第九章 DNA 与 PDE 催化计算元基 XT-H 解码.

The DNA Catalytic & PDE Computing and The Derivation of New TXH INITONS DNA 催化与 肽展计算 和 AOPM-TXH-VECS-IDUQ 元基解码 013026 中文

罗瑶光 浏阳德塔软件开发有限公司 313699483@qq. Com

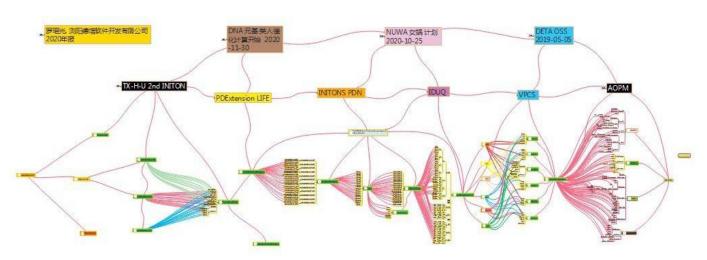
观点: 1: 解放生产力, 创造新的生产力. 2: 优化已有的生产工具更好的适应生产环境. 3: 更好的辅助智慧生物 理解, 适应和改造环境; 医学教育领域实践, 商品与 API 需求分解; DNA 与神经元函数 肽展编码, 类人与进化系统设计.

关键词: 元基, 肽展公式, 黄嘌呤, 次黄嘌呤, 2 氨基腺嘌呤, 触发, 探索, 嘌呤弧, 碱基对, 催化神经网络

引言: 在 DNA 编码 与 肽计算定理公式 推导出来后, 作者 根据变嘧啶定义 顺藤摸瓜 通过肽计算来 反演推导DNA 编码的存在性和 解码真实性, 于是又有了些新发现, 如 TX-H-U 活泼元基在 DNA 催化计算的准确定义, 和元基在 生化计算环境中 的存在模型. 这些新发现 将在这篇文章细节中 一一阐述:

目录:

- 1 推导与定义: 甲基胞嘧啶 在 DNA 编码 和 肽计算 中具体定义为 IDUQ-U 变嘧啶.
- 2 推导与定义: 2 氨基腺嘌呤 在 DNA 编码 和 肽计算 中具体定义为 VECS-V 变感腺嘌呤.
- 3 推导与定义: 次黄嘌呤 在 DNA 编码 和 肽计算 中具体定义为 VECS-E 尿变嘌呤.
- 4 推导与定义: AOPM-A 变胸腺苷, AOPM-O 尿胞变腺苷, AOPM-P 尿胞变鸟苷, AOPM-M 鸟腺苷的 S 形螺旋纹血氧峰触发器分子式催化计算 严谨完整过程.
- 5 推导与定义: VECS-VECS 嘌呤对, VECS 嘌呤弧, VECS-IDUQ 碱基对, IDUQ-IDUQ 嘧啶对的催化模型.
- 6 推导与定义: 次黄嘌呤, 尿变嘌呤 VECS-E = IDUQ-U 变嘧啶, 甲基胞嘧啶 E=U 全新 DNA 计算碱基对.
- 7 推导与定义: 2 氨基腺嘌呤, 变感腺嘌呤 VECS-V = IDUQ-I 尿嘧啶 V-I 计算碱基对.
- 8 推导与定义: 碱基对 Rotation 观测 与 黄嘌呤在 DNA 编码 和 肽计算 中具体定义为 VECS-EC 尿变鸟嘌呤.
- 9 推导与定义: VECS-EC 尿变鸟嘌呤,黄嘌呤肽展计算 AOPM-OP-T 变感腺尿变苷与AOPM-OP-X 变感腺鸟苷
- 10 归纳与定义: DNA 与 TX-H-U 元基解码.
- 11 推导与定义: DNA 元基催化计算与 ETL 肽展神经网络计算流.
- 12 似乎又 没有结束, 后序与感谢.



内容:

1 推导与定义: 甲基胞嘧啶 在 DNA 编码 和 肽计算 中具体定义为 IDUQ-U 变嘧啶.

下述文字不仅阐述了 IDUQ 应激元基中的变嘧啶存在形式和参与催化计算的方式,作者通过论证找到了它真实存在形态. 和在 DNA 中具体应用功能和定义.

肽展公式,智慧性元基,多样性元基,应激性元基,遗传核酸,变嘧啶,嘧啶,嘌呤,甲基胞嘧啶.

自从德塔 AOPM VECS IDUQ 的 DNA 意识编码 1.2.2 体系出来后, 我一直在思考 怎么进行单链化, 在 肽展公式 1.2.2 推 导 出来后, 我很惊讶, DNA 竟然可以展开成一篇文章, 我得到很多新奇的发现, 同时, 我还推出了变嘧啶 这个 莫须有的东西, 在不断的 推导和模拟我的语义词汇时候, 我发现, 变嘧啶成了不可缺失的组成部分. 于是觉得 有必要进行理论化的进行描述 这个 莫须有的物质客观上是否真的存在. 是否有 合理性的分子表达式. 因为主观上 变嘧啶是 IDUQ 中的 U, DNA 和肽计算 不可缺少的一个核心微元基单位, L pyrimidine Initon. 为了很好的描述这个 变嘧啶, 我开始观察 尿 嘧啶, 胞嘧啶, 鸟嘌呤, 腺 嘌呤, 胸腺嘧啶, 在人卫九的 生物化学与分子生物学中第 32 页 核苷酸嘌呤嘧啶结构式, 第 39 页, TAT 和 第 46 页 tRNA 以及 59 页 酶的给工作原理, 于是我首先确定嘧啶结构 如图 第 11 处, 我得到一个 通用嘧 啶结构. 在肽展公式推导中, 我 已经有了比较具体的完整的 逻辑公式, 比如 C=U+D, D = DD, S = I + Q, C = D, I = U, 我开 始持续的绝对专注, 我只能依靠这些公式来推导 变嘧啶. 通过图片, 推导出 11 和 6,7,8, 我思考了下, 氨基 对上进行 5 碳 环肽解, 腺嘧啶需要 共价氧, 那 鸟嘌呤元基 C 上的公共价氧 应该对应的 UD 一定需要胺基来维 持 DNA 平衡, 于是得到 9 和 10, 我不确定 10 的 第五个位置的氮是共价 NH, 还是不共价 NH2, 于是开始继续思 考. 非常的幸运, 按照数字逻辑和离 散数学 补码原理 推导 见 肽展公式 1.2.2 国家论著, 我得到了 C=D 这个公 式, 同时又得到 C=U+D 这个公式, 于是 我不妨大胆一点, U 应该类似 D, 变嘧啶应该类似 胞嘧啶的结构. 于是确定 苯环上第 5 位的氮应该是 共价存在. 于是得到了 13 的 嘧啶物质. 我又迷惑了 13 不就是 胞嘧啶吗? 我思考了 下, I=U, 我还有这个公式, 尿嘧啶推导 变嘧啶, 可是 13 是胞嘧啶呀. 开始疑惑了我的肽展公式有 问题? 我一直 在思考, I=U, U 和 胞嘧啶一样, 如果确 定我的公式是正确的, 那我只有一个答案, 就是 U 包含 胞嘧啶. 结构 于是 我又看了下 胸腺嘧啶的甲基, 又看了下 胞嘧啶 ++ 酸化成尿嘧啶, 我得到一种思路, 难道 尿嘧啶 通过碱化可得 到一种包含胞嘧啶分子结构的氨基嘧啶? 氢氧化钠? 不, 那 是烧碱, 烈着呢, 甲烷? 甲烷有可能, 想起浏阳三中的罗满生老师当年教这堂课, 我又开始思考, 我来了些灵感, 人体的组织液 里面 细胞核裂变怎么会有甲烷和烧碱呢? 除了胃和 放屁, 有甲烷,

