笔记

1. Python Matplotlib

1.1、柱状图绘制

```
#!/usr/bin/python3
import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
a = np.random.randint(0,20,10000)
b = np.arange(1,10001)
y = a[0::3]
y1 = a[1::3]
y2 = a[2::3]
x = b[0::3]
x1 = b[1::3]
x2 = b[2::3]
rate = (len(y) - list(y).count(0))/len(y)
rate1 = (len(y1) - list(y1).count(0))/len(y1)
rate2 = (len(y2) - list(y2).count(0))/len(y2)
# plt.bar(x, y, color='', label='', width=1]) width为1时,数据之间没有空隙
plt.bar(x, y, color='yellow', label="x rate:{0:.2f}".format(rate),width=1)
plt.bar(x1, y1, color="red",label="x1 rate:{0:.2f}".format(rate1), width=1)
plt.bar(x2, y2, color="green", label='x2 rate:{0:.2f}'.format(rate2), width=1)
plt.legend() # 自 动 添 加 bar 图 例
plt.ylim(0,30) # 设置 y 轴 的 最 大 高 度
plt.ylabel("random")
plt.xlabel("x")
plt.title("random.randint")
plt.show()
```

1.2、饼图

参数	意义	举例/结果		
X	类似于 一维 数组			
explode= <i>None</i>	就是每个模块与中心的距离。如果指定, 就要 每个模块 都指定	explode_[2] = 0.1		
autopct= <i>None</i>	显示百分比的格式	ausopct="%.1%%" 28.8% 15.4% 13.5%		

参数	意义	举例/结果
labels= <i>None</i>	显示标签的内容,强行当作一维List_like	21.5% 26.2% 21.5% 26.2%
colors=None	列表 传参:支持16进制,单字母, 英文代码,(0~1,0~1,0~1), 周末有时间写随机颜色脚本	colors= ["DarkMagenta",'y','#ee0000',
startangle= <i>None</i>	逆时针旋转角度, 以第一个块的右边半径为坐标轴,旋转	startangle=90 1 19.0% 29.3% 20.7% 4
radius= <i>None</i>	radius默认为1	radius=1.5 1 25.5% 11.8% 4
wedegrops=None	略	
textprops=None	略	
data=None		

1.3、折线图

2、格式化输出

format

数字	格式	输出	描述
3.1415926	{:.2f}	3.14	保留小数点后两位
3.1415926	{:+.2f}	+3.14	带符号保留小数点后两位
-1	{:+.2f}	-1.00	带符号保留小数点后两位
2.71828	{:.0f}	3	不带小数
5	{:0>2d}	05	数字补零 (填充左边, 宽度为2)
5	{:x<4d}	5xxx	数字补x (填充右边, 宽度为4)
10	{:x<4d}	10xx	数字补x (填充右边, 宽度为4)
1000000	{:,}	1,000,000	以逗号分隔的数字格式
0.25	{:.2%}	25.00%	百分比格式
100000000	{:.2e}	1.00e+09	指数记法
13	{:10d}		右对齐 (默认, 宽度为10)
13	{:<10d}		左对齐 (宽度为10)
13	{:^10d}		中间对齐 (宽度为10)

3、数据类型转化

函数	说明
int(x [,base])	将x转换为一个整数
long(x [,base])	将x转换为一个长整数
float(x)	将x转换到一个浮点数

函数	说明		
complex(real [,imag])	创建一个复数		
str(x)	将对象 x 转换为字符串		
repr(x)	将对象 x 转换为表达式字符串		
eval(str)	用来计算在字符串中的有效表达式,并返回一个对象		
tuple(s)	将序列 s 转换为一个元组		
list(s)	将序列 s 转换为一个列表		
chr(x)	将一个整数转换为一个字符		
unichr(x)	将一个整数转换为Unicode字符		
ord(x)	将一个字符转换为它的整数值		
hex(x)	将一个整数转换为一个十六进制字符串		
oct(x)	将一个整数转换为一个八进制字符串		

4、linux——awk命令

```
#!/usr/bin/bash
花括号两边必须是单引号
# 基操
awk '{pattern + action}' {filenames}
# 分隔符可以是列表
awk -F"分隔符" '{pattern + action}' {filenames}
awk -F"["\t",':']" '{pattern + action}' {filenames}
# 选择第20-30行
# if的条件必须加括号
awk '{if(NR>=20 && NR<=30) print $1}' {filenames}</pre>
# BEGIN
awk '{count++;print $0;} END{print "user count is ",count}' {filename}
awk 'BEGIN {count=0;print "[start] user count is ",count} {count=count+1;print $0} END{print "[e
# awk '布尔表达式{action}' file 仅当对前面的布尔表达式求值为真时, awk 才执行代码块。
awk -F: '$1=="root"{print $0}' {filename}
awk -F: '($1=="root")&&($5=="root") {print $0}' {filename}
```

