

CLUSTAL 0(1.2.4) multiple sequence alignment

SRR28734870_RNA NC_057195.1:1397-2930	AGTAAAACCTACACCTTACAATTGAGTCTAAATCATTATTGAATATAAGACCTATG 60 ----- 0
SRR28734870_RNA NC_057195.1:1397-2930	ATAAAAGGACCTTAATCCATAAAAAGATTACAATCTATGCCCTAAACTCAGCCATT 120 ----- 0
SRR28734870_RNA NC_057195.1:1397-2930	TATCGAACGATGATTATTCTCTACCAATCATAAGGATATTGAACTTATACTTCATT 180 - - TCGAACGATGATTATTCTCTACCAATCATAAGGATATTGAACTTATACTTCATT 58 *****
SRR28734870_RNA NC_057195.1:1397-2930	TTGGAGCTTGATCTGGAAATAGTAGGTACATCTTAAGAACCTTAATTGAAACAGAATTAG 240 TTGGAGCTTGATCTGGAAATAGTAGGTACATCTTAAGAACCTTAATTGAAACAGAATTAG 118 *****
SRR28734870_RNA NC_057195.1:1397-2930	GTCAACCAGGTTATCTAATTGGTGATGATCAAATTATAATGTTATTGTTACTGCTCACG 300 GTCAACCAGGTTATCTAATTGGTGATGATCAAATTATAATGTTATTGTTACTGCTCACG 178 *****
SRR28734870_RNA NC_057195.1:1397-2930	CATTTGTTATAATTTCTTCATAGTAACCTATCATAATTGGAGGATTGGAAATTGAT 360 CATTTGTTATAATTTCTTCATAGTAACCTATCATAATTGGAGGATTGGAAATTGAT 238 *****
SRR28734870_RNA NC_057195.1:1397-2930	TAGTGCCATTAATATTAGGAGCACCGATATAGCCTTCCCCGAATAATAATATAAGTT 420 TAGTGCCATTAATATTAGGAGCACCGATATAGCCTTCCCCGAATAATAATATAAGTT 298 *****
SRR28734870_RNA NC_057195.1:1397-2930	TCTGATTATTACCCCCCTCACTAACCTTTATTAAACCGAGAACGTTGAAATGGAG 480 TCTGATTATTACCCCCCTCACTAACCTTTATTAAACCGAGAACGTTGAAATGGAG 358 *****
SRR28734870_RNA NC_057195.1:1397-2930	CAGGTACAGGATGAACAGTTATCCACCCCTATCTACAGGAATGCCATGCAGGAGCAT 540 CAGGTACAGGATGAACAGTTATCCACCCCTATCTACAGGAATGCCATGCAGGAGCAT 418 *****
SRR28734870_RNA NC_057195.1:1397-2930	CCGTTGACTTAGCCATTTCCTTCATCTAGCCGGATTTCCTCTATCTTAGGAGCTG 600 CCGTTGACTTAGCCATTTCCTTCATCTAGCCGGATTTCCTCTATCTTAGGAGCTG 478 *****
SRR28734870_RNA NC_057195.1:1397-2930	TAAACTTTATTACAACCATAATTAAATACGTGCACCGAGAACCTTACAGAACAC 660 TAAACTTTATTACAACCATAATTAAATACGTGCACCGAGAACCTTACAGAACAC 538 *****
SRR28734870_RNA NC_057195.1:1397-2930	CTCTATTGTTGAGCTGTAGGTATTACAGCTTCTCTTTATTATCCCTCCAGTAC 720 CTCTATTGTTGAGCTGTAGGTATTACAGCTTCTCTTTATTATCCCTCCAGTAC 598 *****
SRR28734870_RNA NC_057195.1:1397-2930	TAGCTGGTGCCTTACTATATTAAACAGATCGAAACCTAAATACATCCTTCTTGATC 780 TAGCTGGTGCCTTACTATATTAAACAGATCGAAACCTAAATACATCCTTCTTGATC 658 *****
SRR28734870_RNA NC_057195.1:1397-2930	CTGCCGGAGGAGGAGACCTATTCTTATCAACATCTATTGATTCTTGGTCATCCAG 840 CTGCCGGAGGAGGAGACCTATTCTTATCAACATCTATTGATTCTTGGTCATCCAG 718 *****
SRR28734870_RNA NC_057195.1:1397-2930	AAGTGTATATTTAATCTACCGGATTGGAATAATTCTCATATTATTAGTCAGAAA 900 AAGTGTATATTTAATCTACCGGATTGGAATAATTCTCATATTATTAGTCAGAAA 778 *****
SRR28734870_RNA NC_057195.1:1397-2930	GAGGAAAAAGGAAGCATTGGTACACTTGAATAATTATGCTATACTAGCTATTGGTT 960 GAGGAAAAAGGAAGCATTGGTACACTTGAATAATTATGCTATACTAGCTATTGGTT 838 *****