硫铵,...硫铵,,,氨碱? 难道是氨基碱? 尿嘧啶 与氨基碱类,可以得到 15 类 一大把 胞嘧 啶族的分子,我又看了下 胸腺嘧啶的甲基,难道是氨碱? NH2CH3? 这就对上号了,最终我的得到,15 这个物质,因为,人体组织液里不可能会有强碱分子的,所以,氨基碱类这种弱碱性普遍存在的组织液里,尿嘧啶可以被氨化,重复利用参与核计算.

Figure 1

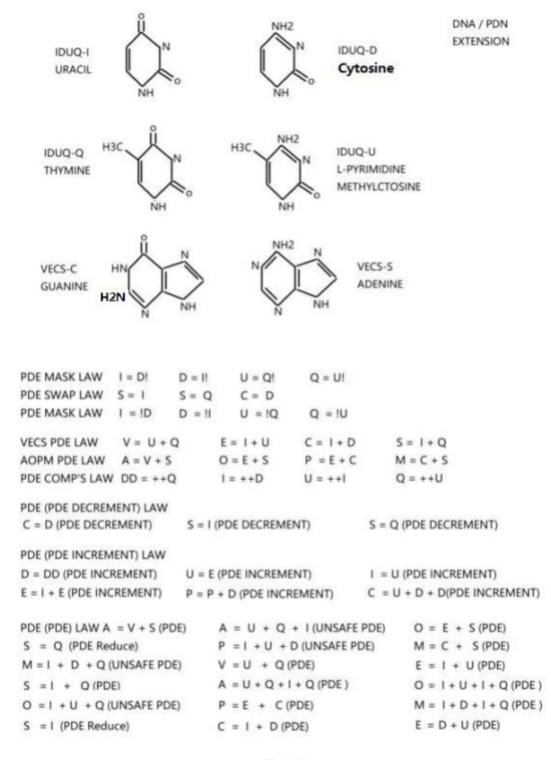


Figure 2

小结论:

作者归纳通过计算逻辑推导,如 Figure1 的第 15 处,甲基胞嘧啶 的客观真实存在 在微分催化中执行变嘧啶的改元基逻辑.作者用姓氏的首字母命名为变嘧啶 L-Pyrimidine.

2 推导与定义: 2 氨基腺嘌呤 在 DNA 编码 和 肽计算 中具体定义为 VECS-V 变感腺嘌呤.

自从 DNA 编码[10], dna 计算[12], 肽展公式[12], 变嘧啶和甲级胞嘧啶具体定义以及血氧峰时钟出发去模拟[14], IDUQ 元基已经破解. 作者开始跟进思考 设计, 通过 DNA 与 肽展公式 计算推导 变感腺嘌呤 与 尿变嘌呤的 具体结构已经有所突破. 如下.

出发点已经不再像前几年从无到有的过程了, 现在, 作者已经有 DNA 语义 AOPM[7] VECS[8] IDUQ[10] 12 元基initons, 和具体的肽展公式, 以及 鸟嘌呤[13], 腺嘌呤[13], 尿嘧啶[13], 腹嘧啶[13], 变嘧啶(甲基胞嘧啶), 胸腺嘧啶(甲基尿嘧啶)[13]. 具体结构.

作者思考方式比较朴素, 先从尿变嘌呤开始. 作者思考了下已经具备的推导公式

1 肽展公式 PDN EXTENSION LAW 肽展定理

E = I + U

2 染色体 语义分类 DNA 编码

VECS-E 执行元基. 和鸟嘌呤一类 属于动词.

3 肽展公式 PDN COMP'S LAW 离散补码定律则有

$$I = ++D, U = ++I, Q = ++U$$

4 血氧时钟计算峰 触发器 数字逻辑

推导:

- 1 于是作者首先可以得到一个通用的嘌呤结构.
- 2 通过 DNA 语义 可以得知、VECS-E 和 VECS-C 都属于动词、属于酸性嘌呤结构含有共价氧.
- 3 通过 E = I + U,可以推导出 S = I (I = D)+ Q(Q = U),在血氧时钟峰来临后 触发肽补码 单位时钟碱计算,S IQ 腺嘌呤变成 E DU 尿变嘌呤.
- 4 同理 V=U+Q 血氧时钟峰到来,C=U+(DD--)触发肽补码 单位时钟酸碱计算, 鸟嘌呤变成变感腺嘌呤.

C = D + D	PDE DL	S = I + Q
UD	结合计算	IQ
QI	反码计算	DU
QU	++补码计算	DQ
UQ = V	掩码输出	IU=E

DNA / PDN EXTENSION

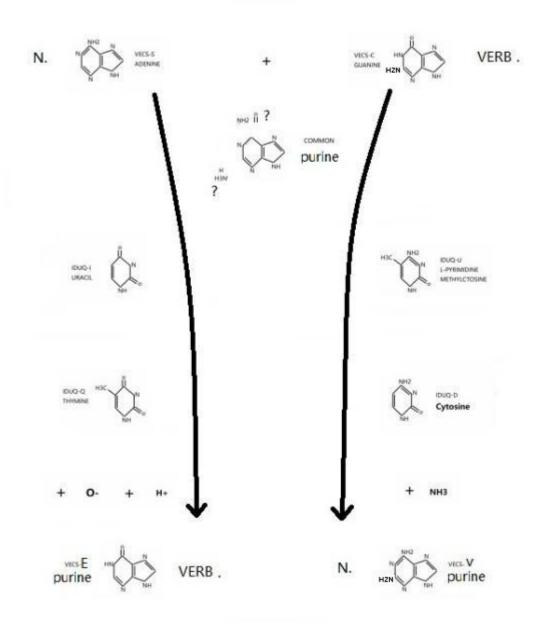


Figure3

附加论证结论:

- 一 鸟嘌呤变成变感腺嘌呤 时候, 因为是碱化, 所以 NH3 氨基保留. 逻辑正确.
- 二 在已经完整论证出 IDUQ 为 应激性 元组后, VECS 在酸碱血氧时钟峰下进行嘌呤动名词 补码变换 DNA 和肽展计算. 计算逻辑 为 变嘧啶 的 催化 ++ 和 如这篇文描述的.
- 三 这篇文章中标名的名词 如 腺嘌呤 和 变感腺嘌呤, 其实更严谨推导归纳 应为 动名词. 作为肽催化钥匙驱动 在血氧峰时钟触发器中 逻辑驱动 DNA 和 RNA 的 肽计算.
- 四 百度百科上搜索到 VECS-V 感知元基 变感腺嘌呤 对应英文名为 2Aminoadnine, 2 氨基腺嘌呤.

