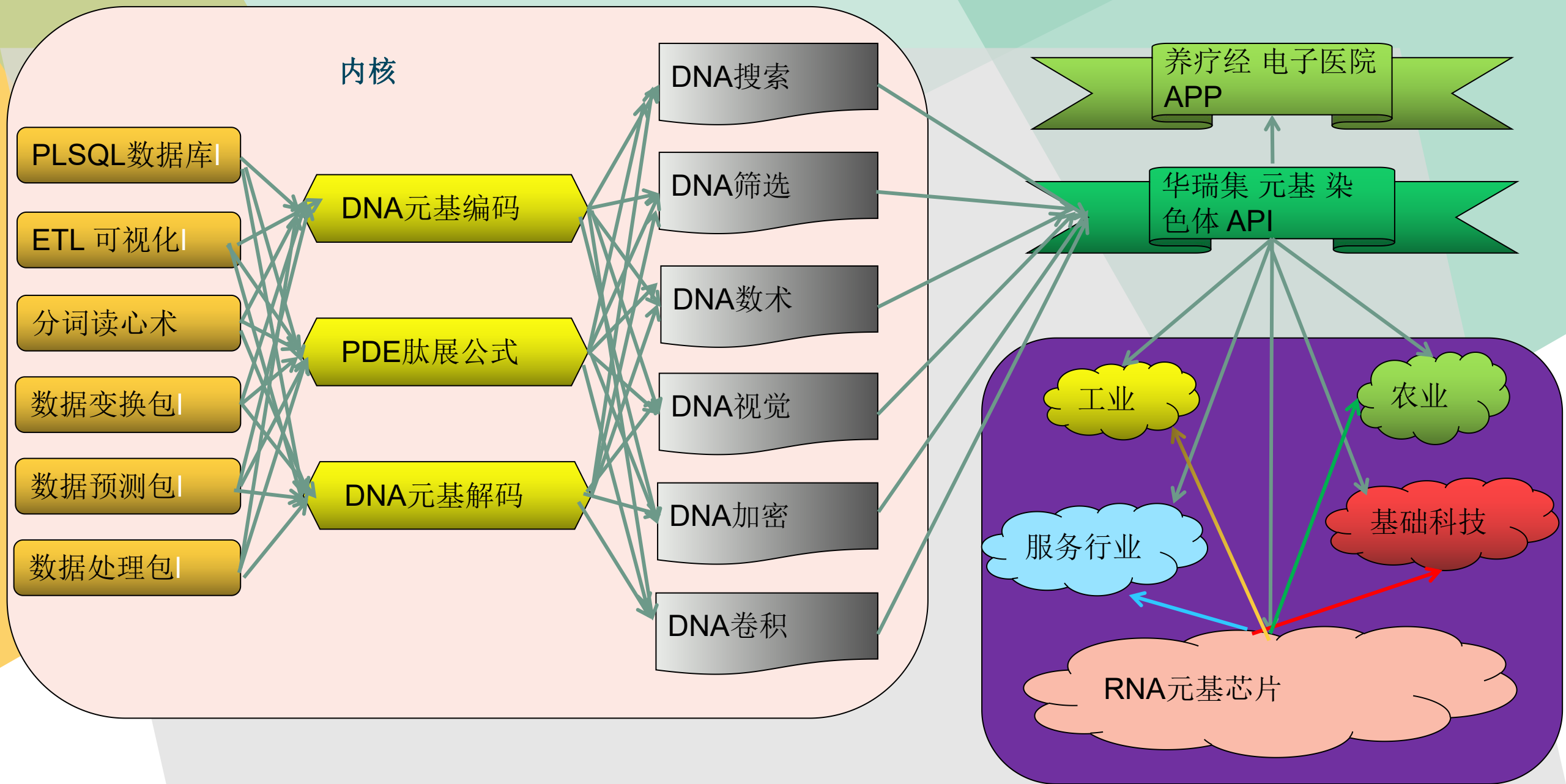
注：通过这个函数可以确定函数优化前后的计算能力值，确定优化是否有效。

元基是一种 拥有 语义表达，生化表达，电极表达，磁频率表达的 四重 基本信号单位

同时 元基 也是一个 能量 单位。



Deta AI 著作权作品成果与布局 2021，准备不断优化和完善它



**感谢/Thanks~** 作者在研发的过程中用到的 研发工具，媒体备份，笔记记录，学历教育，和主观鼓励来源。  
排版不分先后。

备份下载点，java源码可以直接翻译成其他语言，仅需要 lib集的相关语言硬件也支持的包即可。

#### JavaCV显卡，SOUND,CMU声卡，MMPEG视频，JACOB发音驱动lib集 已经打包好地址

[https://github.com/yaoguanguo/YangLiaoJing\\_HuaRuiJi/tree/18701/lib](https://github.com/yaoguanguo/YangLiaoJing_HuaRuiJi/tree/18701/lib)

<https://gitee.com/DetaChina/YangLiaoJing/tree/18700/lib>

<https://yaoguanguo.coding.net/public/YangLiaoJingHuaRuiJi/YangliaoJingHuaruiji/git/files/18801YangliaoJingCMS/lib>

<https://bitbucket.org/luoyaoguang/yangliaoJing/src/18701/lib/>

#### 20210828 DNA 元基催化 与 肽计算 第三修订版 0.3.9.0.1.0 数(字/据)生命启蒙 最新备份地址

[https://github.com/yaoguanguo/DNA\\_Chromosome\\_backup20210705/blob/codingbackup18801/2021/09/07/罗瑶光\\_DNA元基催化与肽计算\\_第三修订版V039\\_010912.pdf](https://github.com/yaoguanguo/DNA_Chromosome_backup20210705/blob/codingbackup18801/2021/09/07/罗瑶光_DNA元基催化与肽计算_第三修订版V039_010912.pdf)

