

A

	CAG6mAG	CTKV6mAG	C5mCWGG	G6mATC	GAT5mC
<i>E. coli</i> plasmid	22	37	97	86	64
<i>E. coli</i>	31	37	98	91	74
<i>S. enterica</i>	88	41	97	92	76
<i>S. aureus</i> plasmid	49	37	34	92	100
<i>S. aureus</i>	22	25	31	88	100
<i>P. aeruginosa</i>	24	41	35	17	34
<i>L. monocytogenes</i>	30	36	34	13	35
<i>E. faecalis</i>	30	45	31	13	33
<i>B. subtilis</i>	28	30	91	14	36

B

Microbial Community Standard

<i>E. coli</i> plasmid	0.78	1.04	1.01	0.97	0.76	0.77	0.68	0.13	0
<i>E. coli</i>	0.86	1.11	1.08	1.05	0.74	0.72	0.58	0	0.13
<i>S. enterica</i>	1.07	1.26	1.24	1.23	0.98	0.78	0	0.58	0.68
<i>S. aureus</i> plasmid	1.18	1.05	1.04	1.02	0.29	0	0.78	0.72	0.77
<i>S. aureus</i>	1.15	1.02	1	0.98	0	0.29	0.98	0.74	0.76
<i>P. aeruginosa</i>	0.57	0.09	0.09	0	0.98	1.02	1.23	1.05	0.97
<i>L. monocytogenes</i>	0.58	0.1	0	0.09	1	1.04	1.24	1.08	1.01
<i>E. faecalis</i>	0.62	0	0.1	0.09	1.02	1.05	1.26	1.11	1.04
<i>B. subtilis</i>	0	0.62	0.58	0.57	1.15	1.18	1.07	0.86	0.78

C

Plasmid Assignment

RN4220 plasmid	0.13	0.3	0.26	0.06	0
RN4220	0.16	0.34	0.29	0	0.06
Dh5a plasmid	0.13	0.05	0	0.29	0.26
Dh5a	0.18	0	0.05	0.34	0.3
mixed plasmid	0	0.18	0.13	0.16	0.13

mixed plasmid

Dh5a

Dh5a plasmid

RN4220

RN422 plasmid

B. subtilis

E. faecalis

L. monocytogenes

P. aeruginosa

S. aureus

S. aureus plasmid

S. enterica

E. coli

E. coli plasmid