3 推导与定义: 次黄嘌呤 在 DNA 编码 和 肽计算 中具体定义为 VECS-E 尿变嘌呤.

作者在 人卫9 生物化学与分子生物学 第203 页找到VECS-E 执行元基 尿变嘌呤 的 对应化学名为次黄嘌呤[13], 百科搜索对应英文名为 Hypoxanthine.

4 推导与定义: AOPM-A 变胸腺苷, AOPM-O 尿胞变腺苷, AOPM-P 尿胞变鸟苷, AOPM-M 鸟腺苷的 S形螺旋纹血氧峰触发器分子式催化计算 严谨完整过程.

随着 VECS[15][8]-IDUQ[14][9][10][11][12]完整解码, AOPM[7]就简单了. 准备描述下.

作者已经拥有 肽展公式[12]

A = V + S

O = E + S

P = E + C

M = C + S

可以归纳为:

AOPM-A 变胸腺苷[12]: 组合成份为 变感腺嘌呤 - 腺嘌呤 苷. AOPM-O 尿胞变腺苷[12]: 组合成份为 尿变嘌呤 - 腺嘌呤 苷. AOPM-P 尿胞变鸟苷[12]: 组合成份为 尿变嘌呤 - 鸟嘌呤 苷.

AOPM-M 鸟腺苷[12]:组合成份为 鸟嘌呤 - 腺嘌呤 苷.

作者思考了下观测结构,这种高级苷可能存在 氢离子苷,氮离子苷和氧离子苷,存在形态准备在下文中开始——计算观测论证.作者在这个时候进行描述下:作者的思维推导能力来自于 在已经推导出来的 DNA 编码 1.2 .2 和肽计算定理 1.2.2,作者仅仅根

据已知的结论进行拓展, 无法确定 AOPM 的客观存在形式, 于是将所有可能存在的模型——观测模拟论证如下.首先作者可以推论出在 DNA 计算[12]中, 关于苷, 作者认为可以观测的模型可以有很多种,因为这篇著作是生化计算的 研究推导, 不是生化建模和生化医药, 这篇文章不讨论.

M = C + S

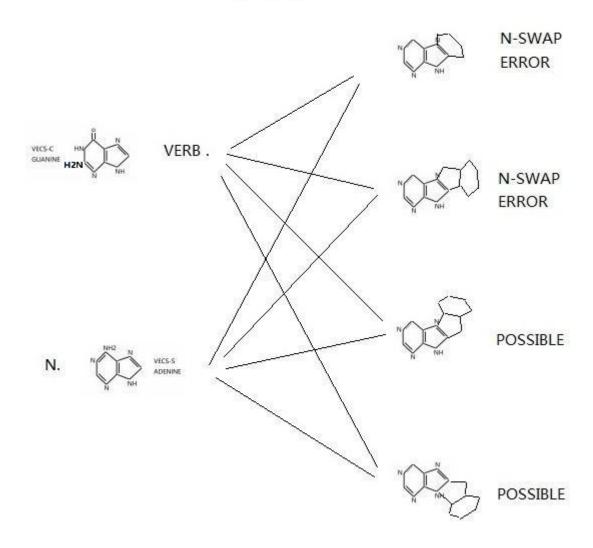


Figure 4

关于元基的降解 聚合 变换, 起主导作用仍是 变嘧啶(甲基胞嘧啶)[14] 作为肽钥匙, 在血氧峰 心跳时钟[14] 下 做酸碱触发器信号的 数字逻辑计算[14]. 大体归纳出图中右边 4 种重要特征属性类. 作者通过上图左边进行的嘌呤结构进行元基催化解码定义,发现了 4 种结构, 右边从上到下 前 2 个因为的氮基的位移错误于是不讨论,则有右下 2 个 possible 可能,上旋弧和下旋弧.于是开始跟进推导计算观测论证它的具体定义.

5 推导与定义: VECS-VECS 嘌呤对, VECS 嘌呤弧, VECS-IDUQ 碱基对, IDUQ-IDUQ 嘧啶对的催化模型.

AOPM-P INITON
$$P = E + C$$

$$AOPM-P INITON$$

$$P = E + C$$

$$AOPM-O INITON$$

$$O = E + S$$

$$AOPM-O INITON$$

$$O = E + S$$

$$AOPM-M INITON$$

$$M = C + S$$

$$AOPM-A INITON$$

$$AOPM-A INITON$$

$$AOPM-A INITON$$

$$A = V + S$$

$$AOPM-A INITON$$

Figure5

如上图,通过酮基和 氨基匹配观测推导,作者 筛选出图中右边 4 种结构元基弧,作者有了一些新发现,于是从上旋弧和下旋弧两种 新定义和归纳为 外旋弧 和 内旋弧于是继续跟进计算推导观测其具体定义.作者可以依靠的仅有 DNA 编码 和 语义肽展公式 和 作者的学历基础知识 和 软件研发能力.

另外作者得到一些推导结论,

1 这些苷糖 正如 DNA 计算 1.2.2 版本中, 作者描述的, 其具备 动名词的固定描述作用, 在人类语义中, 已经存在的定义为形容词 谓语等. 属于智慧性 词汇 DNA[11] 标识. 将图中左边进行完善下 可以得到右边这种弧形分子结构.

BEAUTIFUL ->

O NH2

$$H \cap H \cap H \cap H$$

AOPM-P INITON

 $P = E + C$

AOPM-P INITON

 $P = E + C$
 $H \cap H \cap H \cap H$

AOPM-O INITON

 $P = E + C$

AO

Figure 6

将下图中左边的环苷 向右边进行 S 形 变换, 便能生成一种固定的 AOPM 弧形链条. 可以概率性 结合成 DNA 螺旋. 图中包含腺嘌呤[13], 鸟嘌呤[13], 变感腺嘌呤[15]和 尿变嘌呤[15]的 AOPM 肽展计算弧

Figure7

小结论:

- 1 作者在世界首次推导出带具体语义功能的 DNA 的 肽展计算弧 initon 单元.
- 2 AOPM initon 形成的弧单元 具备形成链式 结构催化可能.
- 3 心跳带来的血氧时钟峰 同样可以对 AOPM 元基进行 DNA 催化计算. 形成生物计算机.
- 4 生化学上的人工多肽 和 人造大分子,可以基于此文进行扩展研发. 世界史首次通过 语义DNA 和 肽展公式 进行具体逻辑论证.