SRR28734870\_RNA  
NC\_057195.1:1397-2930

TATAGGATTGTAGTTGAGCACATCACATTTACAGTGGTATAGATGTAGATACAC 1020  
TATAGGATTGTAGTTGAGCACATCACATTTACAGTGGTATAGATGTAGATACAC 898  
\*\*\*\*\*

SRR28734870\_RNA  
NC\_057195.1:1397-2930

GAGCTTATTTACATCAGCAACTATGATCATTGCCGTTCAACAGGAATTAAAATTTCA 1080  
GAGCTTATTTACATCAGCAACTATGATCATTGCCGTTCAACAGGAATTAAAATTTCA 958  
\*\*\*\*\*

SRR28734870\_RNA  
NC\_057195.1:1397-2930

GATGATTAGCTACTCTACACGGATCTCAATTATCCTATAACCCCTCATTATTATGATCAT 1140  
GATGATTAGCTACTCTACACGGATCTCAATTATCCTATAACCCCTCATTATTATGATCAT 1018  
\*\*\*\*\*

SRR28734870\_RNA  
NC\_057195.1:1397-2930

TAGGTTCGTTTCTTATTTACAATTGGTGGGTTAACAGGTATTATCTTAGCAAACCAT 1200  
TAGGTTCGTTTCTTATTTACAATTGGTGGGTTAACAGGTATTATCTTAGCAAACCAT 1078  
\*\*\*\*\*

SRR28734870\_RNA  
NC\_057195.1:1397-2930

CAATTGATATTATTCTTCATGACACTTATTATGTTGAGCTCACTTCCACTATGTTTAT 1260  
CAATTGATATTATTCTTCATGACTTATTATGTTGAGCTCACTTCCACTATGTTTAT 1138  
\*\*\*\*\*

SRR28734870\_RNA  
NC\_057195.1:1397-2930

CTATAGGAGCAGTATTGCTATTATGGCAGGATTCAATTGATATCCATTATTTACCG 1320  
CTATAGGAGCAGTATTGCTATTATGGCAGGATTCAATTGATATCCATTATTTACCG 1198  
\*\*\*\*\*

SRR28734870\_RNA  
NC\_057195.1:1397-2930

GATTAACATAAACCTAAGTGAATAAGGCTCAGTTGGTTATATTATTGGAGTTA 1380  
GATTAACATAAACCTAAGTGAATAAGGCTCAGTTGGTTATATTATTGGAGTTA 1258  
\*\*\*\*\*

SRR28734870\_RNA  
NC\_057195.1:1397-2930

ACTTAACATTCTCCCACAACATTTCTAGGACTAGCAGGTATACTCGACGATATTCTG 1440  
ACTTAACATTCTCCCACAACATTTCTAGGACTAGCAGGTATACTCGACGATATTCTG 1318  
\*\*\*\*\*

SRR28734870\_RNA  
NC\_057195.1:1397-2930

ACTACCCAGATGCCTACACTTCCTGAAATATTTATCCTCATTAGGTTCAACTATTCCT 1500  
ACTACCCAGATGCCTACACTTCCTGAAATATTTATCCTCATTAGGTTCAACTATTCCT 1378  
\*\*\*\*\*

SRR28734870\_RNA  
NC\_057195.1:1397-2930

TAATCGGAATTATTATTAATCTTATCATATGAGAAAGTATAATTTCATATCGAAAAT 1560  
TAATCGGAATTATTATTAATCTTATCATATGAGAAAGTATAATTTCATATCGAAAAT 1438  
\*\*\*\*\*

SRR28734870\_RNA  
NC\_057195.1:1397-2930

CATTATTTCAATAAACCTAACAGTTCTAGAATGGTTCAAATTCCTGCAG 1620  
CATTATTCCTCAATAAACCTAACAGTTCTAGAATGATTCAAATTCCTGCAG 1498  
\*\*\*\*\*

SRR28734870\_RNA  
NC\_057195.1:1397-2930

AACATTCAATTCTAGAATTACCAATTAGCTAATTCTAGCTAAGGAACGTGTTAAGTTATT 1680  
AACATTCAATTCTAGAATTACCAATTAGCTAATT----- 1534  
\*\*\*\*\*

SRR28734870\_RNA  
NC\_057195.1:1397-2930

GAAAATAATGATTTCGATATGAAATTATACTTCTCATATGATAAGGATTAATATAATA 1740  
----- 1534

SRR28734870\_RNA  
NC\_057195.1:1397-2930

ATTCCGATTAAGG 1753  
----- 1534