

CLUSTAL O(1.2.4) multiple sequence alignment

```

SRR28734870_RNA      AGTAAAACTTACACCTTTAGAAATTGCAGTCTAAAATCATTATTTGAATATAAGACCTATG 60
NC_057195.1:1397-2930 ----- 0

SRR28734870_RNA      ATAAAAGGACCTTTAATCCATAAAAAGATTTACAATCTATCGCCTAAACTTCAGCCATTT 120
NC_057195.1:1397-2930 ----- 0

SRR28734870_RNA      TATCGCAACGATGATTATTCTCTACCAATCATAAGGATATTGGAACCTTTATACTTCATTT 180
NC_057195.1:1397-2930 - - TCGCAACGATGATTATTCTCTACCAATCATAAGGATATTGGAACCTTTATACTTCATTT 58
                      *****

SRR28734870_RNA      TTGGAGCTTGATCTGGAATAGTAGGTACATCTTTAAGAATCTTAATTCGAACAGAATTAG 240
NC_057195.1:1397-2930 TTGGAGCTTGATCTGGAATAGTAGGTACATCTTTAAGAATCTTAATTCGAACAGAATTAG 118
                      *****

SRR28734870_RNA      GTCAACCAGGTTATCTAATTGGTGATGATCAAATTTATAATGTTATTGTTACTGCTCAG 300
NC_057195.1:1397-2930 GTCAACCAGGTTATCTAATTGGTGATGATCAAATTTATAATGTTATTGTTACTGCTCAG 178
                      *****

SRR28734870_RNA      CATTTGTTATAATTTTCTTCATAGTAATACCTATCATAATTGGAGGATTTGGAATTTGAT 360
NC_057195.1:1397-2930 CATTTGTTATAATTTTCTTCATAGTAATACCTATCATAATTGGAGGATTTGGAATTTGAT 238
                      *****

SRR28734870_RNA      TAGTGCCATTAATATTAGGAGCACCAGATATAGCCTTTCCCGAATAAATAATATAAGTT 420
NC_057195.1:1397-2930 TAGTGCCATTAATATTAGGAGCACCAGATATAGCCTTTCCCGAATAAATAATATAAGTT 298
                      *****

SRR28734870_RNA      TCTGATTATTACCCCCCTCACTAACCCTTTTATTAACCAGAAGAATGGTTGAAAATGGAG 480
NC_057195.1:1397-2930 TCTGATTATTACCCCCCTCACTAACCCTTTTATTAACCAGAAGAATGGTTGAAAATGGAG 358
                      *****

SRR28734870_RNA      CAGGTACAGGATGAACAGTTTATCCACCCTATCTACAGGAATCGCCCATGCAGGAGCAT 540
NC_057195.1:1397-2930 CAGGTACAGGATGAACAGTTTATCCACCCTATCTACAGGAATCGCCCATGCAGGAGCAT 418
                      *****

SRR28734870_RNA      CCGTTGACTTAGCCATTTTTTCCCTTCATCTAGCCGGAATTTCTCTATCTTAGGAGCTG 600
NC_057195.1:1397-2930 CCGTTGACTTAGCCATTTTTTCCCTTCATCTAGCCGGAATTTCTCTATCTTAGGAGCTG 478
                      *****

SRR28734870_RNA      TAAACTTTATTACAACCATAATTAATATACGTGCACCAGGAATATCTTTAGATCAAACAC 660
NC_057195.1:1397-2930 TAAACTTTATTACAACCATAATTAATATACGTGCACCAGGAATATCTTTAGATCAAACAC 538
                      *****

SRR28734870_RNA      CTCTATTTGTTTGAGCTGTAGGTATTACAGCTCTTCTTCTTTTATTATCCCTCCAGTAC 720
NC_057195.1:1397-2930 CTCTATTTGTTTGAGCTGTAGGTATTACAGCTCTTCTTCTTTTATTATCCCTCCAGTAC 598
                      *****

SRR28734870_RNA      TAGCTGGTGCCATTACTATATTATTAACAGATCGAAACCTAAATACATCCTTCTTTGATC 780
NC_057195.1:1397-2930 TAGCTGGTGCCATTACTATATTATTAACAGATCGAAACCTAAATACATCCTTCTTTGATC 658
                      *****

SRR28734870_RNA      CTGCCGGAGGAGGAGACCTATTCTTTATCAACATCTATTTTGATTCTTTGGTCATCCAG 840
NC_057195.1:1397-2930 CTGCCGGAGGAGGAGATCCTATTCTTTATCAACATCTATTTTGATTCTTTGGTCATCCAG 718
                      *****

SRR28734870_RNA      AAGTGATATTTTAAATCTTACCCGGATTTGGAATAATTTCTCATATTATTAGTCAAGAAA 900
NC_057195.1:1397-2930 AAGTGATATTTTAAATCTTACCCGGATTTGGAATAATTTCTCATATTATTAGTCAAGAAA 778
                      *****

SRR28734870_RNA      GAGGAAAAAAGGAAGCATTTGGTACACTTGAATAATTTATGCTATACTAGCTATTGGTT 960
NC_057195.1:1397-2930 GAGGAAAAAAGGAAGCATTTGGTACACTTGAATAATTTATGCTATACTAGCTATTGGTT 838
                      *****