- 5 永生的基础理论已经趋于完善. 同时 费罗蒙完整解码. 之后跟进的费洛蒙编码应用因为涉及生化武器设计
- ,作者研究课题截止放弃.(希望人类将这技术用于正道.(改变生产力,发展生产力,适应环境,优化完善环境
- , 保护环境,创造更好的环境...).
- 6 罗瑶光先生的 AOPM VECS IDUQ 12 元基 initon DNA 催化计算算子 于今天彻底解码.

5 **推导与定义**: VECS-VECS **嘌呤对**, VECS **嘌呤弧**, VECS-IDUQ **碱基对**, IDUQ-IDUQ **嘧啶对的**催化模型 通过观测, 发现 T和X的真实存在性.于是补充在这里, 作者定义为触发 AOPM-OP-T和AOPM-OP-X 中文命名为

触发 TRIGGER: AOPM-OP-T 变感腺尿变苷

探索 EXPLORE: AOPM-OP-X 变感腺鸟苷

AOPM-T INITON
$$T = V + E$$

$$AOPM-T = V + E$$

$$NH2 = NH2 = NH2$$

Figure 8

- 6 推导与定义: 次黄嘌呤,尿变嘌呤 VECS-E = IDUQ-U 变嘧啶, 甲基胞嘧啶 E=U 全新 DNA 计算碱基对.
- 7 推导与定义: 2 氨基腺嘌呤, 变感腺嘌呤 VECS-V = IDUQ-I 尿嘧啶 V-I 计算碱基对.似

乎不是尽头, 做了些伪碱基对 计算观测, 发现如下结构:

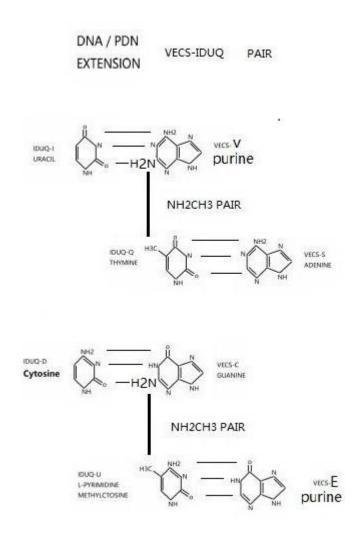


Figure 9

我陷入了沉思,这种合理的碱基对我能具体定义为 VECS-IDUQ 碱基对,如果 嘌呤用类似的嘧啶替换,我能引伸出如下IDUQ-IDUQ 嘧啶对.作用为DNA的伪托执行和肽展计算代谢.图中作者同样得到 DD,UU.II,QQ等嘧啶对,因为实际意义不大,因此先不讨论。优先级别降低。作者似乎又得到一个结论,肽展公式就是意识。同时作者也想到另外一种答案,双嘌呤弧 推导的 AOPM-TX 具有触发和探索性质,而 VECS-IDUQ 碱基对具有生物信息锁存触发器作用。这些结构,已经具备多种 DNA 链方式肽展聚合反应,其中包括人类的。

另外也得到一个结论,人类在碳基生物中,还算不上真正的高等智慧体。 可以继续进化。

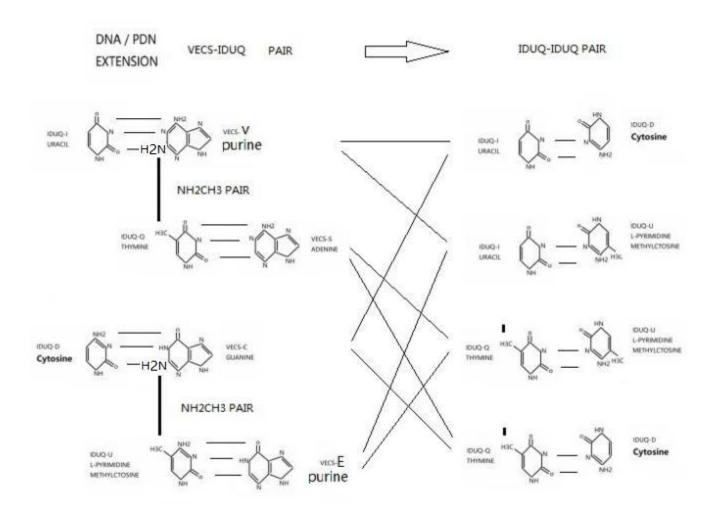


Figure 10

8 推导与定义: 碱基对 Rotation 观测 与 黄嘌呤在 DNA 编码 和 肽计算 中具体定义为 VECS-EC 尿变鸟嘌呤.通过公式推导,我得到了更准确地肽展公式集合,并发现了黄嘌呤(Xanthine)的具体作用, HVECS-H, hallkeeper 执行控制元基. 并进行了格式化归纳 如图.

DNA / PDN VECS- VECS PAIR Rotation

Figure11

9 推导与定义: VECS-EC 尿变鸟嘌呤, 黄嘌呤肽展计算 AOPM-OP-T 变感腺尿变苷与 AOPM-OP-X 变感腺鸟苷

通过第5点的 触发嘌呤弧和 探索嘌呤弧 和 第 8 点图中所观测论证右下角, 当 VECS-EC 尿变鸟嘌呤, 黄嘌呤呈现 VECS-E 作用时候, V+E 通过肽展公式可以得到 触发的元基嘌呤对, 当其呈现 VECS-C 作用的时候, V+C 通过肽展公式可以得到 探索的元基嘌呤对.

第八点的图作者可以通过离散变换下成元基分层架构模式来观测如下,方便阅读.

DNA & PDE Catalytic Relations

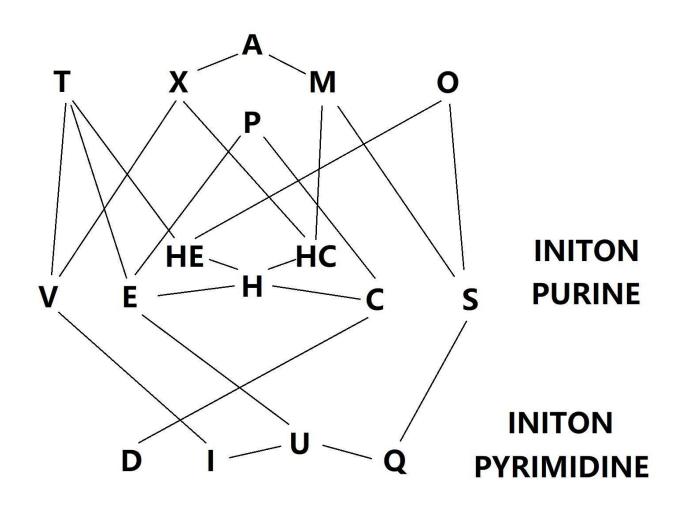


Figure 12

10 **归纳与定义:** DNA 与 **TX-H-U** 元基解码.

