

A

	CAG6mAG	CTKV6mAG	C5mCWGG	G6mATC	GAT5mC
E. coli plasmid	22	37	97	86	64
E. coli	31	37	98	91	74
S. enterica	88	41	97	92	76
S. aureus plasmid	49	37	34	92	100
S. aureus	22	25	31	88	100
P. aeruginosa	24	41	35	17	34
L. monocytogenes	30	36	34	13	35
E. faecalis	30	45	31	13	33
B. subtilis	28	30	91	14	36

B

Microbial Community Standard

E. coli plasmid	0.78	1.04	1.01	0.97	0.76	0.77	0.68	0.13	0
E. coli	0.86	1.11	1.08	1.05	0.74	0.72	0.58	0	0.13
S. enterica	1.07	1.26	1.24	1.23	0.98	0.78	0	0.58	0.68
S. aureus plasmid	1.18	1.05	1.04	1.02	0.29	0	0.78	0.72	0.77
S. aureus	1.15	1.02	1	0.98	0	0.29	0.98	0.74	0.76
P. aeruginosa	0.57	0.09	0.09	0	0.98	1.02	1.23	1.05	0.97
L. monocytogenes	0.58	0.1	0	0.09	1	1.04	1.24	1.08	1.01
E. faecalis	0.62	0	0.1	0.09	1.02	1.05	1.26	1.11	1.04
B. subtilis	0	0.62	0.58	0.57	1.15	1.18	1.07	0.86	0.78

C

Plasmid Assignment

RN4220 plasmid	0.13	0.3	0.26	0.06	0
RN4220	0.16	0.34	0.29	0	0.06
Dh5a plasmid	0.13	0.05	0	0.29	0.26
Dh5a	0.18	0	0.05	0.34	0.3
mixed plasmid	0	0.18	0.13	0.16	0.13