5, pandas

5.1.1 读取数据

```
#!/usr/bin/python3

import pandas as pd

# header默认第一行

df = pd.read_csv("file_neme" [,sep="", header=True])
```

5.1.2 保存

```
#!/usr/bin/python3
df.to_csv(output_file, sep="", header=True, index=True)
df.to_excel('*.xlsx', sheet_name='', index=False)
writer = pd.ExcelWriter("*.xlsx", mode='a')
df.to_excel(writer, sheet_name='test_2')
```

5.2 筛选

```
#!/usr/bin/python3
 # 选取f中第0列包含list like中的数据的行
 df[df[0].isin(list_like)]
 # 选取f中第0列不包含list_like中数据的行
 #~ 表示反选
 reault = df[~df[0].isin(list_like)]
 # 模糊筛选 (包含什么)
 ## 单条件
 df.loc[df[0].str.contains("GendId")]
 ## 多条件 不能用 '&'只能用|
 df.loc[df[0].str.conrains("GenId|GenLenth")]
 # 组合筛选时,每个条件都要添加括号
 df2 = df[(df[3]>95) & (df[3]<96)]
 # query 函数
 df.query('列名'>4 & '列名' < 5)
行筛选
 df[(df > 6).any(1)]
5.3 访问数据
 #!/usr/bin/python3
 # 因为人为规定的索引值可能会有重复,而索引位置不会重复
 df.loc['索引']# 就是index·按照index的值来访问.它的类型根据index的类型改变
 df.loc[行索引名称或条件,列索引名称]
 df.iloc[int]# iloc只接受int,它表示第几行,从0开始
 df.iloc[行索引位置,列索引位置]
```

5.4 更改数值

```
#!/usr/bin/python3
df.loc[0] = [.., ..., ...]# 在原来的基础上改变值
df.loc[行值,列值] # 精准定位到某个数据进行更改
df.iloc['index_seq','column']# 同上
## 重命名索引值、列名
df.rename(index,columns,inplace=False) # 默认不替换原数据
df.rename(index={1:'first'},columns={'item':'object'},inplace=True)
## 寻找替换
## 然后需要再赋值给原来的表的列名才行
df["列名"].str.replace("","") # 替换数据中的字符
df['列名'].replace("","") # 更改数据
df.drop("", axis=0) # axis=0刪除行,1,刪除列
# 将df中大于10的值改为10
df[df>10] = 10
# 设置某一列为索引,必须是列名称
df.set_index('id_new')
# 将索引变为第一列
df.reset_index()
```

5.5 添加数据

```
#!/usr/bin/python3
df.insert(第几列, "新列名", [数据]) # 在第几列添加新的列,列名是什么,数据
# 按列添加
col_name = df.columns.tolist()# 读取df列名为 list
col name.insert(1,'D') # 就是对列表进行操作
df.reindex(columns=col name)# 然后根据列名,重新排序df
# 利用 list.index的方法,
col name.insert(col name.index('B'),'D')# 在 B 列前面插入
df.reindex(columns=col_name)
col_name.insert(col_name.index('B')+1,'D') # 在 B 列后面插入
df.reindex(columns=col_name)
# 按行添加数据
temp=pd.DataFrame(like list)
df.append(temp, ignore index=True)
# 在某一行添加数据暂时不考虑,因为如果在不同位置添加多个数据,名称和索引位置会改变,比较麻烦
# 大多数思想都是拆表添加再合并
```

5.6 重复值处理

```
#!/usr/bin/python3

# 会对每个数据计数、重复返回True、否则返回False
df.drop_duplicates(subset,keep)

# 根据sunset中的列名进行重复值去除
# 缺省subset—根据所有的列进行去重
# 缺省keep—保留第一个值 False—不保留所有重复值,last—保留最后一个,first—保留第一个
df.drop duplicates(subset=[列名称1,列名称2],keep)
```