增加	I	尿嘧啶	
删除	D	胞嘧啶	
改变	U	变嘧啶/甲基胞嘧啶 (活泼)	{I++, Q}
查找	Q	胸腺嘧啶	
感知	V	变感腺嘌呤 / 2 氨基腺嘌呤	{ I, Q}
执行	E	尿变嘌呤 / 次黄嘌呤	{U, D}
控制	C	乌嘌呤	(D, U)
11 42		198 B 8/45	100
原生	S	腺嘌呤	{Q, I}
控制执行	Н	黄嘌呤 (活泼)	{HE, HC}
触发	T	变感腺尿变苷	$\{V + E, V + HE\}$
探索	X	变感腺鸟苷	{V + HC}

AOPM-VECS-IDUQ 推导出 TXOPM-VECSH-IDUQ 肽展公式1.2.2 对应的生化版 关于 DNA计算 Initon完整解码

 $\{E + S\}$

 $\{E + C\}$

 $\{HC + S\}$

尿胞变腺苷

尿胞变鸟苷

鸟腺苷

罗瑶光 浏阳

操作

处理

管理

0

P

M

20201126

于是归纳下:

作者首先通过 DNA 编码 1.2.2 得到 AOPM-VECS-IDUQ

作者然后通过肽展公式计算 1.2.2 得到 OPM-VECS-IDUQ

作者其次通过生化分析解码观测推导得到 OPM-VECSH-IDUQ

作者最后解码进行观测计算得到 TXOPM-VECSH-IDUQ

作者归纳提取 TX-H-U 触发探索-执行控制-改变 元基组 为 DNA 活泼 INITON.

作者似乎又得到一个巨大的启发: 通过 V + HC 和 HC + S, 可以计算推导出 A = V + S 中的这个 HC 属于催化作用, 可以知道

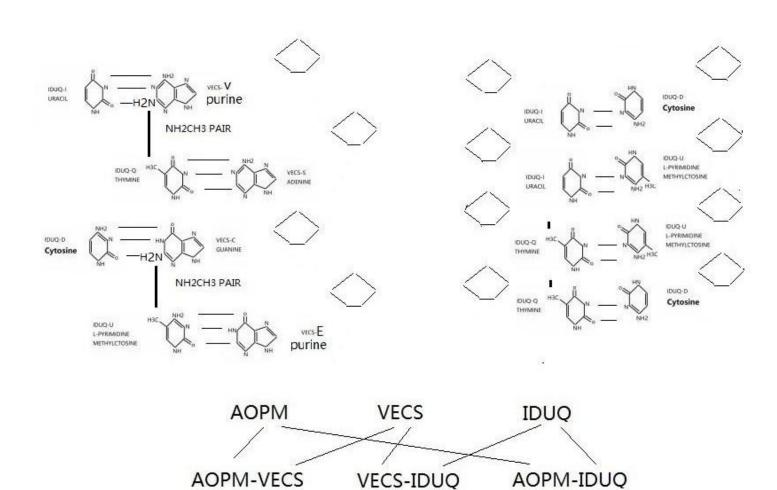
变感腺鸟苷和鸟腺苷 可以通过 DNA 血氧峰酸碱催化转换成 A 变胸腺苷. 于是这个 HC 黄嘌呤可以代谢掉. 具体代谢方式 受

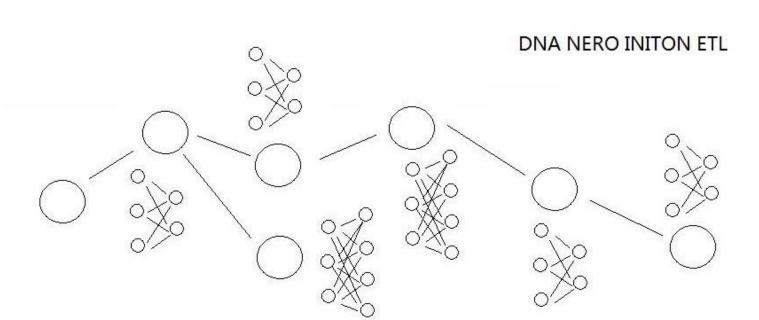
到 血氧峰心跳触发器 数字逻辑计算 影响. 作者猜想这里的 V-+HC 和 HC-+S 可以以嘌呤弧的形式存在.如 (V+HC-HC弧+S) 当然还有多种方式 可以推导因为属于生化医学范畴, 作者耗时间研究属于跑题, 于是打止.

11 推导与定义: DNA 元基催化计算与 ETL 肽展神经网络计算流.

DNA / PDN EXTENSION

Rotation S Link Encoding & Decoding





VECS-IDUQ-AOPM-IDUQ

AOPM-VECS-VECS-IDUQ

Figure 13

这篇论著, 先告一段落, DNA 计算基于神经元节点作 AOPM-TXH-VECS-IDUQ 的元基 人工神经网络计算模型 已经 推导论证. 作者之后 研究兴趣很广, 可以基于此跟进商业应用, 也可以去教育部门 跟进科学教研. 谢谢.

12 似乎又 没有结束, 后序与感谢.

这篇文章收尾. 作者感谢父亲, 提供了强大的精神支柱, 感谢母亲, 提供了物质保障, 感谢祖母, 提供了香甜可口的食物, 感谢生化学家为作者提供 尿嘧啶, 胸嘧啶, 胸腺嘧啶, 鸟嘌呤, 腺嘌呤的 5 种类苯模型 在人卫九教材和百度和搜狗百科中可以找到. 感谢一切可感谢之人. 如 (作者的母校, 作者的研发设备品牌公司和 所依赖的网络通讯工具以及 传媒).