```

| | |
|--|--|
| SRR28734870_RNA NC_057195.1:1397-2930 | TATTAGGATTTGTAGTTTGAGCACATCACATATTTACAGTTGGTATAGATGTAGATACAC 1020 TATTAGGATTTGTAGTTTGAGCACATCACATATTTACAGTTGGTATAGATGTAGATACAC 898 ***** |
| SRR28734870_RNA NC_057195.1:1397-2930 | GAGCTTATTTTACATCAGCAACTATGATCATTGCCGTTCCAACAGGAATTAATTTTCA 1080 GAGCTTATTTTACATCAGCAACTATGATCATTGCCGTTCCAACAGGAATTAATTTTCA 958 ***** |
| SRR28734870_RNA NC_057195.1:1397-2930 | GATGATTAGCTACTCTACACGGATCTCAATTATCCTATAACCCTTCATTATTATGATCAT 1140 GATGATTAGCTACTCTACACGGATCTCAATTATCCTATAACCCTTCATTATTATGATCAT 1018 ***** |
| SRR28734870_RNA NC_057195.1:1397-2930 | TAGGTTTCGTTTTCTTATTTACAATTGGTGGGTTAACAGGTATTATCTTAGCAAACATCAT 1200 TAGGTTTCGTTTTCTTATTTACAATTGGTGGATTAAACAGGTATTATCTTAGCAAACATCAT 1078 ***** |
| SRR28734870_RNA NC_057195.1:1397-2930 | CAATTGATATTATTTCTTCATGACACTTATTATGTTGTAGCTCACTTCCACTATGTTTTAT 1260 CAATTGATATTATTTCTTCATGATACTTATTATGTTGTAGCTCACTTCCACTATGTTTTAT 1138 ***** |
| SRR28734870_RNA NC_057195.1:1397-2930 | CTATAGGAGCAGTATTTGCTATTATGGCAGGATTCATTATTGATATCCATTATTTACCG 1320 CTATAGGAGCAGTATTTGCTATTATGGCAGGATTCATTATTGATATCCATTATTTACCG 1198 ***** |
| SRR28734870_RNA NC_057195.1:1397-2930 | GATTAACATAAATCCTAAGTGACTAAAGGCTCAGTTTTTGGTTATATTTATTGGAGTTA 1380 GATTAACATAAATCCTAAGTGACTAAAGGCTCAGTTTTTGGTTATATTTATTGGAGTTA 1258 ***** |
| SRR28734870_RNA NC_057195.1:1397-2930 | ACTTAACATTCTTCCCACAACATTTCTAGGACTAGCAGGTATACCTCGACGATATTCTG 1440 ACTTAACATTCTTCCCACAACATTTCTAGGACTAGCAGGTATACCTCGACGATATTCTG 1318 ***** |
| SRR28734870_RNA NC_057195.1:1397-2930 | ACTACCCAGATGCCTACACTTCCTGAAATATTTTATCCTCATTAGGTTCAACTATTTCT 1500 ACTACCCAGATGCCTACACTTCCTGAAATATTTTATCCTCATTAGGTTCAACTATTTCT 1378 ***** |
| SRR28734870_RNA NC_057195.1:1397-2930 | TAATCGGAATTATTATATTAATCTTTATCATATGAGAAAGTATAATTTTCATATCGAAAAT 1560 TAATCGGAATTATTATATTAATCTTTATCATATGAGAAAGTATAATTTTCATATCGAAAAT 1438 ***** |
| SRR28734870_RNA NC_057195.1:1397-2930 | CATTATTTTCAATAAACTTAAACAGTTCCTTAGAATGGTTTCAAATTTACCTCCTGCAG 1620 CATTATTTCTCAATAAACTTAAACAGTTCCTTAGAATGATTTCAAATTTACCTCCTGCAG 1498 ***** |
| SRR28734870_RNA NC_057195.1:1397-2930 | AACATTTCATATTCAGAATTACCAATTTTAGCTAATTTCTAAGGAAGTGTAAAGTTTATT 1680 AACATTTCATATTCAGAATTACCAATTTTAGCTAATT----- 1534 ***** |
| SRR28734870_RNA NC_057195.1:1397-2930 | GAAAATAATGATTTTCGATATGAAATTATACTTTCTCATATGATAAGATTAATATAATA 1740 ----- 1534 |
| SRR28734870_RNA NC_057195.1:1397-2930 | ATTCCGATTAAGG 1753 ----- 1534 |