5.7 排序

```
#!/usr/bin/python3

df.sort_values(by=[], axsi=0, ascending=[],inplace=False,na_position='last')

# 根据低1 · 2 · column_name3排序 ·

# 分别是升序 · 降序 · 升序,

# 并且直接作用于原来的数据表

df.sort_values(by=[1,2,column_name3,...], ascending=[True,False,True], inplace=True)

df.sort_index(axis=1) # 对索引进行排序

df.sort_index(axis=0) # 对列名进行排序
```

5.8 计数

```
# 统计

df = df['colname'].value_counts()

df = df['colname'].value_counts(normalize=False) # 是否归一化,也就是百分比形式,默认False

# 分组统计

df = df.groupby('user_id')['song_id'].value_counts().to_frame('count').reset_index()
```

5.9 长—宽列表转换

```
pd.melt(data,)
# 如果不指定values, 会有多层级所列名
df.pivot(columns='features',index='user_contig',values='feature_count') # 长 —> 宽
```

5.10 分割列

```
expend=True # 返回一DataFrame expend=False # 返回列表 df['colname'].str.split('pattern', expand=True [,n=..]) # 将表格中某一列以pattern分割n次,默认有多少 df['colname'].str.rsplti(...) # 反向分割,参数同上
```

5.11 删除满足条件的列/行

```
df.ix[:,~((df==1).all()|(df==0).all())]
df.ix[:, (df != df.ix[0]).any()]
```

5.12 数据绣视表

```
a = pd.read_clipboard(header=0, sep="\t")
pd.pivot_table(a, index=['family'],columns=['HC>RA','p.signif'],values=['.y.'], aggfunc=[len], f
```

5.13 pandas显示问题

```
import pandas as pd
pd.set_option('expand_frame_repr', False) # 解决长度过长时,自动换行的问题
pd.set_option("max_colwidth", int) # 设置显示的值的长度
pd.set_option("max_column", int) # 设置显示的列数
pd.set_option("max_rows", int) # 设置显示的行数
```

5.14、pandas挑选列名相同的列

因为pandas如果读取文件时,设置header=0,出现相同的列名时,会自动在后面加.\d 所以,为了挑选同名的列,可以设置header=None,然后对第0行进行筛选即可

```
import pandas as pd
df = pd.read_csv("./test_data/pandas_5.14.txt", header=0, sep="\t")
print(df)
```

5.15、填充空值

```
import numpy as np
import pandas as pd
df = pd.DataFrame({"name":["apple", "pear", "pig", "dog", "cat"], "number_1":[1,np.nan,3,np.nan,
```

5.16、整张表处理

```
# 每个值站每一列和的百分比
df = df.div(df.sum(axis=0), axis=1)
```

5.17、pandas 天坑

计算每列的和 axis=0

```
import pandas as pd
df = pd.read_csv("./test_data/pandas_5.17.csv", header=0,sep="\t")
print(df.sum(axis=0))
```

```
variable
                                               GA-GC ABS(GA-GC)
                             GΑ
                                        GC
0
          Bacteroidia 48.608199 63.083423 -14.475224
                                                       14.475224
1
       Actinobacteria 6.452157
                                  0.806468
                                             5.645689
                                                        5.645689
2
  Gammaproteobacteria 6.249311
                                  2.652160
                                             3.597150
                                                        3.597150
3
              Bacilli 1.833909
                                  0.143504
                                             1.690405
                                                        1.690405
4
        Negativicutes
                       2.897499
                                                        1.524016
                                  1.373483
                                             1.524016
5
           Clostridia 27.745406 29.187009 -1.441604
                                                        1.441604
```

删除行 axis=0

df.drop(0, axis=0)

```
variable
                                        GC
                                              GA-GC ABS(GA-GC)
                             GΑ
1
       Actinobacteria
                       6.452157
                                  0.806468 5.645689
                                                       5.645689
2
  Gammaproteobacteria 6.249311
                                  2.652160 3.597150
                                                       3.597150
              Bacilli
3
                       1.833909
                                  0.143504 1.690405
                                                       1.690405
4
        Negativicutes
                       2.897499
                                  1.373483 1.524016
                                                       1.524016
           Clostridia 27.745406 29.187009 -1.441604
5
                                                       1.441604
```

6、匿名函数

```
#!/usr/bin/python3
# lambda 表达式
正确:
          lambda x,y:x+y
错误表达:
          lambda x,y:a=x+y
# 对可迭代对象中的每一个元素进行function操作
map( function, iterable )
# reduce 连续映射
from functools import reduce
reduce(lambda x,x+y, list_x [,初始值/list_like])
# 过滤函数,保留条件为True的元素
filter ( lambda x: True if x==1 else False, list_like )
# 结合后的例子
map(lambda x: 满足条件返回值 if 条件 else 不满足条件返回值 ,iterable )
# 可同时迭代两个对象
map( lambda x,y: True_value if condition else False_value, iterable_1,iterable_2 )
```