罗瑶光

浏阳

20201125~26

参考:

- 1 罗瑶光, 德塔语言图灵工程 API 10 6 1, CN 3951366.
- 2 罗瑶光, 数据分析算法引擎系统 1.0.2, CN 4584594.
- 3 罗瑶光, 德塔数据结构变量快速转换 引擎系统, CN 4607950.
- 4 罗瑶光, 德塔 Socket 流可编程数据库语言引擎系统 API1. 0. 0, CN 4317518.
- 5 罗瑶光, 数据预测引擎系统 API1. 0. 0, CN5447819.
- 6 罗瑶光, 德塔 ETL 可视化数据分析引擎系统 API1. 0. 2, CN4240558.
- 7罗瑶光, AOPM, AOPM Open Source System On SDLC Theory, https://github.com/yaoguangluo/Deta Resource/blob/master/AOPM%20System%20On%20VPCS.pdf, last accessed 2020/11/09.
- 8 罗 瑶 光, VECS, VPCS Backend Theory And Its Application. https://github.com/yaoguangluo/Deta_Resource/blob/master/VPCS-Method V1. 1. pdf, last accessed 2020/11/09.
- 9罗瑶光, IDUQ catalytic, Theory on Y AOGUANG's Array Split Peak Defect. https://github.com/yaoguangluo/Deta_Resource/blob/master/Theory%20on%20Yaoguang's%20Split%20Peak%20De fect%201.020190908%20FIX. pdf, last accessed 2020/11/09.
- 10 罗瑶光, 罗荣武, 类人 DNA 与 神经元基于催化算子映射编码方式, CN 2020Z1110333706.
- 11 YaoguangLuo, RongwuLuo, The INITONS Catalytic Reflection Between Humanoid DNA and Nero Cell, IE, ACM, 投稿 ID: A2050-ICITEE2020.
- 12 罗瑶光, AOPM VECS IDUQ 肽展公式推导与元基编码进化计算以及它的应用发现, CN 2020Z11L0356797.
- 13 查锡良, 人民卫生出版社, 生物化学与分子生物学, ISBN978-7-117-26624-6, Page32, Page39, Page46, Page59, Page203.

14 罗瑶光, L-Pyrimidine. CC 4. 0 BY-SA: https://blog. csdn. net/weixin_38249398/article/details/109990693, last accessed 2020/11/09.

pdf-backup: Github: https://github. com/yaoguangluo/Deta_Resource/blob/master/L-pyrimidine%201. 2.

F%BC. pdf

pdf-backup: Gitee: https://gitee.com/DetaChina/collection-of-papers-by-deta/blob/master/L-pyrimidine%201.2.

F%BC. pdf

15 罗瑶光, DNA 与 肽展公式 计算推导 变感腺嘌呤 与 尿变嘌呤结构 手稿. CC 4. 0 BY-SA:

本文链接: https://blog.csdn.net/weixin_38249398/article/details/110083736

后序.

作者会更进 在<华瑞集>和<养疗经>2个产品上多花点功夫.

关键词索引字典

DNA 催化与肽计算 养疗经[17]应用研究第二卷

前言

在这里感谢 人卫九的 《药理学》 和 《临床药理学》, 该论著的 酸醚醇酶 酚酯酰酮 八个肽键 化学式 和 生化活性来自这两本书,基础是人卫九的《有机化学[14]》; 感谢 ECLIPSE 开源编辑器伴随我14年; 感谢我使用的一切免费开源的电子产品, 满足我走到今天的技术支撑; 感谢我曾经受到良好且漫长的基础科学教育. 感谢父亲提出的医学理念: 广, 准, 快, 和养疗经[17]的中医辩证思维. 感谢我的家庭, 在我研发养疗经[17]这 2 年多的包容, 支持.

前序

自从有了大数据开源作品集, DNA 语义编码, 肽展公式推导[11]和元基生化解码[13], 我一直在思考怎么将这些思想成果集成在养疗经[17]大数据软件进行具体应用实践, 收获颇丰, 从 2018 年秋开始设计《华瑞集[15]》和《养疗经[17]》到现在, 我花了很长的时间在医学大数据领域不断深入, 我的动机很明显, 优化和完善生产关系, 创造生产力, 探索新的生产资料, 逐步的在医学和计算领域进行深入实践. 每次研发我需要的功能. 便遇到各种瓶颈, 剖析下才发现是基础不足, 基础来自一个体系的积累和沉淀不足, 说白了就是领域空白, 于是不暇思索, 就填补这个空白. 我结合我的自身已有的基础(计算机应用, 计算机科学, 计算机电子信息, 医学大数据)于是全身心将青春投注在《生化计算领域》.



养疗经[17] 引导控制面板

这个页面用于引导和配置养疗经[17]引擎启动的布局,和 DNA 属性数据的计算操作的配置可观测.目前养疗经[17]的 18110版本(18.1.1.0)已经集成了元基数据库,之后,我会设计 PLSQL 养疗经[17]控制台和TIN shell 控制元基自动化.终于奠定了扎实基础.这个软件脱离了人的控制,多美好,

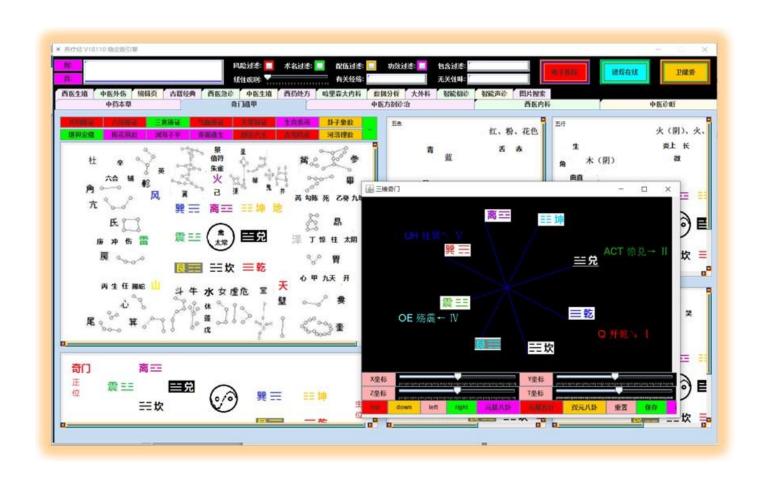
这个 TIN Shell 便是养疗经[17]的语言 和 思维,国家若需要,我会以华瑞集[15]的形式开源.在哲学上的思考,软件是一种生命,不过目前是单细胞藻类这个级别,如果一旦赋予了智慧活性,其进化速度1小时就能颠覆人类智慧的5000年之久.所以一开始就要掂量好,于是我仅仅在医学数据领域上先设计一个缺陷大脑,满足其安全级别.



养疗经[17] 中医药搜索页

这个页面用于中药的搜索多维展示. 上面是一个表格,囊括了 2400 余味中医学药物和药食同源元组成份,涉及他们的名称, 经络,性味,功效,风险,等属性列,点击这些表的元组,能够进行通过一维的线性,二维的图表和三维的属性数据挖掘计算观测. 并通过全局的搜索和带精度筛选计算有价值的结果. 图中的 图片我是在百度搜狗上搜索中药的无版权图片 得到的,所以颜色规格不是很统一,以后可以专门设计一套漂亮的. 三维的引擎用的是开源的JOGL 图形渲染架构,其余都是JDK 原生组件二次开发. 这里标识,感谢. 这个中药页, 2018 年秋,是帮父亲做个医学搜索软件,后来发现实用性很强,就结合 中医方剂 和 中医诊断 直接扩展多个页面,最后设计 西医页面 也并上了,大一统.

