**定位**：为研究生物学线粒体基因组科研人员提供便利

**商业机会**：

* 用户只需要给MitoZ提供原始下机数据（fastq文件），MitoZ便能够自动化地完成上述提到的分析任务，直接输出已完成注释的线粒体基因组（Genbank格式）和可视化结果
* MitoZ使用了不同的方法来排除样本污染和核基因组中的线粒体序列（nuclear mitochondrial DNA segments (NUMTs)），从而挑选出正确的线粒体序列

**商业模式**

接受用户打赏