7, biopython

7.1.1、访问NCBI Entrez数据路

7.1.2、Entrez获取数据库信息

7.1.3、ESearch:搜索Entrez数据库

7.1.4、Epost:上传identifiers列表

7.1.5、ESummary:通过主要的IDs获取摘要

7.1.6、EFetch:从Entrez下载更多记录

7.1.7、FLink:在NCBI Entrez中搜索相关的条目

7.1.8、EGQuery:全局搜索-统计搜索的条目

7.1.9、ESpell:获得拼写建议

7.1.10、解析大的Entrez XML文件

7.1.11、错误处理

7.1.12、专用解析器

7.1.13.1、解析Medline记录

7.1.13.2、解析GEO记录

7.1.13.3、解析UniGEne记录

7.1.14、使用代理

7.1.15、实例

8、生物信息中常见的数据记录格式

8.1、.fastq

每条reads只占用4行

第一行就是sequence identity

第二行是测序得到的碱基

第三行是单独的 +

第四行是碱基质量

sequence identity

@<instrument>:<run number>:<flowcell id>:<lane>:<title>:<x-pox>:<y-pos>:<read>:<is filtered>:<control number>:<ir

格式如下:

@MN00302:280:000H2VKC3:1:11101:5740:1073 1:N:0:27

CCCTAACTTCAACGACTGGTGTCCTCACAGGAAGGGCACGGTAAGACAGATANATAGGGAGAAGNTGGCCATGTGTTGNGACNGAGANNNAAGNTCNNCTGCCACAGNCCNNAGAANACAAAGGATTGNAGNNNCCNGANCGGAAGAGCAC

AAAAGGATTTCTTAATCAAGGAACAAAAAGAACAAACCATGAAGGGAACGACNGTGAAACCCGANTATATGAGGATTANGAANGCTGNINNGAGNGTNINCTAGGTGAGNAGNNTTGGNCAACAAGCTGCNATNINNGGGNGCNGCCATGTGTAA

8.2、.fasta

每条序列占两行

第一行 以 > 开头,接着是sequence header(uniqueness)

下一行 是碱基序列

格式:

省略

8.3 gff

跑基因注释

##gff-version 3

 ctg123
 . exon
 1300
 1500
 . + . id=exon00001

 ctg123
 . exon
 1050
 1500
 . + . id=exon00002

 ctg123
 . exon
 3000
 3902
 . + . id=exon00003

 ctg123
 . exon
 5000
 5500
 . + . ID=exon00004

 ctg123
 . exon
 7000
 9000
 . + . ID=exon00005

1	2	3	4	5	6	7	8	9

reference sequence annotation source feature type start coordinate end coordinate score strand frame attributes

名称	说明	
reference sequence	参照序列	
annotation source	注释来源	
feature type	特征类型	
start coordinate	起点	
end coordinate	终点	

|得分|针对一些量化的属性来表示程度得分

strand |链|+表示正链,-表示负链,frame |.表示不指定步长|通常是编码蛋白质制定下一密码子开始位置。attributes |属性|一个包含众多属性的列表。格式为(tag=value),不同属性之间以分号相隔

9. Shell

递归复制多个目录的相同文件 cp -r /share/data7/zhangy2/projects/2019-07-19/3.anno/*/*/*.sort.depth.log ./ nohup ./program > program.log 2>&1 & # nohup重定向

10. conda

更改 .condarc 可以设置conda的下载源 windows会在用户加目录下,有.condarc文件,更改为一下内容即可

channels: - defaults show_channel_urls: true default_channels: - https://mirrors.tuna.tsinghua.edu.cn/anaconda/pkgs/main - https://mirrors.tuna.tsinghua.edu.cn/anaconda/pkgs/r custom_channels: conda-forge: https://mirrors.tuna.tsinghua.edu.cn/anaconda/cloud msys2: https://mirrors.tuna.tsinghua.edu.cn/anaconda/cloud bioconda: https://mirrors.tuna.tsinghua.edu.cn/anaconda/cloud menpo: https://mirrors.tuna.tsinghua.edu.cn/anaconda/cloud pytorch: https://mirrors.tuna.tsinghua.edu.cn/anaconda/cloud