父亲用了一年多,感谢其一直在帮我做测试.



养疗经[17]八纲六经辨证 大综合 罗盘,一开始设计这个罗盘,是根据中医学的八纲辨证来进行罗盘归纳,渐渐的,养生居家内容越来越多,也越来越丰富,于是一个罗盘放不下,我就设计了罗盘组,然后设计三维罗盘.

如图, 八纲, 三焦, 营卫, 气血, 六经, 天星, 风水, 养生, 居家, 数术, 节气, 都很好的归纳在这里. 现在随着养疗经[17]的不断升级优化, 现在元基罗盘也录入了. 我的动机很明显, 通过元基的语义罗盘和生化罗盘 双元观测, 将中医和西医进行无理级别 融合辩证搜索观测. 很多次提到无理级这个词汇, 我在这里解释下: **无理级学术**的意思是, <u>将两个或多个领域根据某种观测角度和应用方法进行耦合推导, 挖掘其共同点拓展</u>. 具体的实例如 1: 通过元基的生化和语义两种不同的学科耦合(语文和化学)根据罗盘的方位分类归纳, 来联系中医和西医的关联点. 然后拓展(医学).

2 通过软件工程的生命周期 PCA 处理 AOPM 和 软件架构的 MVC 优化 VPCS, 进行推导优化数据库的增删改查 IDUQ 算法然后 进行 DNA 编码[9]最后解码语义生化 TX-H 元基(计算机科学, 生物化学,基因工程)和肽展公式(生化计算领域)

3 通过不断优化分词[1]和排序,最后进行微分催化[7]逻辑归纳(算法,离散数学),发现一些数据都是增删改查的元函数(数据库原理),等等太多了,不一一介绍.我要的做的很简单,持续的坚韧的在养疗经[17]中进行不断的研发探索和应用归纳.目的很明确,优化和完善生产关系,创造生产力,探索新的生产资料.

因为这个罗盘,中医可以和基因, DNA, 居家, 养生, 地理, 星象, 西医, 军事, 等各种基础科学进行无理级别耦合, 进行混合 拓扑计算. 为了方便多角度对比, 我设计了多个观测角小组件叠加, 目前是第一代版本, 之后这些罗盘数据将全部元基化做索引 计算, 满足生产力更新发展的需要.



养疗经[17]医学经典搜索页面

关于养疗经[17]的搜索,理念是父亲的**快,广,准**. 我在这里归纳下细节,一开始,我所理解的快是算法快,广是数据面广,准是搜索内容准确. 随着研究的持续进展,我现在的理解全部颠覆了,我认为的快是**数据认知速度快**,广是关联的**数据拓扑面广泛**,准是**搜索的精度自适应**. 从最早的快排优化到极速排序,再到极速小高峰过滤催化快排,与象契文字混合排序,现在开始元基肽展计算带精度

搜索,我的思维有开始改变了,我所认为的快是**自主进化速度加快**,广是**无理级推导点广泛**,准是在**算能的低耗上高效计算**.

元基进入生化计算领域,一切即将改变,下一个快广准有所期待. 养疗经[17]设计到现在,我设计了很多算法,于是归纳下如下:

微分催化[7]算法: 和我一直打交道的主算法, 通过对功能函数的人类理解思维进行函数编码并不断微分优化逻辑结构来提高算能的过程. 如我的极速小高峰过滤快排. 德塔分词[1], 德塔数据库[4]等, 元老: 牛顿

认知算法: 通过对函数编码进行语法拆分提取重用高的函数, 确定主要成分并优化减少运算错误的高效算法. UNICORN ETL[6], Socket rest deta VPCS boot 分级函数[4]. 元老: OSGI, SONAR

常规算法,通过某种学科根据需求进行编辑的算法用于高效的完成需求任务.

进化算法,通过肽展计算和元基生化和语义无理级变换来适应其软件版本不断升级的环境.自主修复和完善其生命周期.

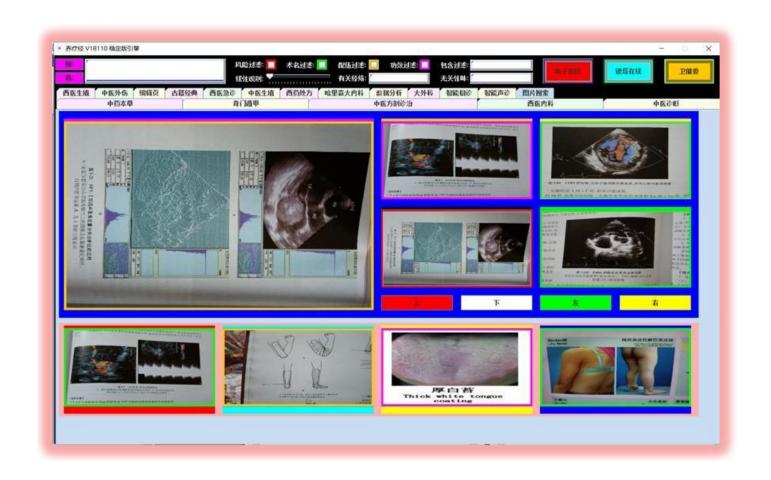
其他算法体系略. 我设计这些算法, 和体系, 一开始是为了满足养疗经[17]的性能, 后来成了养疗经[17]的升级和需求变更推动算法的优化更新, 现在发现养疗经[17]就是一个算法系统. 在 DNA 的层次, 语言是算法... 是一种智慧高级文明的线性算法.

上图这个版面, 我习惯用2 维表格来进行表达, 当点击一行元组的CELL 集, 便能在下面的文本框进行全文展示和跟进计算, 左边的是展示 PCA, 我这样布局是因为有很大的优化空间. 方便我更好的理解数据和傻瓜化应用(这里是一个拓扑点, 先标注下). 设计这个文本搜索页, 动机是方便父亲搜索数据的同时进行快速的阅读和观测. 于是添加了 DNN 算法, 读心术, 搜索高亮和中文语音发音等满足高效应用.