[https://yaoguanguo.coding.net/public/YangLiaoJingHuaRuiJi/YangliaoJingHuaruiji/git/files/18880\\_CMS\\_YLJHRJ/rna/罗瑶光\\_DNA元基催化与肽计算\\_第三修订版V039\\_010912.pdf](https://yaoguanguo.coding.net/public/YangLiaoJingHuaRuiJi/YangliaoJingHuaruiji/git/files/18880_CMS_YLJHRJ/rna/罗瑶光_DNA元基催化与肽计算_第三修订版V039_010912.pdf)

[https://gitee.com/DetaChina/DNA\\_Chromosome\\_backup20210705/blob/codingbackup18801/2021/09/07/罗瑶光\\_DNA元基催化与肽计算\\_第三修订版V039\\_010912.pdf](https://gitee.com/DetaChina/DNA_Chromosome_backup20210705/blob/codingbackup18801/2021/09/07/罗瑶光_DNA元基催化与肽计算_第三修订版V039_010912.pdf)

[https://bitbucket.org/luoyaoguang/yangliaoJing/src/18880\\_CMS\\_YLJHRJ/rna/罗瑶光\\_DNA元基催化与肽计算\\_第三修订版V039\\_010912.pdf](https://bitbucket.org/luoyaoguang/yangliaoJing/src/18880_CMS_YLJHRJ/rna/罗瑶光_DNA元基催化与肽计算_第三修订版V039_010912.pdf)

#### 20210903 养疗经裁剪分支 启动的 华瑞集元基枝 18830 API 最新备份地址

[https://yaoguanguo.coding.net/public/YangLiaoJingHuaRuiJi/YangliaoJingHuaruiji/git/files/18830\\_Cms\\_YLJHRJ/doc/RootChromosome\\_V18830\\_2210903.jar](https://yaoguanguo.coding.net/public/YangLiaoJingHuaRuiJi/YangliaoJingHuaruiji/git/files/18830_Cms_YLJHRJ/doc/RootChromosome_V18830_2210903.jar)