命令行更改

```
conda config --add channels https://mirrors.tuna.tsinghua.edu.cn/anaconda/pkgs/free conda config --add channels https://mirrors.tuna.tsinghua.edu.cn/anaconda/pkgs/main conda config --set show_channel_urls yes # 恢复默认下载源 conda config --remove-key channels
```

删除环境: conda remove -n name --all # 删除环境中所有的包

重命名: conda create -n tf --clone rcnn

相当于clone,删除原环境即可

11.Git

```
# 在自己的服务器上,创建一个空仓库
 git init --bare sample.git
 # 克隆非22端口服务器仓库
 git clone ssh://jiangminghao@git.data_analyse.cn:22220/home/jiangminghao/sourcecode/.git
 # 查看历史提交记录,短格式
 git reflog
 # 推送
 git push -u origin master
 # 拉取远程仓库
 git pull origin master
 # 版本控制
 git revert <commit-hash> # 往后加一个版本,状态时所选版本
 git diff <hash1> <hash2> # 比较两个版本有什么差异
 # 撤销暂存区中,未提交的件
 git checkout -- <file-name>
 #添加新的远程地址
 git remote add origin ssh://serves@172.16.0.30/~/yafeng/.git
中文显示问题
 git status # 不能显示中文时,先执行
 git config --global core.quotepath false
 # 如果git reflog不能显示中文,
 git config --global core.pager more
进入你的项目根目录
1.设置git gui的界面编码
git config --global gui.encoding utf-8
2.设置 commit log 提交时使用 utf-8 编码,可避免服务器上乱码,同时与linux上的提交保持一致!
 git config --global i18n.commitencoding utf-8
 git config --global i18n.logoutputencoding utf-8
注:
```

windows系统默认编码为gbk,可改成gbk

```
export LANG=zh_CN.UTF-8
则日志输出编码设置为utf-8
git config --global i18n.logoutputencoding utf-8
3.在 /etc/profile 中添加:
export LESSCHARSET=utf-8
```

12. numpy

如果系统设置了:

```
import numpy as np
a = np.array([1,2,3,4,5,6])
# 分割一维列表
print(np.array_split(a, 3)) # 将data分割成几分
```

13, perl

```
# cpan 换源 /.cpan/CPAN/MyConfig.pm
修改为: 'urllist' => [q[http://mirrors.aliyuncs.com/CPAN/]],
```

14, scp

配置后传输还是出问题,是因为安全问题,将安全级别降到最低即可参考链接点击这里

```
# 下载
scp -P  -o stricthostkeychecking=no root@192.168.1.1:/path/ ./
```

15, VIM

小技巧

```
:set nu
:set ff "显示文件编码的方式dos/unix
:set ff=unix "change the code to unix
:r!command "插入命令行的输出内容
:read <filename> " 在下面插入filename的内容
:set cursorline " 高亮当前行
```

16、qsub提交节点任务

```
qsub -cwd -l vf=20g,p=8 -q all.q -V # 提交任务
qhost -j # 查看节点状态
qhold <job id> # 挂起任务
qrls <jobid> # 释放任务
```

17, awk

```
awk打印单引号,需要在双引号中使用一对单引号,转义的单引号
awk使用system ( ) 可以直接执行shell命令
```

```
find ./*/storage/bin_stats.analyze.tsv| awk -F "/" '{cmd="sed '\''s/^/"$2"\t/'\'' " $0;system(cm
```

18、Windows技巧收集

文件名输入空格 Alt+0160

19、python基础包技巧

1、反转字典键值对

```
a = {1:'1', 2:'2'}
print(dict(zip(a.values(), a.keys())))
```

2、创建自己的python包

导入的包名为zy2,下面是具体的方法,在setup.py中添加一下代码

在dist目录中,会有一个打包的压缩包,pip install <package> 即可安装

```
test
— setup.py
— zy2
— __init__.py
— list_like.py
— RandomTreeROC.py
```

20、vscode技巧

1、运行代码块 code-chunk

```
使用插件Markdown Preview Enhanced 可以运行python、shell、R...代码举例:
```python {cmd=true id='1'}
a = {1:'1'}

python {cmd=true continue="1" id="2"} # 使用id为1的代码块中的变量
python {cmd=true matplotlib=true} # 设置显示matplotlib代码块
```

#### 参考:

[1]:https://www.jianshu.com/p/7313d9840edc

[2]:官方文档:https://shd101wyy.github.io/markdown-preview-enhanced/