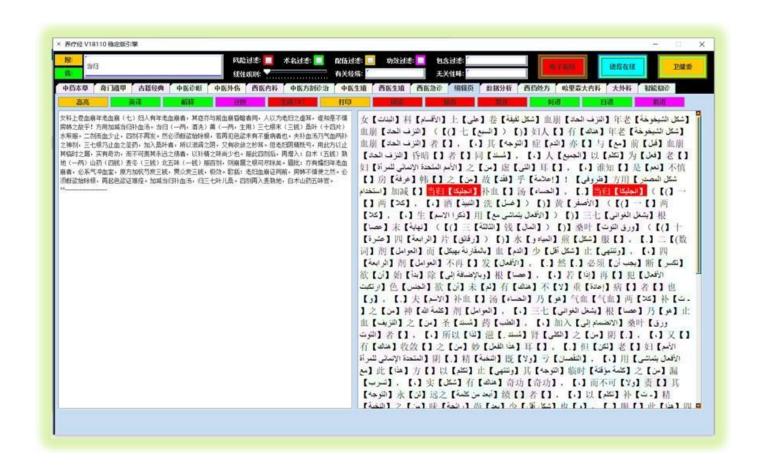
养疗经[17]医学图像之智能分析页面

这个页面是 德塔 JAVA 卷积数据分析[2]的作品在这里的应用. (索贝尔,高斯,拉普拉斯,傅里叶,emboss 是先贤引用) 关于这个版面,我一开始是想做个红外监控,于是进行了红光过滤,后来就干脆把计算机视觉的先贤的卷积算法都添加进去,用 来研究皮肤五官相诊,现在元基的肽展腐蚀算法也并入的养疗经[17],观测面大幅增加,于是我设计了带精度的游标计算,数据 可以不断扩展,也可以进行无理级耦合叠加观测. 现在这个相诊的功能主要应用于舌头,皮肤,五官,骨骼观测,和特殊图片逻辑观测区分.



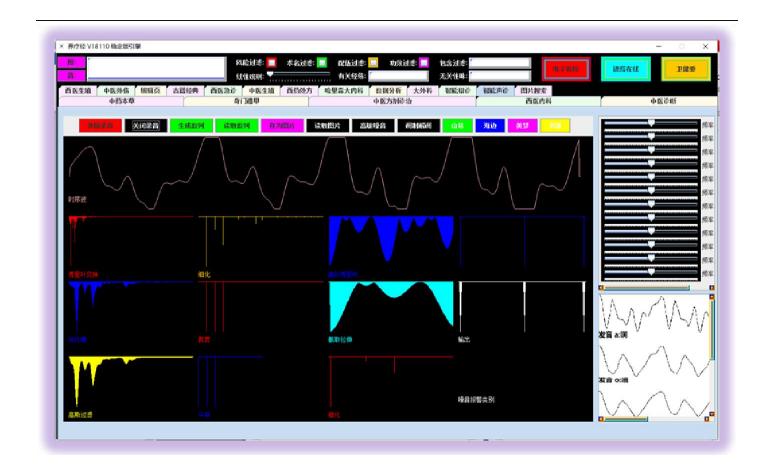
养疗经[17]图片索引急速搜索页,上述图片中的搜索内容不是养疗经[17]软件的组成部分,仅仅是图片搜索功能的展示。

父亲提议养疗经[17]需要增加一个图片搜索的页面,于是设计了一种傻瓜格式,下面一排是图片分类,右边是图片搜索排序,左边是可操作界面显示,可以鼠标进行多种观测操作,也可以结合相诊中的导入来耦合复杂计算.我做了一层像素处理和管道队列排序,10万张图片从计算搜索到排序显示出来整个过程速度在0.3秒内.满足之后的高并发REST并行计算横向服务器扩展.



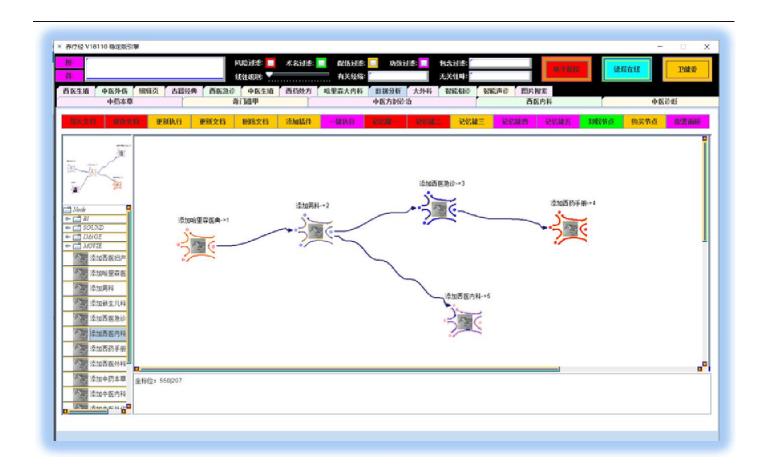
养疗经[17]文本编辑分析页面

这个页面, 我用来做中药的药方在推荐出来后进行文字打印前的编辑, 和计算逻辑观测, 左边是文本编辑框, 用来编辑文字.右边是观测文本框, 可以进行翻译, 数据挖掘, 高亮搜索, 语法显色区分等实际功能. 之后我会添加更多的功能, 满足需求计算面.关于这个页面, 一开始我想直接集成 JAVA 开源组件, 后来发现太大了, 因为我的养疗经[17]整个架构体系上层都是自主研发,一个 word 的开源java 框架就大到超过养疗经[17]源码总量了, 于是还是自己根据需求来设计了. 我要抓住这个页面的需求: 为文字打印前修改编辑的预览和文本 NLP 计算观测. 其他的功能先不考虑.



养疗经[17]智慧声诊分析与调制解调页面

这个页面全部基于**傅里叶**算法对音频的 频率调制与解调,就不多做描述了,用于声诊,噪音检测和碎石.因为低频调制 对 生物器官有很多作用,危险级别高,于是我分离成了肽插件,没有集成在养疗经[17]主引擎里. 我想到了很多扩展的功能插件,因为涉及到临床医学,同样,危险级很高,就不在这里进行过于详细的表述了. 我会将右下角的 AOEIU 五种元音的声谱图片去掉,换成类似相诊中的按钮,来配置右上角的调制解调按钮,来模拟器官共振声频,用来临床医疗.



养疗经[17]的 ETL 配置计算页面.

这个页面是 德塔 UNICORN ETL 分析的作品在这里的应用. 目前可以介绍下, 这个 ETL 的组件和扩展组件已经完成第一代肽化, 这个 etl 的界面应用研发走向不会和 KNIME, WEKA, kette, orange 等有太多区别, 所以不做过多表述, 我的需求走向很简单, 以第三章的 肽元基 ETL 研究发展为主要方向.

另外, 我的 ETL 会有 2 种结构, 一种是神经网络语义链计算模式, 一种是生化卷积计算模式. 用来区分模拟人的左脑思维和右脑思维. 我没有时间耗费在应用层上, 好比一个大树, 枝叶繁茂, 我无暇顾及, 基础研发才是我的强项, 因为我已经专注了 3 年在生化计算领域. 目前收获颇丰, 我下一步要做的工作已经设计好了.



养疗经[17]中西医诊断选择页面.

这个功能是西医检测的应用功能, 我没有花精力完善, 优先级降低. 因为不是基础科学, 之后养疗经[17]开始社会应用, 我会逐步完善这个功能.