[https://bitbucket.org/luoyaoguang/yangliaoJing/src/18830\\_Cms\\_YLJHRJ/doc/RootChromosome\\_V18830\\_2210903.jar](https://bitbucket.org/luoyaoguang/yangliaoJing/src/18830_Cms_YLJHRJ/doc/RootChromosome_V18830_2210903.jar)

[https://github.com/yaoguanguo/DNA\\_Chromosome\\_backup20210705/blob/codingbackup18801/2021/09/03/RootChromosome\\_V18830\\_2210903.jar](https://github.com/yaoguanguo/DNA_Chromosome_backup20210705/blob/codingbackup18801/2021/09/03/RootChromosome_V18830_2210903.jar)

[https://gitee.com/DetaChina/DNA\\_Chromosome\\_backup20210705/blob/codingbackup18801/2021/09/03/RootChromosome\\_V18830\\_2210903.jar](https://gitee.com/DetaChina/DNA_Chromosome_backup20210705/blob/codingbackup18801/2021/09/03/RootChromosome_V18830_2210903.jar)

#### 20210904 华瑞集 DNA 24组元基花 18830 API 最新备份地址

[https://yaoguanguo.coding.net/public/YangLiaoJingHuaRuiJi/YangliaoJingHuaruiji/git/files/18830\\_Cms\\_YLJHRJ/doc/BloomChromosome\\_V18830\\_2210904.jar](https://yaoguanguo.coding.net/public/YangLiaoJingHuaRuiJi/YangliaoJingHuaruiji/git/files/18830_Cms_YLJHRJ/doc/BloomChromosome_V18830_2210904.jar)

[https://gitee.com/DetaChina/DNA\\_Chromosome\\_backup20210705/blob/codingbackup18801/2021/09/04/BloomChromosome\\_V18830\\_2210904.jar](https://gitee.com/DetaChina/DNA_Chromosome_backup20210705/blob/codingbackup18801/2021/09/04/BloomChromosome_V18830_2210904.jar)

[https://github.com/yaoguanguo/DNA\\_Chromosome\\_backup20210705/blob/codingbackup18801/2021/09/04/BloomChromosome\\_V18830\\_2210904.jar](https://github.com/yaoguanguo/DNA_Chromosome_backup20210705/blob/codingbackup18801/2021/09/04/BloomChromosome_V18830_2210904.jar)

[https://bitbucket.org/luoyaoguang/yangliaoJing/src/18830\\_Cms\\_YLJHRJ/doc/BloomChromosome\\_V18830\\_2210904.jar](https://bitbucket.org/luoyaoguang/yangliaoJing/src/18830_Cms_YLJHRJ/doc/BloomChromosome_V18830_2210904.jar)

#### RNA 元基芯片 与 肽逻辑

[https://github.com/yaoguanguo/DNA\\_Chromosome\\_backup20210705/tree/codingbackup18801/2021/09/07](https://github.com/yaoguanguo/DNA_Chromosome_backup20210705/tree/codingbackup18801/2021/09/07)

[https://yaoguanguo.coding.net/public/YangLiaoJingHuaRuiJi/YangliaoJingHuaruiji/git/files/18880\\_CMS\\_YLJHRJ/rna](https://yaoguanguo.coding.net/public/YangLiaoJingHuaRuiJi/YangliaoJingHuaruiji/git/files/18880_CMS_YLJHRJ/rna)

[https://bitbucket.org/luoyaoguang/yangliaoJing/src/18880\\_CMS\\_YLJHRJ/rna/](https://bitbucket.org/luoyaoguang/yangliaoJing/src/18880_CMS_YLJHRJ/rna/)

[https://gitee.com/DetaChina/DNA\\_Chromosome\\_backup20210705/tree/codingbackup18801/2021/09/07](https://gitee.com/DetaChina/DNA_Chromosome_backup20210705/tree/codingbackup18801/2021/09/07)